UNIVERSIDADE FEDERAL DE MINAS GERAIS INSTITUTO DE CIÊNCIAS EXATAS DEPARTAMENTO DE QUÍMICA

PREPARO DE NOVOS COMPLEXOS DE Ru(II) COM LIGANTES MISTOS COMO AGENTES FOTOCITOTÓXICOS

ARIANE CARLA CAMPOS DE MELO

Orientadora: Prof^a. ELENE CRISTINA PEREIRA MAIA

BELO HORIZONTE – MG

2017

UFMG/ ICEX/DQ. 1243^a

T. 561^a

Ariane Carla Campos de Melo

Preparo de novos complexos de Ru(II) com ligantes mistos como agentes fotocitotóxicos

Tese apresentada ao Departamento de Química do Instituto de Ciências Exatas da Universidade Federal de Minas Gerais, como requisito parcial para obtenção do título de Doutor em Química- Química Inorgânica.

Área de concentração: Química

Orientadora: Prof^a. Elene Cristina Pereira Maia

Universidade Federal de Minas Gerais Belo Horizonte – MG 2017

Melo, Ariane Carla Campos de Preparo de novos complexos de Ru(II) com ligantes M528p mistos como agentes fotocitotóxicos [manuscrito] / 2017 Ariane Carla Campos de Melo. 2017. т [xiii], 148 f.: il. Orientadora: Elene Cristina Pereira Maia. Tese (doutorado) - Universidade Federal de Minas Gerais - Departamento de Química. Inclui bibliografia. 1. Química inorgânica - Teses 2. Complexos metálicos - Teses 3. Agentes antineoplásicos - Teses 4. Fotoquimioterapia - Teses 5. Compostos de rutênio -Teses 6. Antibióticos - Teses 7. Sulfonamidas - Teses 8. Proteinas - Teses 9. Ácido desoxirribonucléico -Teses 10. Raios X - Difração - Teses I. Maia, Elene Cristina Pereira, Orientadora II. Título. CDU 043



DEDICATÓRIA

Dedico a Deus, à minha mãe e meu pai, às minhas irmãs Aline e Aniela.

AGRADECIMENTOS

A Deus

A minha fortaleza, a minha torre de proteção e o meu libertador, é o meu escudo. Aos meus pais

Pela compreensão em todas minhas ausências, nos momentos de estresse, choro, mau humor e incontáveis reclamações. Por todo apoio emocional e financeiro, sem vocês eu jamais teria realizado este trabalho. Amo vocês!!!

Mãe, obrigada por me ligar três vezes (até mais) por dia, encurtando os 1000 quilômetros que nos separava. Eu sei o quanto foi difícil ficar longe.

Pai, obrigada por sempre me ligar perguntando se eu precisava de alguma coisa, e principalmente por ter me incentivado quando pensei em desistir (maio de 2016).

Às minhas irmãs

Aline e Aniela, minhas melhores amigas, vocês são meu exemplo do espírito de luta. Agradecida também pela paciência e torcida incondicional.

Aos amigos

Gracielle e família, por toda ajuda dedicada a mim, o qual não há palavras para agradecer.

Aline e Aécio, quero agradecer por todo apoio e carinho, todos os conselhos e por sempre estarem ao meu lado nos momentos bons e ruins. Os "piolhos" Fernanda, Diego e Manuela jamais poderiam ficar de fora de meus agradecimentos.

Juscelino, são mais de vinte anos de amizade, seria incoerente não agradecer sua vibração para a condução deste trabalho.

À minha orientadora

Profa. Elene Cristina Pereira Maia,

Por ter me recebido, mesmo sem me conhecer. Pela incansável dedicação, amizade, paciência, incentivo incondicional e experiência compartilhada no desenvolvimento de todas as etapas desta jornada, o meu muito obrigado. Aqui, não posso deixar de mencionar todas as orientações realizadas em sua casa, e agradecer também ao seu esposo Jose Raiumundo e filho Frederico pela compreensão.

Aos alunos de iniciação científica

Jaime Murilo por ter sempre me ajudado nas sínteses e nas medidas, quando precisei, principalmente em horários nada habituais. Não fiquem com ciúme, também adorei trabalhar com Henrique e Jonathan.

Aos colaboradores deste trabalho

Em especial aos professores Bernardo Lages Rodrigues, Adolfo Henrique Moraes e Hernán Terenzi.

Aos professores da pós-graduação e graduação

Pelo conhecimento compartilhado. Em especial ao professor Ruben Dario Sinisterra Millán, agradeço por todas as aulas de inorgânica II e sistemas de liberação de fármacos. Nunca estudei tanto, mas sei que será essencial para etapas futuras.

Ao CNPq

Pelo apoio financeiro.

À UFMG

Por permitir o uso das instalações para a realização deste trabalho.

Aos Funcionários da UFMG

Pela colaboração no desenvolvimento de todas as etapas deste trabalho. Não posso deixar de mencionar quanto os técnicos Marley, Ana, Mirra, Gustavo e Vitor foram primordiais para execução deste trabalho, serei eternamente agradecida. Ao bibliotecário Sérgio por toda paciência.

Aos porteiros Sr Luis e Edson pela simpatia, companhia e cafés nos finais de semana. A todas as secretárias da pós graduação, vocês são lindas.

A todos os colegas de laboratório

Por vocês tenho profunda admiração e gratidão. Obrigada pela companhia nestes quatro anos. Bruno Henrique e Arshad Islan sentirei muita saudade de vocês.

A todos os colegas da pós-graduação

Pois juntos trilhamos uma etapa importante de nossas vidas. A companhia, amizade construída e agradáveis "almoços": Debora Rosa, Herculano, João Otavio, Barbara, Debora, Jeane, Thiago, Will, Kelen, Camila, Ana, Ane, Eduardo, Cleiton, Samara, Walace, Claudilene, Renata, Fernanda, Bernardo, Karine, Cleide, Cristiano, Lenka, Carolina, Gabriel, Ana Delia, Henrique, Gesiane, Juan (USP) e Paulo (USP).

SUMÁRIO	
LISTA DE FIGURAS	I
LISTA DE TABELA	VIII
LISTA DE ABREVIATURA E SIGLAS	IX
LISTA DE ESTRUTURA	X
RESUMO	XII
Palavras chave:	XII
ABSTRACT	XIII
CAPÍTULO 1	1 -
REVISÃO BIBLIOGRÁFICA	1 -
1.1 Introdução geral	1 -
1.2 Complexos de rutênio e atividade antitumoral	2 -
1.2.1 Complexos polipiridínicos com rutênio	5 -
1.3 Antibióticos: uma importante classe de agentes antineoplásicos.	7 -
1.3.1 As sulfas	7 -
1.3.1.1 Sulfametizol	9 -
1.3.1.2 Sulfametoxipiridazina	9 -
1.3.1.3 Sulfametoxazol	10 -
1.3.1.4 Sulfapiridina	12 -
1.2.1.5 Sulfassalazina	12 -
1.4 Hidrazidas	13 -
1.4.1 Hidrazida do ácido 2-tiofenocarboxílico	14 -
1.5 Interação entre complexos metálicos e alvos biológicos	14 -
CAPÍTULO 2	17 -
OBJETIVOS	17 -
2.1 Objetivos	17 -
CAPÍTULO 3	18 -
PARTE EXPERIMENTAL	18 -
3.1- MATERIAIS	18 -
3.1.1- Reagentes e solventes	18 -
3.1.2- Células e cultura	18 -
3.1.2.1- Estudo da Fotocitotoxicidade: Determinação da CI50	19 -

	3.2- SÍNTESES DOS COMPLEXOS	20 -
	3.2.1 Síntese dos precursores de rutênio(II) empregados nas sínteses dos co metálicos inéditos	mplexos 20 -
	3.2.1.1 Preparo do complexo <i>cis</i> -[RuCl ₂ (bpy) ₂]·2H ₂ O	20 -
	3.2.1.2 Preparo do complexo <i>cis</i> -[RuCl ₂ (phen) ₂]	20 -
	3.2.2 Síntese de novos complexos de Ru(II) com ligantes mistos	20 -
	3.2.2.1 Preparo do complexo [Ru(bpy) ₂ (smp)](PF ₆), complexo 1	20 -
	3.2.2.2 Preparo dos complexos 2 a 11	21 -
	3.3 Instrumentos e métodos	22 -
	3.3.1 Análise Elementar: (C, H, N)	22 -
	3.3.2 Temperatura de Fusão/decomposição	22 -
	3.3.3 Análises Condutimétricas	23 -
	3.3.4 Espectroscopia de absorção na região do infravermelho	23 -
	3.3.5 Espectroscopia eletrônica na região do ultravioleta-visível	23 -
	3.3.5.1 Clivagem e fotoclivagem do ADN plasmidial	23 -
	3.3.5.2 Determinação das constantes de ligação ADN-complexo emp espectroscopia eletrônica na região do ultravioleta-visível	oregando 24 -
	3.3.6 Espectroscopia de fluorescência	24 -
	3.3.6.1 Estudo da interação com BSA via espectroscopia de fluorescência	25 -
	3.3.6.2 Estudo da interação com Abl-SH3 via espectroscopia de fluorescênc	cia - 25 -
	3.3.7 Espectroscopia de dicroísmo circular (CD)	25 -
	3.3.7.1 Espectroscopia de dicroísmo circular (CD)	26 -
	3.3.8 Espectrometria de Massas-ESI	26 -
	3.3.9 Ressonância magnética nuclear de hidrogênio- RMN de ¹ H	26 -
	3.3.10.1 Estudo da interação com Abl-SH3 via RMN	26 -
	3.3.11 Cristalografia de raios-X de monocristal	27 -
CA	APÍTULO 4	29 -
F	RESULTADOS E DISCUSSÃO: NOVOS COMPLEXOS DE RUTÊNIO(I	I) COM
S	sulfonamidas e α - α diiminas	29 -
	4.1 Os complexos	29 -
	4.1.1 Análise elementar, condutimetria e temperatura de decomposição	31 -
	4.1.2 Espectroscopia de absorção na região do infravermelho	32 -
	4.1.3 Espectroscopia de eletrônica no ultravioleta visível (UV-Vis)	49 -
	4.1.4 Espectroscopia de fluorescência	55 -

4.1.5 Espectrometria de massas 58 -
4.1.6 Ressonância magnética nuclear de hidrogênio RMN de ¹ H 70 -
4.1.7 Difração de raios X de monocristal 82 -
4.1.8 Atividade citotóxica e fotocitotóxica em células tumorais (Determinação da CI ₅₀) 89 -
4.1.9 Clivagem e fotoclivagem do ADN plasmidial
4.1.10 Estudo de interação dos complexos 3 e 4 com CT-ADN: análise por espectroscopia eletrônica no ultravioleta visível (UV-Vis)
4.1.11 Estudo de interação dos complexos 3 e 4 com ADN: análise por espectroscopia de dicroísmo circular (CD)96 -
4.1.12 Estudo de interação de complexos de Ru(II) com albumina sérica bovina- 97 -
4.1.13 Estudo de interação dos complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10 com domínio Abl-SH3: análise por espectroscopia de fluorescência 106 -
4.1.14 Estudo da interação do domínio Abl-SH3 via RMN de ¹ H 109 -
CAPÍTULO 5 111 -
RESULTADOS E DISCUSSÃO: COMPLEXO DE RUTÊNIO(II) COM A shyd e BYP 111 -
5.1 Complexo com a hidrazida do ácido tiofenocarboxílico 111 -
5.1.1 Análise elementar, condutimetria e temperatura de decomposição 111 -
5.2 Espectroscopia de absorção na região do infravermelho 112 -
5.3 Espectroscopia eletrônica no ultravioleta visível (UV-Vis) 115 -
5.4 Espectroscopia de fluorescência 116 -
5.5 Ressonância magnética nuclear de hidrogênio RMN de ¹ H 118 -
5.6 Espectrometria de massas 120 -
5.7 Atividade citotóxica em células tumorais (Determinação da CI50) 124 -
CONCLUSÃO 125 -
REFERÊNCIAS BIBLIOGRÁFICAS 127 -
ANEXO 1 136 -
Distribuição experimental e teórica para os complexos 3 a 10 136 -
CARACTERIZAÇÃO DE PRECURSORES EMPREGADOS NO PREPARO DO COMPLEXOS DE Ru(II) COM LIGANTES MISTOS 147 -
1 Análise elementar, condutimetria e ponto de decomposição 147 -
2 Espectroscopia de absorção na região do infravermelho 147 -
3 Ressonância magnética nuclear de hidrogênio RMN de ¹ H 151 -

LISTA DE FIGURAS

Figura 1.1 Estruturas químicas do NAMI-A (a) e do KP1019 (b) 3 -
Figura 1.2 Representação da estrutura da cisplatina, cis-diamindicloroplatina (II) e de
seus análogos 4 -
Figura 1.3 Representação da estrutura química de sulfas empregadas como
antimicrobianos 8 -
Figura 1.4 Estrutura química da sulfonamida 4-amino-N- (5-metil-1,3,4-tiadiazole-2-
11)
Figura 1.5 Estrutura química da sulfametoxipiridazina $(C_{11}H_{12}N_4O_3S)$ 10 -
Figura 1.6 Estrutura química do sulfametoxazol. Em negrito estão destacados os
possívels sítios de coordenação
Figura 1.7 Estrutura química da trimetoprima, base fraca lipofilica
Figura 1.8 Estrutura química do sultapiridina ($C_{11}H_{11}N_3O_2S$) 12 -
Figura 1.9 Representação geral da estrutura química dos complexos de ssz e os metais clasificas M_{2} (II). Co (II). Sp (II) o Po (II)
alcalinos Mg (II), Ca (II), Sf (II) e Ba (II). $-13 -$
Figura 1.10 Representação geral da estrutura química dos complexos [M(snyd) ₂ X ₂], em sus M. Mr^{2+}_{2+} Cr^{2+}_{2+}
que $M = M n^{-1}$, $C 0^{-1}$, $N 1^{-1}$, $C 0^{-1}$, $Z n^{-1}$, $C 0^{-1}$ e $X = N O_3(a)$ e $C I(b)$
Figura 4.1 Esquema representativo da equação generica para obter complexos 1 a 8
Figura 4.2 Esquema representativo da equação generica para obter complexos 9 e 10
JI - Figure 13 Espectro de obsorção no região do infrovermelho do presursor (cis [PuC]o
$(bny)_2$]·2H ₂ O ligante smp e complexo 1 - 35 -
Figura 4.4 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (<i>cis</i> -[RuCl ₂
(phen)2]·2H2O, ligante smp e complexo 2
Figura 4.5 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (<i>cis</i> -[RuCl ₂
$(bpv)_2$]·2H ₂ O, ligante smz e complexo 3
Figura 4.6 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (<i>cis</i> -[RuCl ₂
$(phen)_2$]·2H ₂ O, ligante smz e complexo 4 38 -
Figura 4.7 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (<i>cis</i> -[RuCl ₂
$(bpy)_2$]·2H ₂ O, ligante spd e complexo 5
Figura 4.8 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (<i>cis</i> -[RuCl ₂
$(phen)_2$]·2H ₂ O, ligante spd e complexo 6 40 -
Figura 4.9 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (cis-[RuCl ₂
$(bpy)_2]\cdot 2H_2O$, ligante smx e complexo 7 42 -
Figura 4.10 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (cis-[RuCl ₂
$(phen)_2$]·2H ₂ O, ligante smx e complexo 8 43 -
Figura 4.11 Espectro de absorção na região do infravermelho do ligante bpy 44 -
Figura 4.12 Espectro de absorção na região do infravermelho do ligante phen 44 -
Figura 4.13 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (cis-[RuCl ₂
$(bpy)_2]\cdot 2H_2O$, ligante ssz e complexo 9

Figura 4.14 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (cis-[RuCl ₂
(phen) ₂]·2H ₂ O, ligante ssz e complexo 10 48 -
Figura 4.15 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ em tampão Hepes pH
7,2 dos ligantes bpy, phen e smp e os complexos 1 e 2 50 -
Figura 4.16 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ em tampão Hepes pH
7,2 dos ligantes bpy, phen e smz e os complexos 3 e 4 51 -
Figura 4.17 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ em tampão Hepes pH
7,2 dos ligantes bpy, phen e spd e os complexos 5 e 6 51 -
Figura 4.18 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ em tampão Hepes pH
7,2 dos ligantes bpy, phen e smx e os complexos 7 e 8 52 -
Figura 4.19 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ em tampão Hepes pH
7,2 dos ligantes bpy, phen e ssz e os complexos 9 e 10 52 -
Figura 4.20 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ dos complexos 1 e 2 em
tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas 54 -
Figura 4.21 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ dos complexos 3 e 4 em
tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas 54 -
Figura 4.22 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ dos complexos 5 e 6 em
tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas 54 -
Figura 4.23 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ dos complexos 7 e 8 em
tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas 55 -
Figura 4.24 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L ⁻¹ dos complexos 9 e 10
em tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas 55 -
Figura 4.25 Espectro de fluorescência dos complexos 1 ($1,0 \times 10^{-4} \text{ mol } L^{-1}$, $\lambda_{\text{excitação}} =$
470 nm) 2 (5,0× 10 ⁻⁵ mol L ⁻¹ , $\lambda_{excitação}$ = 472 nm), em tampão hepes pH 7,2 a
temperatura ambiente 56 -
Figura 4.26 Espectro de fluorescência dos complexos 3 (1,0 × 10 ⁻⁴ mol L ⁻¹ , $\lambda_{excitação}$ =
454 nm) 4 (5,0× 10 ⁻⁵ mol L ⁻¹ , $\lambda_{\text{excitação}}$ = 468 nm), em tampão hepes pH 7,2 56 -
Figura 4.27 Espectro de fluorescência dos complexos 5 ($1,0 \times 10^{-4} \text{ mol } \text{L}^{-1}$, $\lambda_{\text{excitação}} =$
488 nm) 6 (5,0× 10 ⁻⁵ mol L ⁻¹ , $\lambda_{\text{excitacão}}$ = 486 nm), em tampão hepes pH 7,2 a
temperatura ambiente 57 -
Figura 4.28 Espectro de fluorescência dos complexos 7 ($1.0 \times 10^{-4} \text{ mol } \text{L}^{-1}$, $\lambda_{\text{excitação}} =$
468 nm) 8 (5.0× 10 ⁻⁵ mol L ⁻¹ , $\lambda_{\text{excitacão}} = 473$ nm), em tampão hepes pH 7.2 a
temperatura ambiente
Figura 4.29 Espectro de fluorescência dos complexos 9 (1.0 × 10 ⁻⁴ mol L ⁻¹ , $\lambda_{\text{avcitação}} =$
489 nm) 10 (5.0x 10^{-5} mol L ⁻¹ $\lambda_{\text{avertage}} = 495$ nm) em tampão hepes pH 7.2 a
temperatura ambiente
Figura 4.30 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 1 - 59

Figura 4.31 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila:acetona (1:1) do complexo 2.- 59

Figura 4.32 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1). 60 -

Figura 4.33 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).- 61 - **Figura 4.34** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+2}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).- 63 - **Figura 4.35** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+2}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).- 64 - **Figura 4.36** Espectro ESI-MS em solução acetonitrila:acetona (1:1) do complexo **3**.- 65

Figura 4.37 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 4.- 65

Figura 4.38 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 5.- 66

Figura 4.39 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 6.- 67

Figura 4.40 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 7.- 67

Figura 4.41 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 8.- 68

Figura 4.42 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila:acetona (1:1) do complexo 9.- 69

Figura 4.43 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila:acetona (1:1) do complexo **10**.... - 69 -

Figura 4.44 Espectro de RMN de ¹ H do ligante bpy, (C ₁₀ H ₈ N ₂), em dmso-d ₆ a 298K,
400 MHz 70 -
Figura 4.45 Espectro de RMN de ¹ H do ligante phen, $(C_{12}H_8N_2)$, em dmso-d ₆ a 298K,
400 MHz 71 -
Figura 4.46 Espectro de RMN de ¹ H do ligante smp (C ₁₁ H ₁₂ N ₄ O ₃ S), em dmso-d ₆ a
298K, 400 MHz 72 -
Figura 4.47 Espectro de RMN de ¹ H do ligante smz (C ₉ H ₁₀ N ₄ O ₂ S ₂), em dmso-d ₆ a
298K, 400 MHz 73 -
Figura 4.48 Espectro de RMN de ¹ H do ligante spd (C ₁₁ H ₁₁ N ₃ O ₂ S), em dmso-d ₆ a
298K, 400 MHz 73 -
Figura 4.49 Espectro de RMN de ¹ H do ligante smx (C ₁₀ H ₁₁ N ₃ O ₃ S), em dmso-d ₆ a
298K, 400 MHz 74 -
Figura 4.50 Espectro de RMN de ¹ H do ligante ssz (C ₁₈ H ₁₄ N ₄ O ₅ S), em dmso-d ₆ a
298K, 400 MHz
Figura 4.51 Espectro de RMN de ¹ H do complexo 1 , em dmso-d ₆ a 298K, 400 MHz- 77

Figura 4.52 Espectro de RMN de ¹H do complexo **2**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. ... - 77 -

Figura 4.53 Espectro de RMN de ¹H do complexo **3**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. ... - 78 -

Figura 4.54 Espectro de RMN de ¹H do complexo **4**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. ... - 78 -

Figura 4.55 Espectro de RMN de ¹H do complexo **5**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. ... - 79 -

Figura 4.56 Espectro de RMN de ¹H do complexo **6**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. ... - 79 -

Figura 4.57 Espectro de RMN de ¹H do complexo **7**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. ... - 80 -

Figura 4.58 Espectro de RMN de ¹H do complexo 8, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. ... - 80 -

Figura 4.59 Espectro de RMN de ¹H do complexo **9**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. ... - 81 -

Figura 4.60 Espectro de RMN de ¹H do complexo **10**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz. - 82 -

Figura 4.61 Projeção do conteúdo da célula unitária monoclínica do complexo **1** ao longo do eixo a (cinza: x, y, z; verde: -x, 1/2 + y, 1/2 – z; amarelo: -x, -y- z; rosa: -x, 1/2 - y, 1/2 + z).....-83 - **Figura 4.62** Projeção do conteúdo da célula unitária triclínica do complexo **2** ao longo do eixo a (cinza: x, y, z; amarelo: -x, -y, -z).....-83 - 83 -

Figura 4.63 Projeção ORTEP da estrutura molecular dos complexos 1 (esquerda) e 2 (direita), com a simbologia dos átomos. Átomos não-hidrogenóides são representados como elipsóides de probabilidade 50%, enquanto que todos os átomos de hidrogênio foram suprimidos.....-85 -

Figura 4.64 Esquema representativo das interações intermoleculares do complexo **1**, ao longo de z-90. As interações de hidrogênio clássicas entre complexo **1** e molécula de água são esquematizadas pela linha verde tracejada. As distâncias entre os centros dos anéis de bpy e smp foram calculados e são exibidos através das linhas pretas tracejadas.-88 -

Figura 4.65 Esquema representativo das interações intermoleculares (superior) e intramoleculares (inferior) do complexo 2, ao longo de z+90. As interações de hidrogênio clássicas entre complexo 2 e molécula de álcool isopropílico são esquematizadas pela linha azul. As distâncias entre os centros dos anéis de phen e smp, e phen e phen, foram calculados e são exibidos através das linhas pretas tracejadas.- 89 -Figura 4.66 Clivagem do DNA plasmidial pBSK-II pelos complexos 1 (à esquerda) e 2 (à direita) na ausência de luz UV. Condições reacionais: [DNA] = 330 ng, ~ 25 μ M; $[Tampão] = Hepes (10 \text{ mM}, \text{pH } 7,0); [complexos] = 0 a 500 \mu\text{M}; Temperatura = 37 °C;$ Tempo = 16 horas ao abrigo de luz. Eletroforese em gel de agarose. Resultados expressos como média ± desvio padrão de três experimentos independentes.- 92 -Figura 4.67 Fotoclivagem do DNA plasmidial pBSK-II pelos complexos 1 (à esquerda) e 2 (à direita). Condições reacionais: $[ADN] = 330 \text{ ng}, \sim 25 \mu\text{M}; [Tampão] = \text{Hepes} (10 \text{ m})$ mM, pH 7,0); [complexo] = 0 a 500 μ M; Tempo = 5 minutos (A), 10 minutos (B), 15 minutos (C) sob luz UV. Eletroforese em gel de agarose. Resultados expressos como média ± desvio padrão de três experimentos independentes.....-93 -Figura 4.68 Comparação da atividade de clivagem de ADN nos complexos 1 e 2 a 100 μM (em ausência de luz durante 16 h e após diferentes tempos de exposição à luz UV). -94 -

Figura 4.69 Espectros de soluções contendo os complexos 3 (superior) e 4 (3,0 x 10^{-5} mol L⁻¹) e crescentes concentrações de ADN de 0 a 6,2 x 10⁻⁴ mol L⁻¹ em tampão TRIS Figura 4.70 Espectro de dicroísmo circular de CT-DNA (1,5×10⁻⁴ mol L⁻¹) em 2,5×10⁻³ mol L⁻¹ de tampão Tris pH 7,2 na ausência e presença dos complexos **3** e **4** $(3.9 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹).....- 97 -Figura 4.71 Interações dos complexos 1, 2, 3 e 4 com albumina sérica bovina. Espectros de emissão de fluorescência da BSA (1,0 x 10^{-6} mol L⁻¹: λ excitação = 280 nm) na presença de concentrações crescentes dos complexos. Relação molar complexo-BSA variando de (a= 0, b=1,66, c=1,65, d=4,95, e=6,57, f=8,19, g=9,8, h=11,4, i= 12,9, j=14, 5, l=16,1). Reta inserida: plotagem de [(F₀-F)-1] vs [complexo].....-99 -Figura 4.72 Interações dos complexos 5, 6, 7, 8, 9 e 10 com albumina sérica bovina. Espectros de emissão de fluorescência da BSA (1.0 x 10^{-6} mol L⁻¹: λ excitação = 280 nm) na presença de concentrações crescentes dos complexos. Relação molar complexo-BSA variando de (a= 0, b=1,66, c=1,65, d=4,95, e=6,57, f=8,19, g=9,8, h=11,4, i= 12,9, j=14, 5, l=16, 1). Reta inserida: plotagem de $[(F_0-F)-1]$ vs [complexo].....- 100 -**Figura 4.73** Gráficos de $\log\{(F_0-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos 1 (esquerda), e 2 (direita).- 101 -**Figura 4.74** Gráficos de $\log\{(F_0-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos **3** (esquerda), e 4 (direita).- 102 -**Figura 4.75** Gráficos de $\log\{(F_0-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos **5** (esquerda), e **6** (direita).- 102 -**Figura 4.76** Gráficos de $\log\{(F_0-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos 7 (esquerda), e **8** (direita).- 103 -Figura 4.77 Gráficos de $\log\{(F_0-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos 9 (esquerda), e **10** (direita).- 103 -Figura 4.78 Efeito da irradiação na fluorescência da BSA e dos complexos 3 e 4. A solução de amostra contendo 1.0×10^{-6} M dos complexos **3** e **4** e 1.0×10^{-6} M BSA em tampão Tris (pH 7,2) foi irradiada durante 30 min, $\lambda_{excitação} = 365$ nm.....- 105 -Figura 4.79 Efeito da irradiação na fluorescência da BSA e dos complexos 9 e 10. A solução de amostra contendo $1,0 \times 10^{-6}$ M de complexos 9 e 10 e $1,0 \times 10^{-6}$ M BSA em tampão Tris (pH 7,2) foi irradiada durante 30 min, $\lambda_{\text{excitação}} = 365$ nm.....- 106 -Figura 4.80 Fotodegradação da BSA pelos complexos de rutênio(II). [complexo] = $[BSA] = 1.0 \times 10^{-6} \text{ M} \text{ (pH 7,2)}$. Tempo de irradiação = 30 min, $\lambda_{\text{excitação}} = 365 \text{ nm.}$ - 106

Figura 4.81 Interações dos complexos **1**, **2**, **3**, **4**, **9** e **10** com a proteína Abl-SH3. Espectros de emissão de fluorescência da Abl-SH3 (1,0 x 10^{-6} mol L⁻¹: λ excitação = 280 nm) na presença de concentrações crescentes dos complexos. Relação molar complexo-Abl-SH3 variando de (a= 0, b=2,00, c=3,96, d=5,92, e=7,87, f=9,80, g=11,7, h=13,61, i= 15,5, j=17,37, l=19,2). Reta inserida: plotagem de log{(F₀-F)/F} versus log[complexo]....-108 -

Figura 4.82 (A) Coeficiente de perturbação do deslocamento químico (CSP, sigla em inglês) em função da sequência primária ABL-SH3. Os valores de CSP foram

calculados a partir da diferença dos valores de desvio químico ¹H e ¹⁵N nos espectros HSOC ¹H-¹⁵N de ABL-SH3 marcado com ¹⁵N em solução com o Complexo 2. A linha de corte, cor magenta, é a soma do valor médio e o desvio padrão, ambos calculados utilizando todos os valores de CSP. (B) Os resíduos com CSP superior ao valor de corte foram coloridos em magenta na estrutura cristalina de ABL-SH3 (PDB ID: 4JJC). As cadeias laterais desses resíduos também são destacadas.....- 110 -Figura 5.1 Esquema representativo da equação genérica para obter complexo 11. - 112 -Figura 5.2 Espectro de absorção na região do infravermelho da shyd.....- 113 -Figura 5.3 Espectro de absorção na região do infravermelho para o complexo 11.- 115 -**Figura 5.4** A esquerda, espectro eletrônico de soluções 3.0×10^{-5} mol L⁻¹ dos ligantes bpy e shyd e complexo 11 em tampão Hepes pH 7,2, e a direita, espectro eletrônico de soluções 3.0×10^{-5} mol L⁻¹ do complexo **11** em tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas....- 116 -Figura 5.5 Espectro de fluorescência do complexo 11 (5,0× 10^{-4} mol L⁻¹, λ excitação = 492 nm) em tampão hepes pH 7,2 a temperatura ambiente.....- 117 -Figura 5.6 Interação do complexo 11 com albumina sérica bovina. Espectros de emissão de fluorescência da BSA (1,0 x 10^{-6} mol L⁻¹: λ excitação = 280 nm) na presença de concentrações crescentes do complexo. Relação molar complexo-BSA variando de (a= 0, b=1,66, c=1,65, d=4,95, e=6,57, f=8,19, g=9,8, h=11,4, i= 12,9, j=14, 5, l=16,1). Reta inserida: plotagem de $[(F_0-F)-1]$ vs [complexo]. Gráficos de $log\{(F_0-F)/F\}$ versus log[Q] (à direita).....- 118 -**Figura 5.7** Espectro de RMN de ¹H do ligante shyd, ($C_5H_6N_2OS$), em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.- 119 -Figura 5.8 Espectro de RMN de ¹H do complexo [Ru(bpy)₂shyd](PF₆)₂ em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.- 120 -Figura 5.9 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 11.....-121 -Figura 5.10 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie

Figura S7 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie
$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+2} em solução acetonitrila: acetona (1:1)142 - 142 -$
Figura S8 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1} \ em \ solução \ acetonitrila: acetona \ (1:1). \ 143 - 143$
Figura S9 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie
$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1} \ em \ solução \ acetonitrila: acetona \ (1:1). \ 144 - 144$
Figura S10 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie
$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{18}H_{13}N_4O_5S)]^{+1} \ em \ solução \ acetonitrila: acetona \ (1:1). \ 145 - 145$
Figura S11 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{18}H_{13}N_4O_5S)]^{+1} \ em \ solução \ acetonitrila: acetona \ (1:1). \ 146 - 146$
Figura S12 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor cis[RuCl ₂
(bpy) ₂]·H ₂ O 148 -
Figura S13 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor cis-
[Ru(phen) ₂ Cl ₂] 150 -
Figura S14 Espectro de RMN de ¹ H do precursor <i>cis</i> -[RuCl ₂ (bpy) ₂], em dmso-d ₆ a
298K, 400 MHz 152 -
Figura S15 Espectro de RMN de ¹ H do precursor <i>cis</i> -[RuCl ₂ (phen) ₂], em dmso-d ₆ a
298K, 400 MHz 153 -

LISTA DE TABELA

Tabela 3.1 Massas dos precursores e ligantes usados nas sínteses dos complexos 2 a 11. - 22 -
Tabela 4.1 Dados das análises elementares, medidas de condutividade e ponto de fusão
dos complexos 1 a 10 32 -
Tabela 4.2 Principais frequências (cm-1) na região do infravermelho dos complexos 1 a
8 e ligantes sulfas 33 -
Tabela 4.3 Modos vibracionais de estiramento v(C=C), v(C=N), v3 (F1u), v4 (F1u) e
deformação angular fora do plano vC-H, vCCN, vCCC que aparecem região do
infravermelho dos complexos 9 e 10 e dos ligantes bpy e phen 41 -
Tabela 4.4 Modos vibracionais de estiramento v(C=C), v(C=N), v3 (F1u), v4 (F1u) e
deformação angular fora do plano vC-H, vCCN, vCCC que aparecem região do
infravermelho dos complexos 9 e 10 e dos ligantes bpy e phen 49 -
Tabela 4.5 Principais bandas ($\lambda_{máx}$ absorção) observadas nos espectros eletrônicos dos
ligantes bpy, phen e sulfas 49 -
Tabela 4.6 Valores de m/z (experimental e calculado) para os complexos de rutênio
(II) 58 -
Tabela 4.7 Atribuições dos sinais de RMN de ¹ H as sulfas smp, smz, spd e smx 72 -
Tabela 4.8 Atribuição dos sinais de RMN de ¹ H do ligante ssz em dmso-d6 a 298K,
400 MHz 74 -
Tabela 4.9 Atribuições dos sinais de RMN de ¹ H dos complexos 1 a 8.76 -
Tabela 4.10 Dados de coletas e refinamento das estruturas dos complexos 1 e 2 84 -
Tabela 4.11 Comprimentos e ângulos de ligações selecionados para os átomos
envolvidos na coordenação ao rutênio nos complexos 1 e 2. Desvio padrão entre
parênteses 86 -
Tabela 4.12 Comprimentos e ângulos de ligações selecionados para os complexos 1 e 2.
Desvio padrão entre parênteses 86 -
Tabela 4.13 Geometrias das ligações de hidrogênio clássicas presentes nas estruturas
dos complexos 1 e 2 87 -
Tabela 4.14 Valores de CI_{50} para os ligantes bpy, phen, smp, smx e aos complexos de 1
a 10 com tempo de incubação de 72 horas 90 -
Tabela 4.15 Valores de CI ₅₀ para complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10 com e sem irradiação UV-
A por 5 minutos, tempo de incubação de 4 horas 91 -
Tabela 4.16 Constantes de Stern-Volmer (Ksv), constante de velocidade bimolecular de
supressão (kq), constante de ligação (Kb), número de sítios de ligação (n) e coeficientes
de determinação da regressão linear (R ²) para a interação dos complexos de rutênio(II)
de ligantes mistos 104 -
Tabela 5.1 Dados das análises elementares, medidas de condutividade e ponto de fusão
do complexo 11 111 -

LISTA DE ABREVIATURA E SIGLAS

 $\Lambda_{\rm M}$ = condutividade em solução 1,0 x 10⁻³ mol L⁻¹

- δ = deformação angular na espectroscopia de absorção de infravermelho
- v = estiramento na espectroscopia de absorção de infravermelho
- ADN= ácido desoxirribonucléico
- byp= 2,2'-bipiridina
- dmso= dimetilsulfóxido (CH₃SOCH₃)
- ddpz= 2,3' dipiridofenazina
- DRMX= Difração de raios-X de monocristal
- ESI-MS= Espectrometria de massas com ionização por eletrospray

Hepes= ácido 2-[4-(2-Hidroxietil)-1-piperazino]-etanossulfônico

LMC= leucemia mielóide crônica

TRIS= tris(hidroximetil)aminometano

 $M = mol L^{-1}$

phen= 1,10 fenantrolina

RMN ¹H= Ressonância paramagnética de hidrogênio

Ru= rutênio

shyd= hidrazida do ácido 2-tiofenocarboxílico

smp= sulfametoxipiridazina

smx= sulfametoxazol

spd= sulfapiridina

```
smz= sulfametizol
```

ssz=sulfassalazina

TCML= transferência de carga do metal para o ligante

tpy=2'2''6''2'''-terpiridina

UV= região do ultravioleta no espectro eletromagnético

Vis= região do visível no espectro eletromagnético

CI50= concentração inibitória média

LISTA DE ESTRUTURA





RESUMO

Uma das aplicações mais importantes de complexos metálicos é no tratamento do câncer. O aparecimento de resistência celular e os efeitos colaterais aos medicamentos atualmente disponíveis têm incentivado a pesquisa de novos compostos. Neste trabalho, sintetizamos onze complexos inéditos de Ru(II) do tipo $[RuLL'_2]PF_6$, onde L = sulfametizol (smz), sulfametoxazol (smx), sulfassalazina (ssz), sulfametoxipiridazina (smp), sulfapiridina (spd) ou hidrazida do ácido 2-tiofenocarboxílico (shyd), L' = 2,2'bipiridina (bpy) ou 1,10-fenantrolina (phen). Os complexos foram caracterizados por análise elementar, condutimetria, temperatura de decomposição, espectroscopias no UV-vis e IV, RMN de ¹H, espectrometria de massas (ESI-MS). Os complexos $[Ru(bpy)_{2}smp](PF_{6})$ (1) e $[Ru(phen)_{2}smp](PF_{6})$ (2) tiveram a estrutura determinada por difração de raios X de monocristal. Em todos os complexos a geometria em torno do íon metálico é octaédrica distorcida. Nos complexos de spd, smz, smx e smp, o Ru(II) está coordenado às sulfas através do nitrogênio sulfonamídico desprotonado e do nitrogênio do anel heterocíclico; nos complexos de ssz o rutênio está coordenado aos oxigênios docarboxilato bidentado; e no complexo da shyd, ao oxigênio da amida e ao nitrogênio da amina. A esfera de coordenação é completada por dois nitrogênios heterocíclicos das α , α -diiminas. Os complexos ligam-se à BSA por mecanismo estático com constantes de ligação variando de 10⁴ a 10⁶. O efeito dos complexos no crescimento de células de leucemia mielóide crônica foi avaliado. Todos os complexos possuem atividade citotóxica significativa e superior à dos ligantes livres. Os complexos 1 e 2 foram os mais ativos. As atividades fotocitotóxicas dos complexos 1, 2, $[Ru(bpy)_{2}smz](PF_{6})$ (3), $[Ru(phen)_2 smz](PF_6)$ (4), $[Ru(bpy)_2 ssz](PF_6)$ (9) e $[Ru(phen)_2 ssz](PF_6)$ (10) foram investigadas. A exposição à luz UV-A por 5 minutos induziu um aumento na atividade citotóxica dos complexos, com aumento de cerca de 100 vezes para o complexo 2. Os complexos 1 e 2 clivam o ADN de plasmídeo após irradiação com luz UV-A. A substituição de phen por bpy resultou na diminuição do efeito citotóxico e na clivagem de ADN. Os complexos 1 e 2 ligam-se ao CT-ADN com os valores de K = 2.8×10^4 mol L⁻¹ e 2,5 \times 10⁵ mol L⁻¹, respectivamente. Os complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10 interagem com o domínio regulatório SH3 da proteína c-Abl, que é responsável pelo desenvolvimento de leucemia mieolóide crônica. As constantes de ligação, determinadas por espectrofluorimetria, foram $1,50 \times 10^5$, $2,50 \times 10^5$, $9,78 \times 10^3$, $7,99 \times 10^5$ 10^{6} , 4,16 × 10^{4} e 4,02 × 10^{5} L mol⁻¹ para os complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10, respectivamente. Estudos da interação do complexo 2 com o domínio Abl-SH3 mostraram, através dos espectros de RMN, que os resíduos mais afetados foram T79, G97, W99 e Y115.

Palavras chave: antitumoral, fotocitotoxicidade, complexos de Ru(II), ligantes mistos, domínio Abl-SH3, ADN e BSA.

ABSTRACT

One of the most important uses of metal compounds is in the treatment of cancer. The appearance of cellular resistance and the side effects associated to the known drugs have stimulated the search for new compounds. In this work, we have synthesized novel ternary complexes of Ru(II) with N-heterocyclic ligands. Eleven complexes of Ru(II) of type $[RuLL_2']PF_6$ in which L = sulfamethizole (smz), sulfamethoxazole (smx), sulfasalazine (ssz), sulfamethoxypyridazine (smp), sulfapyridine (spd), or 2thiophenecarboxylic acid hydrazide (shyd), L' = 2,2'-bipyridine (bpy) or 1,10phenanthroline (phen) were prepared. The complexes were characterized by elemental and conductivity analyses, decomposition temperature, UV-vis, ¹H NMR, and IR spectroscopies, electrospray ionization mass spectrometry (ESI-MS). The structures of $[Ru(bpy)_2 smp](PF_6)$ (1) and $[Ru(phen)_2 smp](PF_6)$ (2) were determined by single crystal X-ray diffraction. In all complexes, the geometry around the metal ion is a distorted octahedron. In the complexes with smz, smx, spd and smp, Ru(II) is coordinated to the sulfa via the sulfonamidic nitrogen and the nitrogen of the heterocyclic ring; in the complexes with ssz Ru(II) is coordinated to the carboxylate as a chelating ligand; and in the complex with shyd via the terminal nitrogen and the carbonyl oxygen. Two heterocyclic nitrogens of the $\alpha \Box \alpha$ -dimines complete the coordination sphere. The interactions between the Ru (II) complexes and bovine serum albumin (BSA) were investigated by fluorescence spectroscopy at pH 7.3. The experimental data indicate that both complexes bind to BSA by a static mechanism. The complexes bind to BSA with binding constants ranging from 10^4 to 10^6 . The effect of complexes in the growth of chronic myelogenous leukemia cells was investigated. All complexes exhibit significant cytotoxic activity and higher than those of the corresponding free ligands. The photocytotoxic activity of the complexes 1. 2 $[Ru(bpy)_2smz](PF_6)$ (3). $[Ru(phen)_2 smz](PF_6)$ (4), $[Ru(bpy)_2 ssz](PF_6)$ (9) and $[Ru(phen)_2 ssz](PF_6)$ (10) was also investigated. UV-light exposure for 5 min increases cytotoxicity of all complexes, with an increase of approximately 100 times in the case of 2. Complexes 1 and 2 cleave supercoiled DNA after UV light irradiation but not in dark conditions. Complexes 1 and 2 bind to CT-DNA with the values of $K = 2.8 \times 10^4$ mol L⁻¹ and 2.5×10^5 mol L⁻¹, respectively. Complexes 1, 2, 3, 4, 9 and 10 interact with the regulatory domain SH3 of the c-Abl protein, which is responsible for the development of chronic myeloid leukemia. The binding constants, determined by spectrofluorimetry, were 1.50×10^5 , 2.50×10^5 , 9.78×10^3 , 7.99×10^6 , 4.16×10^4 and 4.02×10^5 L mol⁻¹ for complexes 1, 2, 3, 4, 9 and 10, respectively. NMR studies of the interaction of complex 2 with the Abl-SH3 domain showed that the most affected residues were T79, G97, W99 and Y115.

Key words: antitumor, photocytotoxicity, Ru(II) complexes with mixed ligands, domain ABL-SH3, DNA and BSA.

1 CAPÍTULO 1

2 REVISÃO BIBLIOGRÁFICA

3 1.1 Introdução geral

4 Um câncer é uma massa anormal de tecido cujo crescimento ultrapassa e não é 5 coordenado aos tecidos normais e persiste na mesma maneira excessiva depois da 6 interrupção dos estímulos que deram origem à mudança [1]. Em outros termos, o câncer 7 é uma doença de células caracterizada por um desvio dos mecanismos de controle que 8 dirigem a proliferação e a diferenciação celular. [2]. Os tipos de câncer são agrupados 9 em grandes categorias: os carcinomas, os sarcomas, as leucemias, os linfomas e 10 mielomas e os tumores do sistema nervoso central [1,2]. A velocidade de multiplicação 11 das células e a capacidade de invadir tecidos e órgãos vizinhos ou distantes também 12 diferenciam os diversos tipos de câncer [1]. Por exemplo, o câncer de mama que se 13 dissemina para o pulmão formando um tumor metastático é o câncer de mama 14 metastático e não um câncer de pulmão [2]. Assim, câncer metastático é aquele que se 15 espalhou a partir do lugar onde se iniciou para outro local do corpo [1,2].

16 O perfil epidemiológico do câncer pode ser atribuído ao envelhecimento da 17 população, mudanças econômicas que refletem em mudanças de hábitos, além de 18 fatores multifatoriais determinantes para o crescimento desordenado de células 19 anormais com potencial invasivo [2]. No manual do INCA (Estimativas/2014 20 Incidências de Câncer no Brasil), destaca-se que cerca de 100 tipos de câncer já foram 21 identificados. Estima-se para até 2030, 21,4 milhões de novos casos de câncer e 8,2 22 milhões de mortes por câncer no mundo. Os tipos mais incidentes de câncer para 2016 23 são pele não melanoma, traqueia, brônquio e pulmão, cólon e reto, estômago, cavidade 24 oral em homens e em mulheres pele não melanoma, traqueia, brônquio e pulmão, cólon 25 e reto, colo de útero, estômago. A estimativa do número de novos casos de câncer, 26 segundo sexo e região mostrou maior incidência na região sudeste e a menor na região 27 nordestes. No Brasil são esperados 567 mil casos por ano, com predominância dos 28 cânceres de próstata, pulmão e estômago para homens, e mama e colo do útero para 29 mulheres [2].

30 Os agentes antineoplásicos mais empregados no tratamento do câncer são
 31 agrupados nas seguintes classes farmacológicas: alquilantes polifuncionais,

antimetabólitos, antibióticos antitumorais e inibidores mitóticos [3]. Os quimioterápicos
disponíveis no mercado não são letais a células neoplásicas de modo seletivo, células
normais também são afetadas. Um antineoplásico ideal deveria induzir apoptose nas
células cancerígenas e não ser tóxico às células normais.

O aparecimento de resistência celular e os efeitos colaterais decorrentes do uso dos medicamentos atualmente disponíveis constituem obstáculos à terapêutica antitumoral, fazendo com que seja de extrema importância o desenvolvimento de novos fármacos. A introdução de complexos metálicos na terapia do câncer tem sido um elemento imprescindível para estimular diversos grupos de pesquisa na busca por novos candidatos a agentes quimioterápicos.

42 Complexos metálicos de rutênio são agentes antitumorais interessantes, entre 43 outros fatores por penetrarem mais facilmente nas células cancerosas, que tendem a ser 44 metabolicamente mais ativas do que as células normais [4]. Desta forma, a estratégia 45 empregada neste estudo foi a de aliar propriedades farmacológicas de pró-ligantes a 46 atividade antitumoral de compostos de Ru(II).

Entretanto, é necessário salientar que o lançamento no mercado de novos
fármacos para o uso em oncologia é um processo longo e complexo. Nesse sentido,
ações conjuntas entre universidades, centros de pesquisas e indústria farmacêutica são
de extrema importância para os primeiros passos na proposição de um novo fármaco.

51 **1.2 Complexos de rutênio e atividade antitumoral**

As propriedades antitumorais de compostos de rutênio foram reconhecidas nas três últimas décadas [5]. A investigação sistemática da atividade antitumoral foi realizada inicialmente nos complexos *fac*-tricloridotriaminorutênio (III) *fac*-[RuCl₃(NH₃)₃] e cloreto de *cis*-tetraaminodicloridorutênio(III) *cis*-[RuCl₂(NH₃)₄]Cl [6]. Estes complexos apresentaram atividade antitumoral próxima à exibida pela cisplatina para leucemia P388, mas foram considerados inviáveis para teste clínico devido à sua alta insolubilidade em água [6].

Os primeiros complexos à base de rutênio a entrarem em triagens clínicas visando o tratamento de certos tipos de câncer foram trans-[Ru(dmso)(Im)Cl₄][ImH] (NAMI-A, Im = imidazol, dmso = dimetilsulfóxido) e trans-[Ru(Ind)₂Cl₄][IndH] (KP1019, Ind = indazol) [7,8]. Os complexos NAMI-A (Figura 1.1a) e KP1019 (Figura 1.1b) são estruturalmente semelhantes, ambos apresentam ligantes heterocíclicos e cloretos ligados ao Ru(III). NAMI-A é mais eficaz em metástases do que em tumores

65 primários, enquanto, o KP1019 exerce efeito direto em células tumorais sem interferir 66 em processos de metástases [7,8]. Em estudos pré-clinicos com modelos de tumores sólidos metastáticos, NAMI-A reduziu 100% das metástases de carcinoma de pulmão 67 68 de Lewis, adenocarcinoma mamário de camundongo, e melanoma [6,7]. Foi observada 69 também diminuição de 90% de metástases em um modelo xenográfico de câncer de 70 pulmão de células não-pequenas [6,7]. NAMI-A completou as fases I/II dos testes 71 clínicos [9,10]. Ainda em fase de estudos clínicos, NAMI-A em combinação com 72 gencitabina é visto como tratamento de segunda escolha em pacientes com câncer de 73 pulmão de células não-pequenas metastático [10]. Até ao presente, não foram ainda 74 encontrados fármacos capazes de tratar metástases, sendo este problema uma das 75 principais dificuldades na terapêutica do câncer.





77 Figura 1.1 Estruturas químicas do NAMI-A (a) e do KP1019 (b).

78 Complexos de rutênio são vistos como uma alternativa ao uso de complexos a 79 base de platina (Figura 1.2). A cisplatina, cis-diaminodicloridoplatina(II), é um fármaco 80 que exerce seu efeito citotóxico inibindo a síntese do ácido desoxirribonucleico (ADN) 81 [11]. O mecanismo de ação da cisplatina relaciona-se com a formação de adutos 82 cisplatina-ADN, inibindo sua replicação e o prolongamento de sua cadeia [12]. Os 83 adutos são formados quando a platina liga-se aos átomos de nitrogênio da guanina [12]. 84 Apesar do sucesso inicial da cisplatina no tratamento de diversos tipos de câncer, o 85 aparecimento de resistência celular a compostos de platina e seus efeitos colaterais têm 86 estimulado a busca por novos complexos com outros íons metálicos [6, 13].



Figura 1.2 Representação da estrutura da cisplatina, *cis*-diaminodicloridoplatina(II) e
 de seus análogos.

87

Complexos de Ru(II) e Ru(III) têm geometria octaédrica, enquanto que os de
platina(II) têm geometria quadrática. Essa diferença espacial contribui para que os
complexos de rutênio funcionem de modo distinto aos de platina. Os testes já realizados
apontam que podem ocorrer interações entre íon Ru(II) e proteínas, desta maneira o
ADN não é o único alvo [6].

95 Complexos de rutênio apresentam baixa toxicidade quando comparados aos 96 complexos de platina. A baixa toxicidade é associada à capacidade do rutênio em imitar 97 a ligação de íons ferro com biomoléculas [6, 14]. As células tumorais possuem uma 98 necessidade maior de ferro devido à angiogênese e, consequentemente, apresentam um 99 número maior de receptores de transferrina. A ligação da transferrina ao rutênio(III) é 100 favorecida devido à sua similaridade ao ferro(III). Essa proteína é composta por uma 101 única cadeia polipeptídica, com dois sítios de ligação para o íon férrico, envolvendo 102 dois tirosinatos, um aspartato, um ânion carbonato bidentado e um resíduo de histidina. 103 O complexo KP1019 entra nas células ligado à transferrina via histidina, sendo que os 104 ligantes indazóis permanecem coordenados [6, 8, 15, 16]. A proteína libera o composto 105 em ambientes ácidos, como os endossomas [8, 15, 16].

Outro fator relevante para o emprego de complexos de rutênio como agentes antitumorais está relacionado à capacidade redox dos complexos de Ru(III) em ambientes celulares [16, 17]. A geometria de coordenação e os ligantes nos compostos de rutênio podem direcionar a ocorrência de processos redox [17]. A redução pode também aumentar a reatividade com biomoléculas e determinar a formação da estrutura dos adutos [17].

112 É oportuno destacar que antes de alcançar o alvo pretendido o composto 113 inicialmente administrado sofre alterações que podem interferir em sua atuação. A 114 atividade antitumoral também é dependente do número de oxidação do íon metálico. 115 Complexos de rutênio em solução aquosa podem apresentar número de oxidação II, III 116 ou VI [18]. Em meados da década de 70 começaram os primeiros estudos considerando 117 o mecanismo de ação dos complexos de rutênio (III) via ativação por redução [17, 18]. 118 O estudo do mecanismo de ativação por redução de complexos octaédricos de Ru(III) 119 sugere que estes complexos mantêm o seu estado de oxidação até alcançarem o tumor 120 [6, 16, 17, 18]. As células saudáveis sobrevivem melhor em um ambiente rico em 121 oxigênio, em contrapartida, o tumor geralmente apresenta hipóxia, em outros termos, 122 redução drástica do fluxo de oxigênio. Deste modo, a região com baixo nível de 123 oxigênio funciona como um excelente ambiente redutor permitindo assim redução a 124 Ru(II), o que origina compostos mais ativos.

O ADN é um dos principais alvos de fármacos antitumorais [19]. Contudo, estudos preliminares do mecanismo de ação dos metalofármacos NAMI-A e KP1019 mostraram que a ligação destes metalofármacos ao ADN é muito pequena em comparação com a cisplatina [20]. Há evidências químicas e bioquímicas do envolvimento de outros alvos tais como, aminoácidos, agentes redutores, hormônios, peptídeos, proteínas e mais especificamente a enzima topoisomerase II [18, 21].

É crescente o número de estudos descrevendo complexos ternários de Ru(II)
contendo ligantes N-heterocíclicos, na expectativa de atuarem como agentes
antitumorais [22, 23, 24, 25, 26 e 27]. No próximo tópico serão abordados aspectos
relativos a complexos polipiridínicos com rutênio, importantes para a compreensão
deste trabalho.

136 1.2.1 Complexos polipiridínicos com rutênio

137 A combinação de estabilidade química e redox, propriedades físicas e
138 fotoquímicas apresentadas por complexos de Ru (II) com ligantes polipiridínicos têm

139 sido intensivamente estudadas durante os últimos dois decênios [28]. Ligantes 140 polipiridínicos apresentam orbitais $p\pi$ antiligantes vazios e um par de elétrons livre 141 capaz de formar ligação σ forte, podendo estabilizar íons metálicos em baixo estado de 142 oxidação.

143 Vários complexos de rutênio com ligantes polipiridínicos [29-35] já têm 144 atividade citotóxica demonstrada em células cancerosas. Os complexos Δ e Λ -145 [Ru(bpy)₂L] (L = *p*-tFMPIP; *m*-tFMPIP; *o*-tFMPIP, FMPIP = 2-(4-trifluorometilfenil)-146 1H-imidazol[4,5f][1,10]fenantrolina) são moléculas quirais capazes de induzir a 147 apoptose, mediada por mitocôndrias em células de melanoma A375 [34]. Os complexos $[Ru((bpy)(tpy)Cl]Cl], cis-[RuCl_2((bpy)_2] e mer-[RuCl_3(tpy)] (bpy = 2,2'-bipiridina, tpy)]$ 148 149 = 2,2':6',2''-terpiridina) apresentaram citotoxidade para células de carcinoma cerebral 150 humano [35]. Dentre estes complexos, o mer-[RuCl₃(tpy)] exibe uma citotoxicidade 151 consideravelmente superior à dos outros complexos. É interessante destacar que o 152 mecanismo de ação do complexo mer-[RuCl₃(tpy)] envolve intercalação do ligante 153 2,2':6',2''-terpiridina com o ADN [35].

154 Estudos mostraram que complexos de metais de transição com ligantes 155 polipiridínicos têm capacidade de se intercalar no ADN [35,36,37]. Os complexos $[\operatorname{Ru}(\operatorname{phen})_2 \operatorname{dpq-df}]^{2+}$, $[\operatorname{Ru}(\operatorname{bpy})_2 \operatorname{dpq-df}]^{2+}$, $[\operatorname{Ru}(\operatorname{bpy})_2 (\operatorname{dppz})]^{2+}$ e $[\operatorname{Ru}(\operatorname{phen})_2 (\operatorname{dppz})]^{2+}$ 156 157 (dpq-df= dipirido (3,2-a: 2',3'-b)quinoxalina-difurano, dppz= 2,3'-dipiridofenazina) não 158 são luminescentes em solução aquosa, porém quando estes complexos associam-se a 159 forma B do ADN em solução aquosa passam a exibir fotoluminescência [36]. A 160 fotoluminescência é resultante da blindagem do ligante ao se intercalar depois ter 161 migrado do interior do solvente. Isso é equivalente à introdução do complexo em um 162 solvente orgânico que proteja os nitrogênios do anel (intercalante) da protonação. Esse 163 efeito é descrito como interruptor molecular de luz (molecular light switch) [36, 37].

Os primeiros complexos com ligantes aromáticos capazes de se intercalar entre os pares de base dos ácidos nucleicos foram $[Ru(L)_2(dppz)]^{2+}$ (L= 2,2'-bipiridina ou 1,10 fenantrolina, dppz= 2,3'-dipiridofenazina) [38, 39]. As propriedades que o complexo $[Ru(phen)_2dppz]^{2+}$ apresenta têm sido intensivamente investigadas, pois este pode ser usado como sonda fluorescente útil na visualização de alterações na estrutura do ADN [40].

Os ligantes intercaladores do ADN geralmente são policíclicos e apresentam
uma função aromática planar. No entanto, sabe-se que além do ADN de dupla fita,
existem outras formas dessa estrutura se arranjar, como por exemplo, o ADN de hélice

quádrupla ou G-quadruplex. Os G-quadruplexes são constituídos por sequências ricas em guanina capazes de formar tétrades ligadas por ligações de hidrogênio. Moléculas de alta especificidade e afinidade, portando anéis aromáticos, também são capazes de se ligar ao ADN de hélice quádrupla bloqueando a ação da telomerase [41]. A telomerase encontra-se ativa nas células tumorais, e em neoplasias há um aumento da expressão da telomerase [41].

Em 2014 foram reportados dois novos complexos de rutênio capazes de se ligar
de modo reversível ao ADN G-quadruplex: [Ru(phen)₂dpq-df]²⁺ e [Ru(bpy)₂dpq-df]²⁺
(dpq-df= dipirido (3,2-a: 2',3'-b)quinoxalina-difurano) [41].

182 **1.3 Antibióticos: uma importante classe de agentes antineoplásicos**

O sucesso da quimioterapia no tratamento de infecções bacterianas estimulou a busca por antibióticos antitumorais. Antibióticos antitumorais empregados clinicamente são derivados de várias cepas do fungo *Streptomyces* [43]. Antraciclina, empregada para tratamento câncer de mama, sarcoma e linfoma [44,45], e seus congêneres doxorrubicina e daunorrubicina, assim como mitomicina, dactinomicina, plicamicina, bleomicina, alcalóides pirrolizidínico representam uma importante classe de agentes antineoplásicos: antibióticos antitumorais naturais [44,45].

Ensaios clínicos recentes com doxiciclina e azitromicina mostraram efeitos
terapêuticos positivos em pacientes com câncer [46]. Doxiciclina e outras tetraciclinas
sintéticas modificadas inibem as metaloproteinases de matriz, que são implicadas em
estágios avançados da progressão do câncer. [47].

194 Além disso, as propriedades metabólicas mitocondriais de células cancerosas são 195 diferentes das de células normais. Por exemplo, em contraste com as células 196 hematopoiéticas normais, células de leucemia têm aumentada a biogênese mitocondrial 197 e a respiração mitocondrial para a geração de ATP para satisfazer as exigências de 198 energia e manter a sobrevivência. A ação de antibióticos em células tumorais pode 199 ocorrer pela inibição da biogênese mitocondrial [48]. Um estudo publicado em 2016 200 [48] mostrou que atividade do antibiótico levofloxacina para tratar câncer da mama é 201 dependente da sua capacidade de suprimir a biogênese mitocondrial.

202 **1.3.1 As sulfas**

203 O conhecimento da atividade antimicrobiana das sulfonamidas teve início em
 204 meados do terceiro decênio do século XX. A descoberta das sulfas coincide com o

desenvolvimento industrial da Alemanha no século passado e resultou de pesquisas
destinadas a obtenção de corantes azóicos [49]. Gerhardt Domagk recebeu o prêmio
Nobel de medicina em 1939 ao mostrar a eficácia da sulfonamida *p*-sulfamidocrisoidina
patenteada sob o nome Prontosil Rubrum® [50].

209 As sulfonamidas interferem na síntese do ácido fólico, essencial à sobrevivência 210 de uma variedade de bactérias [51]. As sulfonamidas possuem atividade antibacteriana, 211 hipoglicêmica, inibidora da anidrase carbônica, inibidora da atividade da tireoide, entre 212 outras [52, 53]. Um grande número de novos derivados de sulfonamidas foram descritos 213 a partir da descoberta de suas propriedades antitumorais em 1992 [50,52,53]. A 214 estrutura química das sulfonamidas é delineada pela presença de grupos R-SO₂-NR'R"-, 215 de modo que a variação dos grupos R, R' e R'' produz compostos com propriedades 216 físicas, químicas e farmacológicas distintas. As variações nestes grupos ocasionam 217 ainda distintos mecanismos de ação antitumoral das sulfonamidas heterocíclicas [53, 218 54]. Embora o mecanismo da ação não tenha sido completamente elucidado, ocorre 219 inibição da anidrase carbônica, inibição da angiogênese, perturbação do ciclo celular na 220 fase G1 e/ou perturbação na montagem de microtúbulos [53, 54]. A grande maioria das 221 sulfas é relativamente insolúvel em água [55]. Na Figura 1.3, estão representadas as 222 estruturas de algumas sulfas derivadas da sulfanilimida empregadas como 223 antimicrobianos.



224

Figura 1.3 Representação da estrutura química de sulfas empregadas como
 antimicrobianos.

Cinco sulfas foram selecionadas para elaboração deste trabalho, na tentativa de
desenvolver fármacos antitumorais mais ativos e menos tóxicos. Devido à extensão do
tema, será feita uma brevíssima revisão sobre os antibióticos sulfametizol,
sulfametoxipiridazina, sulfametoxazol, sulfapiridina e sulfassalazina.

231 **1.3.1.1 Sulfametizol**

Neste trabalho dar-se-á ênfase primeiramente à sulfonamida (4-amino-N- (5metil-1,3,4-tiadiazole-2-il) conhecida comercialmente como sulfametizol. Sulfametizol
é usado, principalmente, como agente antibacteriano no trato de infecções urinárias
[56].

Na Figura 1.4, está representada a estrutura do sulfametizol (smz). Este antibiótico tem vários grupos com potenciais átomos doadores capazes de interagir com íons metálicos: os três átomos de nitrogênio dos grupos amina, sulfonamida e do anel de tiadiazol, além do oxigênio do grupo sulfonila e do enxofre do anel de tiadiazol. No entanto, um estudo [57] publicado em 1981 enfatizou que os dois modos mais comuns de coordenação ocorrem via nitrogênios do grupo NH₂ ou do anel heteroaromático. Destaca-se ainda que a coordenação pode ocorrer de modo monodentado ou bidentado.



243

Figura 1.4 Estrutura química da sulfonamida 4-amino-N- (5-metil-1,3,4-tiadiazole-2-il).

Os primeiros metais empregados no preparo de complexos com a smz foram a prata e ouro, a coordenação destes metais à sulfa ocorre de modo bidentado envolvendo o nitrogênio do anel heterocíclico e o oxigênio do grupo sulfonila [58]. Cabe salientar que as primeiras estruturas cristalinas de complexos metálicos com a smz foram relatadas apenas em 2000 [59]. Neste trabalho [59], foram sintetizados complexos metálicos de Cu(II), Co(II) e Ni(II) com smz: [Cu(smz)₂py₂(OH₂)]·H₂O e [Co(smz)₂py₂(OH₂)₂], [Ni(smz)₂py₂(OH₂)₂] e [Cu(smz)₄(dmf₂)].

253 1.3.1.2 Sulfametoxipiridazina

A sulfametoxipiridazina (Figura 1.5) (4-amino-N-(6-metoxipiridazin-3-a)
benzenosulfonamida) é usada para tratar irritações vaginais, infecções urinárias, aftas

agudas e dermatite herpetiforme. A sulfa smp é suscetível à muitas modificações
metabólicas. Entre as reações de metabolismo desta sulfa destacam-se a acetilação do
grupamento amina ou sulfonila e hidroxilação do anel aromático [60].



259

Figura 1.5 Estrutura química da sulfametoxipiridazina (C₁₁H₁₂N₄O₃S)

São poucos os trabalhos relativos à química de coordenação da
sulfametoxipiridazina (smp), em específico quanto à abordagem de complexos desta
sulfa e sua potencial atividade biológica. Entre os poucos complexos metálicos com a
smp, podem-se citar os complexos [Ni(smp)(OH₂)₂], [Cu(smp)₂]·H₂O, [Hg(smp)₂],
[Zn(smp)₂·2,5H₂O], [Cd(smp)·2(H₂O)], [Co(smp)₂], [Cr(smp)₂Cl₂], [Fe(smp)₂Cl₂] e
[Ag(smp)], [61-66].

Em alguns trabalhos [61, 63, 64, 65] foram feitos relatos apenas acerca da análise estrutural destes complexos, sendo que o estudo da atividade antitumoral não foi realizado até o momento. Estudos da atividade antimicrobiana e antiviral foram realizados para os complexos com Cu(II) e Co(II), respectivamente [62, 66].

271 **1.3.1.3 Sulfametoxazol**

A atividade antimicrobiana do sulfametoxazol (Figura 1.6) (4-amino-N-(5metilisoxazol-3-il)–benzenossulfonamida) já é bastante conhecida. [67] A combinação desta sulfa com diferentes íons metálicos resultou em complexo com atividade antimicrobiana [67].

O sulfametoxazol (smx) apresenta cinco possíveis sítios de coordenação,
podendo atuar como ligante monodentado, quelante ou formador de ponte. A
desprotonação do nitrogênio sulfonamídico gera um ligante aniônico, favorecendo a
formação de complexos.



Figura 1.6 Estrutura química do sulfametoxazol. Em negrito estão destacados os
 possíveis sítios de coordenação.

O sucesso terapêutico da associação entre o smx e a trimetoprima (Figura 1.7),
na década de 70 resultou no medicamento conhecido comercialmente como Bactrim,
empregado no trato de infecções respiratórias superiores [68].

Além disso, complexos metálicos de Co(II), Fe(II), Mn(II), Zn(II) e Cu(II) com smx, sintetizados por Bamigboye e colaboradores [69] apresentaram considerável atividade antibacteriana contra *Escherichia spp*, *Streptococcus spp*, *Proteus sp*, *Candida albicans*, *Salmonella sp*, *Bacillus spp*, *Staphylococcus sp*, e *Pseudomonas spp*. Outros metais, como por exemplo prata, ouro e rutênio [70, 71] também foram empregados no preparo de complexos metálicos com smx visando o tratamento de infecções bacterianas.

293

280



294

295 **Figura 1.7** Estrutura química da trimetoprima, base fraca lipofílica.

296

297 **1.3.1.4 Sulfapiridina**

A sulfapiridina (4-amino-*N*-piridin-2-ilbenzenosulfonamida) é uma sulfa de segunda geração empregada para tratar pneumonia e meningite [72]. Esta sulfa mimetiza o ácido paraaminobenzoico (PABA), que é necessário para a biossíntese de ácido fólico. Mais especificamente, a sulfapiridina (spd) inibe a atividade da enzima sintetase de dihidroperoato (DHPs) [73]. Deste modo, a spd entre no lugar do PABA e como consequência o ácido diidrofólico não é formado. A estrutura química da sulfapiridina está esquematizada na Figura 1.8.



305

Figura 1.8 Estrutura química do sulfapiridina (C₁₁H₁₁N₃O₂S)

307 Como exemplo da avalição atividade antitumoral de complexos metálicos com 308 spd pode-se citar 0 fac-triclorotris(4-amino-N-piridin-2-309 ilbenzenosulfonamida)bismuto(III), [Bi(C11H11N3O2S)3Cl3]. O metal está coordenado 310 de modo monodentado a três sulfapiridinas via nitrogênio sulfonamídico. O composto 311 inibe o crescimento de células de leucemia mieloide crônica com um valor de CI50 de 44 312 µM enquanto que o ligante livre não apresenta efeito até 100 µM [74].

Mondelli e colaboradores [75] sintetizaram e caracterizaram um composto de Ni(II) com sulfapiridina. A geometria de coordenação em torno íon Ni (II) é um octaedro ligeiramente distorcido. Cabe destacar que este complexo é ativo contra seis cepas bacterianas resistentes à sulfapiridina. Este resultado é importante, pois, a resistência bacteriana é um dos principais obstáculos para a terapêutica de infecções bacterianas.

319 **1.2.1.5 Sulfassalazina**

A sulfasalazina (ácido 2-hidroxi-5-[4-(2-pirisilsulfamoil)fenildiazenil]benzóico)
é a droga de primeira escolha no tratamento da artrite reumatóide, sozinha ou em
combinação com metotrexato [76]. Por outro lado, a ssz entrou em estudos clínicos de
fase 1-2 no tratamento de gliomas malignos [77].

324 Há poucos estudos relativos à coordenação da sulfassalazina (ssz) a íons 325 metálicos. Na Figura 1.9 estão representados respectivamente os complexos de ssz com 326 os íons Mg(II), Ca(II), Sr(II) e Ba(II) [78]. O efeito dos compostos de ssz com os íons 327 metálicos Mg(II), Ca(II), Sr(II) e Ba(II) no crescimento de células tumorais foi estudado 328 [78]. O complexo de ssz com Mg(II) inibe o crescimento celular das células de 329 carcinoma de fígado e colón com valores de CI₅₀ de 0,54 e 1,54 µg, enquanto que o 330 complexo de ssz com Ca(II) inibe o crescimento celular das células de carcinoma de 331 colón e fígado com valores de CI_{50} de 0,67 e 0,94 µg.

A coordenação de Bi(III) e de Ga(III) à ssz dobraram a atividade citotóxica em células de leucemia mielóide crônica: clorobis(sulfassalazinato)bismuto(III) e aquahidroxo(sulfassalazinato)gálio(III) [79]. Estes resultados nos motivaram a estudar a atividade de compostos de Ru(II) com a sulfassalazina.



336

Figura 1.9 Representação geral da estrutura química dos complexos de ssz e os metais
alcalinos Mg (II), Ca (II), Sr (II) e Ba (II).

Outro exemplo de estudo envolvendo a atividade antimicrobiana de complexos de ssz é representado pela complexação entre esta sulfa e íons metálicos de lantanídeos como Ce (III), Eu (III), Nd (III) e La (III) [80]. Os resultados mostraram que o complexo Na₂[La(ssz)Cl₃(H₂O)].2H₂O é o mais ativo apresentando a seguinte ordem de atividade: *Aspergillus* niger> *Bacillus subtilis* >*Pencillium*. Enquanto, que os complexos de Ce(III), Eu(III) e Nd(III) com ssz apresentam atividade antimicrobiana somente para *Bacillus subtilis* e *Pencillium*.

346 1.4 Hidrazidas

As hidrazidas são uma classe de compostos orgânicos caracterizados pela
 presença dos grupos R-C=O-NH-NH₂.

Os grupos de pesquisas dos professores Elene Cristina Pereira Maia (UFMG) e
Wendell Guerra (UFU) têm dedicado esforços na proposição de complexos de distintas
hidrazidas, a hidrazida do ácido 4-fluorofenoxiácetico, a hidrazida do ácido 4nitrobenzóico, a hidrazida do ácido 2-furanóico e do 2-tiofenocarboxílico, e a hidrazida
do ácido isonicotínico-(9-antrylmetileno) com diferentes íons metálicos, tais como
cobre(II), platina(II) e paládio(II) [81, 82, 83]. Nesse sentido, será feita uma breve
revisão bibliográfica sobre a hidrazida do ácido 2-tiofenocarboxílico, selecionada para
elaboração deste trabalho.

357 1.4.1 Hidrazida do ácido 2-tiofenocarboxílico

A hidrazida do ácido 2-tiofenocarboxílico (shyd) foi sintetizada visando o tratamento de tuberculose [84, 85]. A shyd pode formar complexos com metais de transição, uma vez que estes metais podem coordenar-se pelo átomo de oxigênio carboxílico e/ou nitrogênio dos grupos NH e NH₂. Complexos do tipo [M(shyd)₂X₂], em que M= Mn²⁺, Co²⁺, Ni²⁺, Cu²⁺, Zn²⁺, Cd²⁺ e X=NO₃ ou Cl estão representado na Figura 1.10 [86].



364

365 **Figura 1.10** Representação geral da estrutura química dos complexos $[M(shyd)_2X_2]$, em 366 que M= Mn²⁺, Co²⁺, Ni²⁺, Cu²⁺, Zn²⁺, Cd²⁺ e X=NO₃(a) e Cl(b).

367 Cabe destacar ainda que a sensibilidade de células de leucemia mielóide crônica, 368 linhagem K562, aos compostos foi avaliada e a CI₅₀ determinada para os seguintes 369 complexos ternários com shyd: [Cu(shyd)(phen)(acn)(ClO₄)](ClO₄] e 370 [Cu(shyd)(bpy)(acn)(ClO₄)](ClO₄) [83]. O complexo *trans*-[RuCl₂(dmso)₂(shyd)]H₂O, 371 foi testado quanto a atividade antibacteriana contra cinco bactérias, sendo três Gram 372 negativas (E. coli, K. pneumoniae, S. sonnei) e duas Gram-positivas (S. aureus, S. 373 epidermidis) [87]. Deste modo, os fatores mencionados anteriormente apontam que o 374 uso da shyd no planejamento de novos complexos metálicos pode resultar potenciais 375 fármacos a serem usados em diversas patologias.

376 1.5 Interação entre complexos metálicos e alvos biológicos

377 Conforme mencionado nos tópicos de 1.2.1 a 1.2.1.5 as sulfonamidas são
378 amplamente utilizadas na medicina devido às suas propriedades farmacológicas, tais
379 como atividade antibacteriana. Além disso, mudanças nas propriedades farmacológicas
380 vêm sendo observadas quando as sulfas são complexadas a íons metálicos. O

381 conhecimento detalhado da interação destes complexos a uma biomolécula é importante
382 para entender os seus mecanismos de ação.

O estudo da interação entre macromoléculas biológicas e complexos metálicos como potenciais agentes antitumorais gera importante informação sobre os sítios de ligação, transporte e o metabolismo de moléculas no corpo humano. Alguns estudos da interação de complexos de Ru(II) com ácido desoxirribonucléico (DNA) [88, 89, 90] e albumina sérica bovina e/ou humana (BSA e/ou HSA) merecem destaque [91, 92, 93, 94].

389 Thota e colaboradores (2016) destacam ainda que a natureza do ligante, bem 390 como a identidade e estado de oxidação do metal, desempenham papéis fundamentais 391 na sua interação com a molécula de ADN [88]. Adicionalmente, essas interações podem 392 ocorrer de forma covalente, através da ligação direta do complexo ao ADN por suas 393 bases nitrogenadas ou pelo grupo fosfato; ou de forma não-covalente através de 394 interações eletrostáticas, interações hidrofóbicas no sulco menor do ADN, ou através da 395 intercalação [88, 89]. Estes pesquisadores mostram a ocorrência de intercalação dos complexos de rutênio, $[Ru(phen)_2(R-pdc)]^{2+}$ and $[Ru(phen)_2(pbinh)]^{2+}$ (onde R = 4-CF₃, 396 397 4-F, 4-OH pdc= 3-fenil-5-(1H-pirrol-2-il)-4,5-di-hidro-1H-pirazole-1-carbotioamida, 398 pbinh= fenoxibenzilideno-isonicotinil-hidrazidas) entre os pares de base do ADN. 399 Porém, identificaram que eficiência anticancerígena não está relacionada com a 400 afinidade de ligação ao ADN [88].

401 Vários métodos vêm sendo empregados no estudo das interações complexo-402 ADN. Podem ser citadas a espectrofotometria de absorção e de dicroísmo circular na 403 região do ultravioleta-visível, espectrofluorimetria, medidas de viscosidade e 404 eletroforese em gel de agarose. Em um estudo recente [89] avaliou-se que [Ru(Cl-Ph-405 tpy)Cl₃], [Ru(Cl-Ph-tpy)(dach)Cl]Cl e [Ru(Cl-Ph-tpy)(bpy)Cl]Cl interagem com o 406 ADN via intercalação por espectrofotometria UV-Vis, espectrofluorimetria e medições 407 de viscosidade [89]. Entretanto, microscopia de absorção atômica também tem sido 408 utilizada para visualizar como ocorre a ligação de vários complexos metálicos 409 octaédricos ao ADN [90].

Foi apresentado anteriormente que o ADN não é o único alvo de complexos de
rutênio [6], desta forma é necessário ampliar este estudo para outras macromoléculas.
A interação de complexos metálicos com as proteínas BSA ou HSA pode ser estimada
através de espectroscopia de fluorescência [91]. Franciscato e Souza (2016)
correlacionaram a influência do estado de oxidação do centro metálico à afinidade de

415 ligação entre HSA e o complexo $[Ru(H_2O)_2(bpydip)]^{2+/3+}$, onde bpydip= bis[1-(2-416 piridinil)etilideno]-1,3-propanodiamina) usando fluorescência e dicroísmo circular [89]. 417 O K_b para o complexo Ru(II) é da ordem de 10³ L mol⁻¹, enquanto que para Ru(III), a 418 ordem é de cerca de 10⁹ L mol⁻¹ [92].

419 Com frequência, utiliza-se a BSA como alvo biológico, devido à sua semelhança 420 estrutural com a HSA [91]. Por exemplo, Lai e colaboradores (2016) reportaram que complexos polipiridínicos de rutênio, que apresentam atividade antitumoral e podem 421 422 induzir apoptose celular, ligam-se à BSA, e o local de ligação está próximo dos resíduos 423 de triptofano e tirosina [93]. Por sua vez, Panah e colaboradores (2017) estudaram a 424 interação do complexo trans-[Ru(Hmel)₂(dmso)₂] (H₂mel = meloxicam) a BSA em 425 diferentes condições fisiológicas, mostrando que este composto interage com BSA e 426 altera seu microambiente durante a interação [94].

427 Embora esta breve revisão bibliográfica esteja centrada nas interações com BSA,
428 HSA e ADN é imprescindível expandir o estudo de interação de complexo metálico a
429 outras biomoléculas.

430 CAPÍTULO 2

431 **OBJETIVOS**

432 **2.1 Objetivos**

433 O objetivo geral deste trabalho é a obtenção de novos complexos metálicos de 434 rutênio(II) com atividade antitumoral e o estudo do seu mecanismo de ação. A estratégia 435 adotada foi a de aliar as propriedades de antibióticos à de complexos de Ru(II) com α , α -436 diiminas a fim de obter complexos mais ativos e menos tóxicos.

- 437 Mais especificamente, pretendeu-se:
 438 sintetizar e caracterizar complexos metálicos inéditos de Ru(II) com cinco
 439 antibióticos da família das sulfas e α,α-diiminas como ligantes;
- 440 sintetizar e caracterizar complexo metálico inédito de Ru(II) com a hidrazida do
 441 ácido 2 tiofenocarboxílico e a bpy;
- estudar o efeito dos complexos sintetizados no crescimento de células tumorais;
- estudar o efeito fotocitotóxico dos compostos sintetizados;
- estudar da interação dos complexos metálicos inéditos de Ru(II) com albumina
 sérica bovina;
- estudar da interação dos complexos mais ativos com o ADN;
- estudar da interação dos complexos mais ativos com Abl-SH3.
- 448
- 449
- 450
- 451
- 452

453 **CAPÍTULO 3**

454 PARTE EXPERIMENTAL

455 **3.1- MATERIAIS**

456 **3.1.1- Reagentes e solventes**

457 A água utilizada nas sínteses e no preparo das soluções foi purificada em
458 aparelho deionizador da marca Millipore, SinPak. Para preparar e purificar os
459 complexos foram utilizados os solventes etilenoglicol (Grau analítico P.A, Qhemis®),
460 água deionizada (sistema de purificação Milli-Q, Millipore Corp), etanol (Synth),
461 acetato de etila (Sigma Aldrich), acetona (Sigma Aldrich) e éter etílico (Vetec).

462 Os reagentes utilizados neste trabalho foram 1,10 fenantrolina ($C_{12}H_8N_2$, 180,21 463 g/mol), 2,2'-bipiridina (C10H8N2, 156,19 g/mol), hexaflurofosfato de potássio (KPF6, 464 183,00 g/mol), hidrazida do ácido 2-tiofenocarboxílico (C5H6N2OS, 142,21 g/mol), 465 cloreto de rutênio (III) hidratado (Ru·Cl₃·H₂O, 207,43 g/mol), sulfassalazina (ácido 2-466 hidroxi-5-[4-(2pirilsulfamoil)fenildiazenil], 398,40 g/mol), $C_{18}H_{14}N_4O_5S$ 467 sulfametoxazol (4-amino-N-(5-metilsoxazol-3-il)-benzenosulfonamida), C₁₀H₁₁N₃O₃S 468 253,27 g/mol), sulfametoxipiridazina ((6-metilpiridin-3-il) -benzenossulfonamida 4-469 amino-N, C₁₁H₁₂N₄O₃S 280,30 g/mol), sulfametizol (4-amino-N- (1,3,4-tiadiazol-2-il-5-470 metil) – benzenossulfonamida C₉H₁₀N₄O₂S₂ 270,33 g/mol), sulfapiridina (4 amino-N-471 piridin-2ilbenzenosulfonamida), C11H11N3O2S. Todos os reagentes são Sigma Aldrich, e 472 os mesmos não passaram por purificação prévia.

473 **3.1.2- Células e cultura**

474 A linhagem celular K562 (número CR083 do acervo do BCRJ) foi adquirida no 475 Banco de Células do Rio de Janeiro. A linhagem de células foi cultivada em meio RPMI 476 1640, contendo L-glutamina e suplementado com 10% de soro fetal bovino a 37°C, em 477 atmosfera umidificada, contendo 5% de CO₂. O meio RPMI 1640 e o soro fetal foram 478 adquiridos da Cultilab em São Paulo. A sensibilidade de células tumorais aos 479 complexos, precursores e ligantes foram avaliadas por meio da concentração de 480 composto necessária para inibir 50% do crescimento celular, a CI₅₀. Para estudo citotóxico, 1×10^5 células mL⁻¹ foram incubadas por 72 horas na presenca e na ausência 481 482 do composto em várias concentrações. Após este período, as células foram contadas e o 483 valor de CI₅₀ foi determinada com o auxílio do programa computacional OriginPro7,

484 sendo os dados analisados com ajuste sigmoidal (Boltzmann). A viabilidade das células
485 foi verificada por exclusão com azul de Tripan e o número de células foi determinado
486 por análise no contador Coulter. As soluções estoques dos ligantes e dos complexos
487 foram preparadas em uma mistura acetonitrila:água:dimetilformamida = 10:8:1. Estes
488 estudos foram realizados no laboratório de pesquisa da professora Elene Cristina Pereira
489 Maia no Departamento de Química da UFMG.

490 3.1.2.1- Estudo da Fotocitotoxicidade: Determinação da CI₅₀

491 Para os complexos **1**, **2**, **3**, **4**, **9** e **10** foi avaliado o efeito da radiação, em 365 492 nm, na sua citotoxicidade. Para isto, 1×10^5 células mL⁻¹ foram incubadas por 4 horas 493 na ausência e na presença de várias concentrações dos compostos. Após este período, o 494 meio de cultura foi substituído por tampão HEPES isotônico. Em seguida, as amostras 495 foram irradiadas com luz UV-A (365 nm, 610 μ Wcm⁻²) por 5 minutos. Foi utilizada 496 uma cabine de fluorescência Spectroline Modelo CX-20.

497 As células foram, então, novamente incubadas com RPMI por 72 horas. Passado 498 este período, as células foram contadas e a CI50 foi determinada com o auxílio do programa computacional OriginPro7, sendo os dados analisados com ajuste sigmoidal 499 500 (Boltzmann). A viabilidade das células foi verificada por exclusão com azul de Tripan e 501 o número de células foi determinado por análise no contador Coulter. As soluções 502 estoques dos ligantes e dos complexos foram preparadas em uma mistura 503 acetonitrila:água:dimetilformamida 10:8:1. Os testes foram realizados no laboratório de 504 pesquisa da professora Elene Cristina Pereira Maia no Departamento de Química da 505 UFMG.

506Para efeito de comparação, foram realizados testes de citotoxicidade com os507compostos nas mesmas condições descritas acima, mas sem irradiação. Incubaram-se 1508 $\times 10^5$ células mL⁻¹ por 4 horas na presença e na ausência do composto em várias509concentrações dos complexos testados. Após este período, as células foram lavadas com510tampão HEPES isotônico e, em seguida, incubadas novamente com RPMI por 72 horas.

511 **3.2- SÍNTESES DOS COMPLEXOS**

512 3.2.1 Síntese dos precursores de rutênio(II) empregados nas sínteses dos complexos 513 metálicos inéditos.

514 **3.2.1.1 Preparo do complexo** *cis*-[RuCl₂(bpy)₂]·2H₂O

515 Em um balão de fundo redondo foram adicionados respectivamente: 7,0 mL de 516 N'N-dimetilformamida; 1,000 g de RuCl₃·3H₂O; 1,195 g de 2,2-bipiridina e 1,077g de 517 LiCl. O sistema foi mantido em refluxo a 100°C por 10 horas. Ao término da reação 518 foram adicionados 30 mL de acetona e o sistema foi mantido por mais 15 horas em 519 agitação magnética em uma mistura de água e banho de gelo seco até a precipitação do 520 complexo. O sólido obtido é roxo escuro. O precursor cis-[RuCl₂(bpy)₂]·2H₂O é solúvel 521 em acetona, dimetilformamida, dimetilsulfóxido, acetonitrila, etilenoglicol e 522 tetrahidrofurano. Essa síntese foi adaptada do trabalho de Sullivan et al., 1978 [95]. 523 Rendimento 94%.

524 **3.2.1.2 Preparo do complexo** *cis*-[RuCl₂(phen)₂]

525 Protocolo semelhante ao usado na síntese do complexo $[RuCl_2(bpy)_2]$ foi 526 utilizado para o preparo do complexo $[RuCl_2(phen)_2]$, cuja diferença foi apenas a adição 527 de 1,378g de 1,10-fenantrolina em substituição ao ligante 2,2'-bipiridina. Essa síntese 528 foi adaptada de Sullivan et al., 1978 [95]. O sólido obtido é preto. O precursor *cis*-529 $[RuCl_2(phen)_2]$ ·2H₂O é solúvel em acetona, dimetilformamida, dimetilsulfóxido 530 acetonitrila, etilenoglicol e tetrahidrofurano. Rendimento 81%.

531 **3.2.2** Síntese de novos complexos de Ru(II) com ligantes mistos

532 **3.2.2.1** Preparo do complexo [Ru(bpy)₂(smp)](PF₆), complexo 1

533 *cis*-[RuCl₂(bpy)₂]·2H₂O (0,40 mmol, 0,2100 g) e o ligante smp (0,60 mmol; 534 0,168 g) foram adicionados em um mistura de solventes, etilenoglicol/água (7:1). A 535 solução roxa foi mantida em refluxo a 185°C por 6 horas. Após o tempo de refluxo 536 houve mudança de coloração na solução, de roxo para laranja. A solução final laranja 537 foi resfriada em uma mistura de banho de gelo e água, e posteriormente filtrada. Ao 538 filtrado adicionaram-se 2,00 g (12,0 mmol) de KPF₆. O filtrado foi colocado na 539 geladeira por 24 horas. A solução resultante foi novamente filtrada a vácuo e o sólido 540 vinho lavado com água, etanol e éter etílico. O sólido foi seco com auxílio da pistola de 541 secagem Abderhalden utilizando vapor de tetraidrofurano. Essa síntese foi adaptada de

Lu et al., 2014 [42]. Rendimento 71%. Para preparar cristais do complexo **1** optou-se pela técnica de lenta evaporação do solvente. A massa do complexo **1** (5mg, 5,96 × 10^{-3} mmol) foi devidamente pesada em balança analítica, e o volume dos solventes (5mL de álcool isopropílico e 5mL de acetona) aferidos com auxílio de pipetas graduadas convencionais. As matrizes de cristalização foram acondicionadas em recipientes cilíndricos de vidro (5 × 1,5 cm). Os frascos não foram vedados durante período de repouso.

549 **3.2.2.2 Preparo dos complexos 2 a 11.**

550 Protocolo semelhante ao usado na síntese do complexo 1 foi utilizado para o
551 preparo dos complexos 2 a 11 (Tabela 3.1).

Todos os complexos apresentados foram purificados em coluna cromatográfica utilizando-se como fase estacionária alumina e como fase móvel uma mistura de acetato de etila e acetona, variando-se a proporção dos dois solventes de forma a aumentar gradativamente a polaridade.

556 Os complexos sintetizados são solúveis em dimetilformamida, dimetilsulfóxido
557 e acetonitrila.

558 559
 Tabela 3.1 Massas dos precursores e ligantes usados nas sínteses dos complexos 2 a 11.

Complexo	Massa do precursor	Massa de ligantes	Cor	Rendimento
complexo 2 *	cis-[RuCl ₂ (phen) ₂]	smp	vinho	61%
[Ru(phen) ₂ (smp)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,239g	0,60 mmol; 0,168g		
complexo 3	cis-[RuCl ₂ (bpy) ₂]	smz	marrom café	53%
[Ru(bpy) ₂ (smz)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,239g	0,60 mmol; 0,162g		
complexo 4	cis-[RuCl ₂ (phen) ₂]	smz	marrom café	70%
[Ru(phen) ₂ (smz)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,210g	0,60 mmol; 0,162g		
complexo 5	cis-[RuCl ₂ (bpy) ₂]	Spd	marrom café	33%
$[Ru(bpy)_2(spd)](PF_6)$	0,40 mmol; 0,210g	0,60 mmol; 0,149g		
complexo 6	cis-[RuCl ₂ (phen) ₂]	spd	marrom café	43%
[Ru(phen) ₂ (spd)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,239g	0,60 mmol; 0,149g		
complexo 7	cis-[RuCl ₂ (bpy) ₂]	smx	vinho	47%
[Ru(bpy) ₂ (smx)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,210g	0,60 mmol; 0,151g		
complexo 8	cis-[RuCl ₂ (phen) ₂]	smx	vinho	55%
[Ru(phen) ₂ (smx)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,239g	0,60 mmol; 0,151g		
complexo 9	cis-[RuCl ₂ (bpy) ₂]	SSZ	laranja	68%
[Ru(bpy) ₂ (ssz)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,210g	0,60 mmol; 0,239g		
complexo 10	cis-[RuCl ₂ (phen) ₂]	SSZ	laranja	68%
[Ru(phen) ₂ (ssz)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,239g	0,60 mmol; 0,239g		
complexo 11	cis-[RuCl ₂ (bpy) ₂]	shyd	marrom	63%
[Ru(bpy) ₂ (shyd)](PF ₆)	0,40 mmol; 0,210g	0,60 mmol; 0,0853g	avermelhado	

560 * Também foram obtidos cristais do complexo 2. Os ensaios de cristalização são os mesmos descritos para o complexo 1.

562

563 **3.3 Instrumentos e métodos**

564 3.3.1 Análise Elementar: (C, H, N)

Para estabelecer os números relativos (porcentagens) de C, H e N usou-se o
equipamento da Perkin Elmer modelo 2400, disponível no Departamento de QuímicaUFMG.

568 **3.3.2 Temperatura de Fusão/decomposição**

A temperatura de fusão/decomposição dos complexos foi determinada em um
aparelho de ponto de fusão modelo MQAPF-302 da Microquímica LTDA (Temperatura
máxima 350°C).

572 3.3.3 Análises Condutimétricas

As condutividades em solução 1,0 x 10^{-3} mol L⁻¹, a 25°C, dos complexos de rutênio foram determinadas através do aparelho Digimed DM 31. As condutividades dos complexos e precursores foram determinadas a partir de solução 1 × 10^{-3} mol L⁻¹ dos complexos em nitrometano de grau ultrapuro, HPLC, adquiridos da Vetec. A constante da célula foi de 1,130 cm⁻¹ e a condutividade Λ_{M} =8,10 ohm⁻¹ cm⁻² mol⁻¹ para o solvente nitrometano [96]. O equipamento foi primeiramente calibrado com solução padrão de cloreto de potássio da Digimed à temperatura de 25°C.

580 3.3.4 Espectroscopia de absorção na região do infravermelho

581 O espectrômetro de infravermelho usado foi um Perkin-Elmer 283 B, na região 582 de 4000 a 400 cm⁻¹, disponível na infraestrutura do Departamento de Química da 583 UFMG. Brometo de potássio adquiridos da Synth em grau espectroscópico foi 584 empregado para o preparo das amostras sólidas (complexos, ligantes e precursores). As 585 amostras, na forma de pastilha, foram introduzidas diretamente no caminho ótico do 586 equipamento para a leitura percentual de transmitância. A resolução em número de onda 587 para as configurações standard está na faixa de 2 cm⁻¹.

588 3.3.5 Espectroscopia eletrônica na região do ultravioleta-visível

589 Os espectros de absorção eletrônica na região ultravioleta-visível dos 590 complexos, ligantes e precursores foram registrados na região de 200 a 600 nm no 591 espectrofotômetro ultravioleta visível duplo feixe Cary 100, disponível na infraestrutura 592 do Departamento de Química da UFMG. As análises foram realizadas em cubetas de 593 quartzo de 1,0 cm de caminho ótico. Tampão Hepes pH 7,2 foi empregado para dissolver as amostras. Para se avaliar a estabilidade em solução aquosa, foram 594 registrados espectros eletrônicos de soluções 3,0 x 10⁻³ mol L⁻¹ dos complexos 1 a 11 595 596 em diferentes intervalos de tempos (1, 5 e 24 horas).

597 3.3.5.1 Clivagem e fotoclivagem do ADN plasmidial

598 Os testes de fotoclivagem do ADN foram executados no grupo de pesquisa do 599 professor Hernán Terenzi da UFSC pelo doutorando Philipe Gabriel. O procedimento 600 adotado está descrito em Silva e colaboradores (2011) e Bortolotto e colaboradores 601 (2011) [83, 97]. Nos ensaios de clivagem de ADN foi empregado o plasmídio pBSK-II 602 superenovelado de dupla-fita (Stratagene, USA) com 2961 pares de base (pb). Em uma 603 reação típica de clivagem de 20 µL, 330 ng do plasmídio pBSK II (~25 µM em pb) 604 foram tratados com os complexos (em diferentes concentrações) em meio tamponado 605 com 10 mM de Tris-HCl (pH 7,4), a 37 °C com ou sem irradiação com luz UV (λ = 606 365nm, 12 W) nos intervalos de 5, 10 e 15 min. O tempo padrão de reação foi de 16 h 607 sendo as amostras mantidas a 37 °C (em estufa e ao abrigo da luz) durante todo o 608 experimento. Para finalizar as reações de clivagem, foram adicionados às misturas 609 reacionais 5 µL de tampão de corrida 6X concentrado (EDTA 250 mM, em pH 7,5, 610 glicerol 50% e azul de bromofenol 0,01%). Em seguida, as amostras foram submetidas 611 à eletroforese em gel de agarose (1 %) contendo brometo de etídio (0,3 μ g mL⁻¹) por 612 100 min a 90 V em tampão TBE 0,5X (Tris 44,5 mM, ácido bórico 44,5 mM, EDTA 1 613 mM em pH 8,0). Os géis resultantes foram visualizados e digitalizados usando o sistema 614 de documentação DigiDoc-It (UVP, USA) a fração de ADN plasmidial em cada banda 615 foi quantificada utilizando o software KODAK Molecular Imaging Software 5.0 616 (Carestream Health, USA).

617 3.3.5.2 Determinação das constantes de ligação ADN-complexo empregando 618 espectroscopia eletrônica na região do ultravioleta-visível

619 Para determinar a constante de afinidade dos complexos de Ru(II) com 620 sulfametizol e α - α -diiminas foram feitas titulações espectrofotométricas destes 621 complexos com o ADN de timo de vitelo (CT-ADN).

622 Preparou-se uma solução de CT-ADN em tampão Tris (pH 7,2), cuja 623 concentração foi determinada por análise espectrofotométrica na região do UV-vis 624 utilizando-se a lei de Lambert-Beer, A= ϵ .1.c; onde A é a absorvância, ϵ é absortividade 625 molar, l é o caminho ótico e c é a concentração da substância absorvente no meio. Visto 626 que a absortividade molar para a macromolécula de ADN é igual a 6600 M⁻¹ cm⁻¹ em 627 260 nm, é possível calcular a concentração do mesmo.

628 Os complexos foram dissolvidos em acetonitrila na concentração de $1,0 \times 10^{-2}$ 629 mol L⁻¹. Posteriormente, as soluções destes complexos foram diluídas em tampão TRIS 630 (pH 7,2) para preparar soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹. As concentrações de CT-ADN 631 adicionada as soluções de complexos variaram de 0 a $6,2 \times 10^{-4}$ mol L⁻¹.

632 **3.3.6 Espectroscopia de fluorescência**

633 Os espectros de fluorescência dos complexos foram registrados na região de 360
634 a 800nm através de um espectrofotômetro de emissão Shimadzu RF5301PC disponível
635 na infraestrutura do Departamento de Química da Universidade Federal de Minas

636 Gerais. As análises foram realizadas em cubetas de quartzo de 1,0 cm de diâmetro.

637 Tampão Hepes pH 7,2 foi empregado para dissolver as amostras.

638 3.3.6.1 Estudo da interação com BSA via espectroscopia de fluorescência

Estudou-se a interação dos complexos de rutênio(II) com albumina sérica bovina (BSA) utilizando espectroscopia de fluorescência. Todas as medidas foram realizadas em triplicata. Os complexos foram dissolvidos em acetonitrila na concentração de $1,0 \times 10^{-2}$ mol L⁻¹. Posteriormente, as soluções destes complexos foram diluídas em tampão HEPES (pH 7,2) para preparar soluções $5,0 \times 10^{-4}$ mol L⁻¹. As soluções de BSA com a concentração $1,0 \times 10^{-6}$ mol L⁻¹ também foram preparadas em tampão HEPES.

645 Para cada experimento, 3,0 mL da solução de BSA, sob agitação magnética, foi 646 titulada com alíquotas de 0,01 mL das soluções dos complexos. Foram feitas leituras na 647 faixa de 290 a 600 nm, com uma excitação de 280 nm para a BSA. Avaliou-se a 648 supressão de fluorescência dos triptofanos, presentes na proteína, após a adição dos 649 complexos em estudo

Esta supressão pode ser descrita pela equação de *Stern-Volmer* ($F/Fo=1+K_{SV}[Q]$). O gráfico (F_0/F vs [*complexo*]) é representado por uma reta cujo coeficiente angular da reta é a constante de associação (K_{sv}). Os estudos de fluorescência com a BSA foram feitos a 25 °C.

654 3.3.6.2 Estudo da interação com Abl-SH3 via espectroscopia de fluorescência

Este estudo foi realizado de modo similar ao descrito no tópico 3.2.6.1. Porém, foram feitas titulações espectrofotométricas da proteína ABL-SH3 e dos complexos 1, 2 3, 4, 9 e 10. As concentrações dos complexos e da proteína foram respectivamente $5,0 \times 10^{-4}$ mol L⁻¹ e $1,0 \times 10^{-6}$ mol L⁻¹ em tampão TRIS (pH=7,2).

659 **3.3.7 Espectroscopia de dicroísmo circular (CD)**

Os espectros de dicroísmo circular (CD) foram obtidos em um aparelho JASCO
modelo J-815, com um sistema de controle de temperatura da marca Peltier Jasco
modelo PFD-425S. O espectropolarímetro de dicroísmo circular Jasco-815 está
disponível na infraestrutura do Departamento de Química da Universidade Federal de
Minas Gerais.

665 **3.3.7.1 Espectroscopia de dicroísmo circular (CD)**

666 A interação dos complexos Ru(II) com sulfametizol e α-α-diiminas com o ADN 667 de timo de vitelo (CT-ADN) também foi estudada usando espectroscopia de dicroísmo 668 circular. Para cada experimento, 2,5 mL da solução de ADN (1,51 × 10⁻⁴ mol L⁻¹) foi 669 titulada com alíquotas de concentrações das soluções dos complexos a 3,9 × 10⁻² mol L⁻ 670 ¹. Foram feitas leituras na faixa de 230 a 650 nm.

671 3.3.8 Espectrometria de Massas-ESI

672 Os espectros de massas foram obtidos no equipamento LC-MS-IT-TOF
673 Shimadzu da infraestrutura do Departamento de Química da UFMG. As amostras foram
674 dissolvidas em uma mistura equimolar de acetonitrila e acetona.

675 **3.3.9 Ressonância magnética nuclear de hidrogênio- RMN de ¹H**

Os espectros de RMN foram registrados no espectrômetro de RMN Bruker
Advance DRX 400 da infraestrutura do Departamento de Química da UFMG. As
amostras foram primeiramente solubilizadas em 0,5 mL de dimetilsulfóxido deuterado
(dmso-d₆) e acondicionadas em tubo de 5mm.

680 3.3.10.1 Estudo da interação com Abl-SH3 via RMN

Estudou-se a interação entre Abl-SH3 e o complexo 2 utilizando ressonância
magnética nuclear de ¹H, em colaboração com o professor Adolfo Henrique de Moraes
do Departamento de Química da UFMG.

684 Os experimentos de RMN foram realizados a 303 K utilizando um 685 espectrômetro Bruker Onebay 400 MHz equipado com uma sonda de dupla ressonância 686 TXI de 5 mm. O processo de atribuição dos espectros de RMN foi feito utilizando as 687 atribuições depositadas de Abl-SH3-SH2 no Banco de Dados de Ressonância 688 Magnética Biológica (BMRB, número de acesso BMRB 4251). Os espectros de RMN 689 foram processados utilizando o Topspin 3.2 softare (Bruker Biospin SA). O ensaio de 690 interação entre Abl-SH3 e o complexo 2 foi realizado utilizando espectros ¹H-¹⁵N [97]. 691 A atribuição e a análise das experiências de titulação Abl-SH3 - Complexo 2 foram 692 realizadas utilizando o software CCPN Analysis [99]. O índice de Perturbação por 693 Deslocamento Químico (CSP) foi calculado utilizando a seguinte equação:

694 $CSP = \sqrt{(\Delta 1H)^2 + 0.15(\Delta 15N)^2},$

695 Onde Δ 1H e Δ 15N são a diferença de deslocamentos químicos na dimensão ¹H e 696 ¹⁵N nos espectros Sofast-HMQC ¹H-¹⁵N, respectivamente. As amostras foram 697 preparadas em tampão fosfato 20 mM pH 7,4 contendo 5% (v / v) de dmso-d6. O dmso-698 d₆ foi usado para possibilitar a dissolução do complexo **2**. A concentração de Abl-SH3 699 foi de 85 µM e a de complexo **2**, seis vezes menor. O pH foi verificado antes e depois 698 da adição de 5% (v / v) de dmso-d₆ e após a titulação do complexo **2** para evitar 699 qualquer variação de mudança química devida a alterações de pH.

702 **3.3.11 Cristalografia de raios-X de monocristal**

703 As determinações estruturais dos complexos 1 e 2 foram realizadas em 704 colaboração com o professor Bernardo Rodrigues Lage do Departamento de Química da 705 UFMG. As amostras monocristalinas obtidas foram submetidas à análise por difração 706 de raios-X de monocristal em baixa temperatura (120 K) em um difratômetro Oxford 707 Atlas Gémeos. Para a coleta de dados utilizou-se fonte de molibdênio, MoKα (0,71073 708 Å) e monocromador de grafite usando o Crysalis-Pro. Um dispositivo de gás criogênico 709 foi empregado para manter a temperatura de 120 K. As estruturas dos complexos foram 710 coletadas em baixa temperatura. Este procedimento foi necessário devido à 711 impossibilidade de determinar as celas unitárias dos complexos em temperatura 712 ambiente.

Em um primeiro momento, as amostras tiveram a monocristalinidade verificadas em um microscópio com polarizador e analisador acoplados; tais amostras foram submetidas à pré-coleta para verificar a cela unitária e separar a melhor amostra para a coleta completa de dados. Os parâmetros de célula dos complexos foram determinados a partir de um conjunto de imagens contendo reflexões correspondentes aos planos de rede.

719 O refinamento final das estruturas dos complexos envolveu tratamento dos 720 parâmetros térmicos isotrópicos para átomos de H e anisotrópico para os átomos não 721 hidrogenóides, correção por absorção das intensidades de reflexão e correção da 722 desordem de ocupação. Os átomos não hidrogenóides, C, O, N, e S, foram localizados a 723 partir do mapa de diferença de Fourrier. O complexo 2 apresenta em sua célula unitária 724 uma molécula de álcool isopropílico, e esta exibe sítios desordenados para alguns de 725 seus átomos. Aplicou-se o modelo de desordem estática do átomo para tais sítios. Nesse 726 modelo dois sítios de ocupação são fixados de modo a resultar em melhor refinamento

- estrutural. Por fim, os programas MERCURY [100] e ORTEP-3 [101] disponíveis no
- 728 programa Wingx [101] foram utilizados para preparar as Figuras de representação
- 729 gráfica. As estruturas foram resolvidas usando o programa SHELXS-97 e refinados
- 730 usando SHELXL-14 / 7 [102].
- 731

CAPÍTULO 4

733 RESULTADOS E DISCUSSÃO: NOVOS COMPLEXOS DE RUTÊNIO(II) 734 COM SULFONAMIDAS Ε α-α DIIMINAS

Neste capítulo, serão descritas as sínteses, caracterizações em solução e no estado sólido de 10 complexos inéditos de Ru(II), e serão apresentados e discutidos os resultados da atividade antitumoral (CI50) desses complexos. As seguintes técnicas foram usadas nas caracterizações dos complexos: análise elementar, ponto de fusão, medida de condutividade, espectroscopia de absorção na região do infravermelho, espectroscopia eletrônica no ultravioleta visível (UV-Vis), espectroscopia de fluorescência, espectrometria de massas, espectroscopia de ressonância magnética nuclear de ¹H e difração de raios X de monocristal.

4.1 Os complexos

Complexo 1- [Ru(bpy)₂(smp)](PF₆), [Ru(C₁₀H₈N₂)₂(C₁₁H₁₁N₄O₃S)](PF₆)

Complexo 2-[$Ru(phen)_2(smp)$](PF_6), [$Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)$](PF_6)(C_3H_8O)

Complexo 3- [Ru(bpy)₂(smz)](PF₆), [Ru(C₁₀H₈N₂)₂(C₉H₉N₄O₂S₂)](PF₆)

Complexo 4-[Ru(phen)₂(smz)](PF₆), [Ru(C₁₂H₈N₂)₂(C₉H₉N₄O₂S₂)](PF₆)

Complexo 5- [Ru(bpy)₂(spd)](PF₆), [Ru(C₁₀H₈N₂)₂(C₁₁H₁₀N₃O₂S)](PF₆)

Complexo 6-[Ru(phen)₂(spd)](PF₆), [Ru(C₁₂H₈N₂)₂(C₁₁H₁₀N₃O₂S)](PF₆)

Complexo 7- [Ru(bpy)₂(smx)](PF₆), [Ru(C₁₀H₈N₂)₂(C₁₀H₁₀N₃O₃S)](PF₆)

Complexo 8-[Ru(phen)₂(smx)](PF₆), [Ru(C₁₂H₈N₂)₂(C₁₀H₁₀N₃O₃S)](PF₆)

Complexo 9- [Ru(bpy)₂(ssz)](PF₆), [Ru(C₁₀H₈N₂)₂(C₁₈H₁₃N₄O₅S)](PF₆)

Complexo 10-[Ru(phen)₂(ssz)](PF₆), [Ru(C₁₂H₈N₂)₂(C₁₈H₁₃N₄O₅S)](PF₆)

Os precursores [RuCl₂(bpy)₂] e [RuCl₂(phen)₂] foram sintetizados pela reação do
RuCl_{3.}nH₂O com o ligante NN'-heterocíclico. Os complexos inéditos foram obtidos pela
reação dos precursores com as respectivas sulfonamidas (Figuras 4.1 e 4.2).

A ssz apresenta 4 prótons ionizáveis: pKa=0,62 (H ligado ao nitrogênio
piridínico), pKa =2,9 (hidrogênio carboxílico), pKa= 8,7 (H fenólico) e pKa= 11,1 (H

sulfonamídico) [103] conforme esquematizado na Figura 4.2. O pKa do hidrogênio
sulfonamídico na ssz é maior que o das outras sulfas, smp (H sulfonamídico, pKa= 6,7),
smz (H sulfonamídico, pKa= 6,71), spd (H sulfonamídico, pKa= 8,43) e smx (H
sulfonamídico, pKa= 6,16) [104], o que justifica a diferença no modo de coordenação
adotado, através dos oxigênios do carboxilato.

O sal de hexafluorofosfato de potássio foi empregado para facilitar a
precipitação dos complexos, pela troca do contra-íon cloreto pelo hexafluorofosfato.
Esse ânion não é bom coordenante, e é volumoso, o que pode contribuir para a
formação de cristais.



770 **Figura 4.1** Esquema representativo da equação genérica para obter complexos 1 a 8.

771



772
773 Figura 4.2 Esquema representativo da equação genérica para obter complexos 9 e 10.

774 4.1.1 Análise elementar, condutimetria e temperatura de decomposição

As caracterizações dos precursores, (*cis*-[RuCl₂(bpy)₂]·2H₂O ou *cis*-[RuCl₂
(phen)₂]), empregados no preparo destes complexos estão disponíveis no Anexo 1.

777 Os dados referentes às condutividades em solução $1,0 \times 10^{-3}$ mol L⁻¹ 778 [$\Lambda_M(\mu S/cm)$], teores de carbono, hidrogênio e nitrogênio e temperatura de 779 decomposição dos complexos **1** a **10** estão listados na Tabela 4.1.

780 Segundo revisão feita por Geary (1971), medidas de condutividade elétrica em 781 soluções de eletrólitos podem indicar o número de íons presentes uma vez que a 782 condutividade aumenta com o número (e a carga) dos íons. Este autor sugeriu também 783 que para diferentes solventes orgânicos é possível determinar os parâmetros de 784 condutividade para os diferentes tipos de eletrólitos [96]. Os valores das condutividades 785 dos complexos 1 a 10 estão de acordo com a faixa de referência para eletrólitos 1:1 (75-95 ohm⁻¹ cm² mol⁻¹) [96]. As condutividades em nitrometano indicaram, portanto, a 786 787 presença de um contra-íon para neutralizar o complexo.

Os resultados das análises elementares desses complexos estão em
correspondência com as fórmulas moleculares propostas. Esses dados são coerentes
com a substituição de dois ligantes cloretos dos complexos precursores (*cis*-[Ru
Cl₂(bpy)₂]·2H₂O ou *cis*-[RuCl₂(phen)₂]) pelo ligante sulfa (Figura 4.1).

792

Tabela 4.1 Dados das análises elementares, medidas de condutividade e ponto de decomposição dos complexos 1 a 10.

Complexos	%C	%H	%N	$\Lambda_{\rm M}$ ohm ⁻¹ cm ⁻² mol ⁻¹	Decomposição
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)] \cdot 0.4H_2O \cdot (PF_6)$ (1)					256-258
$MM = 845,49 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	43,64	3,64	13,43	93,79	
calculado	44,04	3,32	13,25		
$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)](PF_6)(C_3H_8O)(2)$					260-262
$MM = 945,84 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	48,33	3,52	11,89	94,28	
calculado	48,25	3,73	11,85		
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_9H_9N_4O_2S_2)](PF_6)$ (3)				94,86	
$MM = 828,05 \text{ g mol}^{-1}$					243-245
experimental	42,18	3,43	13,20		
calculado	42,03	3,16	13,52		
$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_9H_9N_4O_2S_2)](PF_6)$ (4)				81,30	246-248
$MM = 876,05 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	45,24	2,54	12,95		
calculado	45,21	2,99	12,78		
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{10}N_3O_2S)](PF_6) (5)$				92,00	233-236
$MM = 846,15 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	46,08	3,03	12,01		
calculado	46,16	3,27	12,15		
$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{10}N_3O_2S)](PF_6) (6)$				94,06	254-257
$MM = 894,15 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	49,44	3,03	13,15		
calculado	49,18	3,07	13,74		
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)](PF_6) (7)$				89,45	
$MM = 811,08 \text{ g mol}^{-1}$					240-243
experimental	44,88	3,73	12,15		
calculado	44,34	3,47	12,07		
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)](PF_6) (8)$				91,38	242-244
$MM = 859,08 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	47,77	3,13	11,48		
calculado	47,50	3,17	11,40		
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{18}H_{13}N_4O5S)](PF_6) (9)$				90,86	280-282
$MM = 956,10 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	47,35	3,22	11,78		
calculado	47,70	3,16	11,76		
$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{18}H_{13}N_4O5S)](PF_6) (10)$				93,00	279-281
$MM = 1004, 10 \text{ g mol}^{-1}$		_			
experimental	50,15	3,20	10,94		
calculado	50,21	3,01	11,15		

795 4.1.2 Espectroscopia de absorção na região do infravermelho

796

797

As sulfas e as α - α diiminas que foram empregadas neste trabalho possuem distintos grupos funcionais que absorvem na região do infravermelho. Deste modo, a

espectroscopia vibracional pode auxiliar na atribuição dos sítios de coordenação desses
ligantes ao íon metálico rutênio(II). Entretanto, as vibrações relacionadas com os anéis
heteroaromáticos não podem ser interpretadas como modos vibracionais simples pois a
maioria delas tem origem complexa envolvendo diferentes tipos de vibrações [59].

802 As análises dos espectros vibracionais das sulfonamidas smp [58], smz [56], spd 803 [74] e smx [70] foram feitas com base em estudo comparativo aos descritos na 804 literatura. As principais bandas no espectro na região de infravermelho destas sulfas e 805 dos complexos 1 a 8 encontram-se listadas na Tabela 4.2. O Ru(II) coordena-se a estas 806 sulfas através de dois átomos distintos de nitrogênio. Os espectros de absorção na região 807 de infravermelho para os complexos 1 a 8 e suas respectivas sulfas e precursores estão 808 apresentados nas Figuras 4.3 a 4.10. As interpretações das bandas destes compostos são 809 complexas, uma vez que ocorrem sobreposições entre as bandas dos anéis aromáticos 810 das sulfonamidas e dos precursores (cis-[RuCl₂(bpy)₂]·2H₂O ou cis-[RuCl₂(phen)₂]). 811 Apesar dessa dificuldade identificou-se uma mudança no diz respeito à banda associada 812 ao estiramento v(N-H). A banda de absorção atribuída ao grupo v(N-H) das sulfas 813 (Tabela 4.2) não foi visualizada nos espectros dos complexos 1 a 8 (Figuras 4.3 a 4.10). 814 Isto sugere a desprotonação do grupo N-H devida à coordenação do íon metálico ao 815 nitrogênio que está ligado ao grupo sulfonamídico. Verifica-se ainda um deslocamento 816 no estiramento v(SN) nos espectros dos complexos 1 a 8 (Figuras 4.3 a 4.10). Essas 817 diferenças são apresentadas na Tabela 4.2. É importante destacar que este deslocamento 818 reforça a coordenação do nitrogênio sulfonamídico ao íon metálico Ru(II). Ademais, o 819 segundo nitrogênio envolvido na coordenação ao metal encontra-se no anel 820 heteroaromático, a saber, piridazina (complexos 1 e 2), tiadiazol (complexos 3 e 4), 821 piridínico (complexos 5 e 6) ou isoxazol (complexos 7 e 8).

822 Na Tabela 4.2 são apresentadas as principais bandas que também poderiam estar 823 envolvidas na coordenação do metal à sulfa. No entanto, não foram observadas 824 diferenças significativas quando comparados os estiramentos $v_{as}(NH_2)$, $v_s(NH_2)$, 825 $v_{as}(SO_2)$, $v_s(SO_2)$ e $\delta(NH_2)$ das sulfonamidas e dos complexos **1** a **8**.

826

827 Tabela 4.2 Principais frequências (cm⁻¹) na região do infravermelho dos complexos 1 a
828 8 e ligantes sulfas.

composto	vas(NH2)	vs(NH2)	v(NH)	vas(SO ₂)	vs(SO ₂)	v(NN)	v(SN)	v(C=C)	δ(NH ₂)
smp	3482(s)	3388(s)	3162(s)	1324(s)	1156(s)	998(m)	928(w)	1596(s)	1628(s)
complexo 1	3478(w)	3382(w)	-	1328(w)	1160(m)	1024(s)	974(s)	1596(s)	1628(s)

complexo 2	3478(w)	3392(m)	-	1328(w)	1138(m)	1012(s)	972(s)	1596(s)	1628(s)
smz	3469(s)	3358(s)	3254(m)	1326(m)	1130(s)	980(w)	924(s)	1544(s)	1636(w)
complexo 3	3466(w)	3370(w)	-	1342(w)	1138(s)	1008(w)	990(s)	1598(s)	1630(s)
complexo 4	3468(w)	3390(w)	-	1330(w)	1138(s)	1012(s)	972(s)	1596(s)	1630(s)
spd	3414(s)	3308(s)	3148(w)	1324(s)	1126(s)	-	948(s)	1584(s)	1636(s)
complexo 5	3478(w)	3370(w)	-	1312(m)	1140(s)	-	990(w)	1590(s)	1634(w)
complexo 6	3480(w)	3368(w)	-	1322(w)	1136(s)	-	998(s)	1588(s)	1634(s)
smx	3466(s)	3377(s)	3142(s)	1366(s)	1157(m)	-	927(s)	1596(s)	1621(s)
complexo 7	3462(w)	3400(w)	-	1360(m)	1146(s)	-	930(s)	1596(s)	1626(w)
complexo 8	-	3368(w)	-	1364(m)	1148(s)	-	948(w)	1598(m)	1618(w)
* strong (s. forte)	. médium (m. n	nédio), weak (w	v. fraco)						

- 829
- 830

831 O estiramento v(N=N) da piridazina livre aparece em 986 cm⁻¹ [105], por 832 comparação atribuímos que no ligante smp, esta banda aparece em 998 cm⁻¹. Enquanto, 833 que no espectro do complexo **1**, este estiramento aparece 1024 cm⁻¹, e em 1012 cm⁻¹ no 834 complexo **2** (Figuras 4.3 e 4.4). Esses deslocamentos indicam a coordenação ao centro 835 metálico via nitrogênio do anel de piridazina.

Por outro lado, nos complexos **3** e **4** os deslocamentos referentes aos estiramentos v(C=N) e v(N-N) indicam a coordenação ao centro metálico via nitrogênio do anel de tiadiazol A banda associada ao estiramento v(C=N) aparece no espectro do ligante smz em 1544 cm⁻¹. Nos complexos **3** e **4** esta banda apareceu respectivamente em 1540 cm⁻¹ e 1578 cm⁻¹ (Figuras 4.5 e 4.6). O estiramento v(N=N) da smz livre aparece em 980 cm⁻¹ [59], enquanto, que no espectro do complexo **3**, este estiramento aparece 1008 cm⁻¹, e em 972 cm⁻¹ no complexo **4**.

843 Segundo Kremer e colaboradores [62] é difícil atribuir os modos vibracionais do 844 anel piridínico a suas respectivas bandas, visto que a maioria é de origem complexa e 845 envolve diferentes modos vibracionais. Apesar desta dificuldade, Wandas e Puszko 846 [106] destacaram que as bandas atribuídas aos estiramentos vCN+vCN do anel 847 piridínico aparecem dentro dos intervalos 1610-1590, 1590-1510, 1490-1435 e 1450-848 1377 cm⁻¹, por comparação atribuímos que no ligante spd, estas bandas aparecem 849 respectivamente em 1584 e 1452 cm⁻¹. No espectro do complexo 5, este estiramento aparece 1590 e 1456 cm⁻¹, e em 1588 e 1456 cm⁻¹ no complexo **6** indicando a 850 851 coordenação ao centro metálico via nitrogênio do anel piridínico (Figuras 4.7 e 4.8).



852
 853
 Figura 4.3 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (*cis*-[RuCl₂
 854 (bpy)₂]·2H₂O, ligante smp e complexo 1.



855
 856
 Figura 4.4 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (*cis*-[RuCl₂
 857 (phen)₂]·2H₂O, ligante smp e complexo 2.



858
859
Figura 4.5 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (*cis*-[RuCl₂
860 (bpy)₂]·2H₂O, ligante smz e complexo 3.



861
 862
 Figura 4.6 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (*cis*-[RuCl₂
 863 (phen)₂]·2H₂O, ligante smz e complexo 4.



864 865

Figura 4.7 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (cis-[RuCl₂ (bpy)₂]·2H₂O, ligante spd e complexo **5**. 866



867 868

Figura 4.8 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (cis-[RuCl₂ (phen)₂]·2H₂O, ligante spd e complexo **6**. 869

870 No anel isolado de isoxazol, a banda média em 1585-1555 cm⁻¹ é atribuída aos 871 estiramentos das ligações v(C=N) e v(C=C) [107]. Ao comparar as bandas atribuídas a 872 este estiramento, observou-se que no ligante livre smx o estiramento v(C=N) está 873 presente em 1575 cm⁻¹, enquanto que nos complexos **7** e **8** este estiramento aparece 874 respectivamente 1552 cm⁻¹ e 1550 cm⁻¹ (Figuras 4.9 e 4.10).

Para análise completa dos espectros dos complexos **1** a **8** é necessário considerar também os estiramentos referentes ao ligante bpy e phen. Os espectros de absorção na região do infravermelho da bpy e phen estão apresentados nas Figuras 4.11 e 4.12. Observam-se duas bandas nas regiões de 3084 e 3052 cm⁻¹ para o ligante bpy, e em 3066 e 3032 cm⁻¹ para o ligante phen, que podem ser atribuídas aos modos vibracionais de estiramento assimétrico e simétrico vC-H, característico de anéis aromáticos.

881 As vibrações dos anéis heteroaromáticos não podem ser interpretadas como 882 modos vibracionais simples pois a maioria delas são de origem complexas e envolvem 883 diferentes tipos vibracionais. Os modos vibracionais de estiramento vC=N e vC=C 884 também podem ser identificadas através de quatro bandas intensas presentes entre 1578-885 1414 cm⁻¹ na bpy, e em 1588-1420 cm⁻¹ na phen. O modo de deformação angular fora 886 do plano vC-H e deformação angular no plano do anel e vCCN, vCCC são sinalizados respectivamente através das bandas em 756, 652 e 618 cm⁻¹ na bpy, e em 850, 732 e 887 888 624 cm⁻¹ na phen [108,109].

Ao comparar os espectros dos complexos **1** a **8** e dos ligantes livres bpy e phen, observou-se ainda o deslocamento das bandas características dos modos vibracionais de estiramentos das bandas heterocíclicas e deformação angular vC-H, vCCN, vCCC para regiões de maior comprimento de onda, indicando a coordenação ao centro metálico, conforme apresentado na Tabela 4.3.

894 **Tabela 4.3** Modos vibracionais de estiramento v(C=C), v(C=N), v3 (F1u), v4 (F1u) e 895 deformação angular fora do plano vC-H, vCCN, vCCC que aparecem região do 896 infravermelho dos complexos 9 e 10 e dos ligantes bpy e phen.

	vC=N e vC=C	vC-H	vCCN	vCCC	v 3 (<i>F</i> 1 <i>u</i>)	v 4 (<i>F</i> 1 <i>u</i>)
bpy	1578-1414	756	652	618	-	-
phen	1588-1420	850	732	624	-	-
complexo 1	1596-1410	768	728	698	842	558
complexo 2	1598-1408	720	700	614	840	558
complexo 3	1598-1428	720	688	610	842	558
complexo 4	1596-1410	720	700	668	842	558
complexo 5	1590-1424	764	764	668	844	558
complexo 6	1588-1428	768	720	700	840	558
complexo 7	1596-1424	764	730	700	844	558
complexo 8	1598-1412	774	720	676	840	558



897
 898
 898
 Figura 4.9 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (*cis*-[RuCl₂
 899 (bpy)₂]·2H₂O, ligante smx e complexo 7.



900 901

Figura 4.10 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (cis-[RuCl₂ (phen)₂]·2H₂O, ligante smx e complexo **8**. 902





Figura 4.11 Espectro de absorção na região do infravermelho do ligante bpy.



Figura 4.12 Espectro de absorção na região do infravermelho do ligante phen.

907 As modificações observadas nos espectros infravermelho dos complexos **1** a **8** se 908 comparados aos espectros das sulfas livres sugerem que as mesmas atuam como 909 ligantes bidentados. Deste modo, é possível apontar que a substituição da α - α diimina 910 bpy para phen não interfere no modo de coordenação da sulfa ao rutênio (II).

911 Nos espectros dos complexos **1** a **8** fica evidente a presença do grupo PF_6^- na 912 constituição do complexo. O íon PF_6^- livre tem simetria O_h e as vibrações v₃ e v₄ (F_{1u}) 913 são ativas no infravermelho [110]. O modo de estiramento v₃ (F_{1u}) que aparece como 914 uma banda forte, e o modo v₄ (F_{1u}) para os complexos **1** a **8** estão listados na Tabela 4.3.

915 Conforme visto na seção 3.3.2.1, foram obtidos monocristais dos complexos **1** e 916 **2**. A análise estrutural feita através da difração de raios X possibilitou identificar que o 917 solvente álcool isopropílico está incluso na rede cristalina do complexo **2**. A presença 918 deste solvente também foi visualizada através da espectroscopia de absorção na região 919 do infravermelho. As bandas 2946, 2854 e 1462 cm⁻¹ são atribuídas respectivamente aos 920 estiramentos v_{as}(CH₃), v_s(CH₃) e δ (CH₃) [109]. A banda característica do álcool terciário 921 ocorre em 3644-3626 cm⁻¹[111]

922 Deste modo, o Ru(II) se liga a uma molécula de sulfa de modo bidentado,
923 através do nitrogênio desprotonado que está ligado ao grupo sulfonamídico e via
924 nitrogênio do anel heteroaromático, e coordena-se de modo bidentado a duas moléculas
925 α-α-diiminas através dos nitrogênios azometinos.

A ssz e seus respectivos complexos apresentam particularidades estruturais em
relação as demais sulfas, deste modo, suas principais atribuições serão destacadas e
discutidas de modo particular.

Dentre as sulfas empregadas neste trabalho foi identificado que a ssz apresenta o
espectro mais complexo. A complexidade deste espectro foi atribuída à presença de três
anéis aromáticos diferentes (o anel salicílico, o anel central ρ-substituído e o anel
piridínico), dos grupos oxigenados –OH, –COOH e –SO₂, e do –NH sulfonamídico [79].
Desta forma, aparecem várias bandas de absorção, algumas sobrepostas ou combinadas,
e tal ocorrência torna difícil a atribuição deste espectro.

Apesar de um número amplo de bandas de absorção foi possível identificar
alguns modos vibracionais do ligante ssz. Essas atribuições foram feitas com base em
trabalho reportado por Marzano [79]. As principais bandas na região do infravermelho
para a ssz e suas respectivas atribuições são 3422 v(OH), 3134 v(NH), 3062 v(CH),
1676 v(C=O) carboxílico, 1618 e 1588 modos vibracionais do anel salicílico, 1482

940 (vCC + vCN) do anel piridínico, 1358 $v_{as}(SO_2)$, 1263 v(C-O) carboxílico, 1174 $v_s(SO_2)$ 941 e 1280 v(CO) fenólico.

942 Cabe ressaltar primeiramente que não foram observadas mudanças significativas 943 nas bandas atribuídas aos estiramentos vCC + vCN do anel piridínico nos complexos 9 e 944 10 quando comparadas ao espectro do ligante ssz (Figura 4.13 e 4.14). Deste modo, o 945 anel piridínico não participa na coordenação com o íon metálico. Ainda nos espectros 946 dos complexos 9 e 10 quando comparado com a ssz livre, ressaltou-se o deslocamento 947 da banda característica do modo vibracional de estiramento v(C=O) do grupo COOH 948 para região de menor comprimento de onda. A banda de vibração forte em 1676 cm⁻¹, 949 atribuída ao estiramento da ligação v(C=O) no espectro da ssz livre, deslocou-se para 950 região de maior energia formando uma única banda em 1630 cm⁻¹ nos espectros dos 951 complexos 9 e 10, sugerindo a participação da carbonila na coordenação ao Ru(II).

952 As bandas dos modos vibracionais do anel salicílico em 1618 e 1588 cm⁻¹ não 953 foram identificadas nos complexos 9 e 10. Nos complexos 9 e 10 observaram-se apenas 954 um ombro largo em 1590 cm⁻¹, sugerindo a união das bandas em 1618 e 1588 cm⁻ 955 ¹(Figuras 4.13 e 4.14). Alterações nestas bandas possivelmente procedem de um novo 956 ambiente químico envolvendo o anel salicílico na coordenação. Essa modificação foi 957 anteriormente observada em complexos de gálio(III) e bismuto(III) com ssz [79]. Nos 958 complexos 9 e 10, a vibração de estiramento assimétrico do carboxilato aparece em 959 1590 cm⁻¹ e o simétrico em 1456 cm⁻¹. A diferença entre v_{ass} (COO⁻) e v_s (COO⁻), 134 960 cm⁻¹, é indicativa da coordenação do carboxilato como um ligante quelante [79]. As 961 informações apresentadas acima permitem inferir que o ligante ssz está coordenado ao 962 íon metálico rutênio (II) de modo bidentado, através dos oxigênios do carboxilato 963 (Figuras 4.13 e 4.14).



964 965

Figura 4.13 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (cis-[RuCl₂ (bpy)₂]·2H₂O, ligante ssz e complexo **9**. 966



967
 968
 968 Figura 4.14 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor (*cis*-[RuCl₂
 969 (phen)₂]·2H₂O, ligante ssz e complexo 10.

970 É necessário considerar também os estiramentos referentes ao ligantes bpy e 971 phen. Ao comparar os espectros dos complexos 9 e 10 e dos ligantes livres bpy e phen, 972 observou-se ainda o deslocamento das bandas características dos modos vibracionais de 973 estiramento v(C=C), v(C=N) e deformação angular vC-H, vCCN, vCCC para regiões de 974 maior comprimento de onda, indicando a coordenação ao centro metálico (Tabela 4.4).

975 A presença do grupo PF_6^- na constituição do complexo é indicada pelos modos 976 de estiramento $v_3 (F_{1u})$ e $v_4 (F_{1u})$, conforme destacado na Tabela 4.4.

977**Tabela 4.4** Modos vibracionais de estiramento v(C=C), v(C=N), v3 (F1u), v4 (F1u) e978deformação angular fora do plano vC-H, vCCN, vCCC que aparecem região do979infravermelho dos complexos 9 e 10 e dos ligantes bpy e phen.

	vC=N e vC=C	vC-H	vCCN	Nccc	$v_3(F_{1u})$	$v_4(F_{1u})$	
bpy	1578-1414	756	652	618	-	-	
complexo 9	1528-1424	766	730	676	844	582	
phen	1588-1420	850	732	624	-	-	
complexo 10	1528-1426	722	720	670	842	558	

980

981 **4.1.3 Espectroscopia de eletrônica no ultravioleta visível (UV-Vis)**

As transições envolvendo sistemas conjugados são atribuídas às transições π - π * dos anéis heteroaromáticos. As bandas entre 245 e 280 nm correspondem às transições π - π * dos ligantes bpy, phen e as sulfas (smp, smz, spd e smx) e possuem altos coeficientes de absortividade molar por serem completamente permitidas pelas regras de seleção (Laporte e spin). Os ligantes ssz e spd apresentam, respectivamente, uma banda em 359 nm e 312 nm atribuídas as transições n $\rightarrow \pi$ *. As bandas dos ligantes bpy, phen e as sulfas estão listadas na Tabela 4.5.

989 **Tabela 4.5** Principais bandas ($\lambda_{máx}$ absorção) observadas nos espectros eletrônicos dos 990 ligantes bpy, phen e sulfas.

Composto	Comprimento de onda (nm)
bpy	280
phen	264
smp	257
smz	260
Spd	245-312
Smx	255
Ssz	359

991

992 Estas absorções sofrem alterações nos espectros dos complexos de 1 a 10 devido
993 à coordenação ao íon metálico. As bandas das α-α diiminas e das sulfas sofreram
994 deslocamento batocrômico nos complexos 1 a 10.
995 Complexos metálicos coordenados a ligantes insaturados, apresentam, 996 geralmente bandas na região do visível, atribuídas transferência de carga, transições de 997 campo ligante e transições internas do ligante [112]. Os espectros de absorção na região 998 UV-vis dos complexos de 1 a 10 com seus respectivos ligantes estão representados nas 999 Figuras 4.15 a 4.19. Foram observadas bandas na região de 420 a 495 nm nos 1000 complexos de 1 a 10 devidas às transições de transferência de carga do metal para o 1001 ligante (TCML, d- π^*). A presença de duas bandas de TCML nos complexos de 1 a 8 1002 deve-se às transições envolvendo os dois ligantes, uma α - α diimina e uma sulfa. A 1003 segunda banda surge pela coordenação do Ru(II) ao nitrogênio sulfonamídico. Nos 1004 espectros dos complexos 9 e 10 aparece apenas uma banda de TCML, o que está de 1005 acordo com a coordenação através do grupo carboxilato.

1006



1008Figura 4.15 Espectro eletrônico de soluções 3.0×10^{-5} mol L⁻¹ em tampão Hepes pH10097,2 dos ligantes bpy, phen e smp e os complexos 1 e 2.



Figura 4.16 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ em tampão Hepes pH 7,2 dos ligantes bpy, phen e smz e os complexos **3** e **4**.



Figura 4.17 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ em tampão Hepes pH 7,2 dos ligantes bpy, phen e spd e os complexos **5** e **6**.



Figura 4.18 Espectro eletrônico de soluções 3.0×10^{-5} mol L⁻¹ em tampão Hepes pH 7,2 dos ligantes bpy, phen e smx e os complexos **7** e **8**.



Figura 4.19 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ em tampão Hepes pH 7,2 dos ligantes bpy, phen e ssz e os complexos **9** e **10**.

1011 Em geral, complexos de rutênio com ligantes N-N heterocíclicos apresentam banda intensa típica de TCML centrada em cerca de 455 nm [113, 114]. Knoll e Turro 1012 ressaltam que os complexos $[Ru(bpy)_3]^{2+}$ e $[Ru(phen)_3]^{2+}$ absorvem entre 400 e 500 nm 1013 devido a transições TCML (Ru→bpy ou Ru→phen) [115]. O complexo 1014 [Ru(bpy)₂dppz]²⁺ exibe uma banda centrada em 450 nm que é devido a duas transições 1015 1016 TCML, uma de Ru \rightarrow bpy e outra Ru \rightarrow dppz [113]. Nos complexos [Ru(bpy)₂dppn]²⁺, [Ru(bpy)(CH₃CN)₂dppn]²⁺ e [Ru(bpy)(CH₃CN)₂]²⁺ as bandas típicas de TCML estão 1017 1018 centradas respectivamente em 444 nm, 430 nm e 425 nm [116]. Os valores obtidos para 1019 as bandas de absorção dos complexos de 1 a 10 foram concordantes com os valores 1020 reportados para complexos de rutênio. Os valores de $\lambda_{máx}$ dos complexos de 1 a 10 1021 (destacados nas Figuras 4.20 a 4.24) mostraram que a substituição dos cloretos por 1022 sulfonamidas resultaram no deslocamento da banda TCML, visto que os precursores 1023 (cis-[RuCl₂(bpy)₂]·2H₂O ou cis-[RuCl₂(phen)₂]) apresentam bandas decorrentes de 1024 transição d $\rightarrow \pi^*$ centradas respectivamente em 556 e 552 nm. Como os cloretos são 1025 ligantes de campo mais fraco do que as sulfonamidas, o deslocamento das bandas para 1026 região de maior energia evidencia a troca dos ligantes.

1027 A estabilidade dos complexos em solução aquosa foi estudada por 1028 espectrofotometria na região UV-Vis. Espectros eletrônicos dos complexos **1** a **10** 1029 (Figuras 4.20 a 4.24), ao longo do tempo de 1, 5 e 24 horas, não exibem mudanças 1030 significativas, evidenciando a estabilidade dos complexos **1** a **10** em solução aquosa.



Figura 4.20 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ dos complexos **1** e **2** em tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas.



Figura 4.21 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ dos complexos **3** e **4** em tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas.



Figura 4.22 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ dos complexos **5** e **6** em tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas.



Figura 4.23 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ dos complexos **7** e **8** em tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas.



Figura 4.24 Espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ dos complexos **9** e **10** em tampão Hepes pH 7,2 com variação de tempo em 1, 5 e 24 horas.

1031 4.1.4 Espectroscopia de fluorescência

1032 Nas Figuras 4.25 a 4.29 são apresentados os espectros de emissão de
1033 fluorescência dos complexos 1 a 10, quando excitados no comprimento de onda
1034 referente à TCML em temperatura ambiente.

Entre os compostos heterocíclicos contendo a estrutura α-α diimina (-N=C-C=N)
foi possível identificar que a intensidade da banda de emissão de fluorescência é maior
nos complexos que apresentam phen. Essa diferença pode ser atribuída a maior rigidez
destas estruturas quando comparados aos complexos que apresentam bpy.

- 55 -



Figura 4.25 Espectro de fluorescência dos complexos **1** (1,0 × 10⁻⁴ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 470 nm) **2** (5,0× 10⁻⁵ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 472 nm), em tampão hepes pH 7,2 a temperatura ambiente.



Figura 4.26 Espectro de fluorescência dos complexos **3** (1,0 × 10⁻⁴ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 454 nm) **4** (5,0× 10⁻⁵ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 468 nm), em tampão hepes pH 7,2.



Figura 4.27 Espectro de fluorescência dos complexos **5** (1,0 × 10⁻⁴ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 488 nm) **6** (5,0× 10⁻⁵ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 486 nm), em tampão hepes pH 7,2 a temperatura ambiente.



Figura 4.28 Espectro de fluorescência dos complexos 7 (1,0 × 10⁻⁴ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 468 nm) **8** (5,0× 10⁻⁵ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 473 nm), em tampão hepes pH 7,2 a temperatura ambiente.



Figura 4.29 Espectro de fluorescência dos complexos 9 ($1,0 \times 10^{-4}$ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}} =$

489 nm) 10 (5,0× 10⁻⁵ mol L⁻¹, $\lambda_{\text{excitação}}$ = 495 nm), em tampão hepes pH 7,2 a temperatura ambiente.

1041 **4.1.5 Espectrometria de massas**

1042 Os valores de m/z experimentais e calculados, e os resultados associados aos 1043 complexos **1** a **10** encontram-se resumidos na Tabela 4.6. Os estudos de ESI-MS 1044 confirmaram as fórmulas propostas para os complexos **1** a **10** e a presença dos mesmos 1045 em solução acetonitrila:acetona (1:1).

1046 Tabela 4.6 Valores de m/z (experimental e calculado) para os complexos de rutênio1047 (II).

Complexo	Espécie	Calculado	Experimental	Calculado	Experimental
-	-	m/z	m/z	m/z (Pico	m/z (Pico
				iônico)	iônico)
1	$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$	693,0978	693,0941	347,5562	347,0487
2	$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$	741,0979	741,0929	371,5562	371,0443
3	$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_9H_9N_4O_2S_2)]^{+1}$	683,0586	683,1196	342,5369	342,0382
4	$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_9H_9N_4O_2S_2)]^{+1}$	731,0587	731,0790	-	-
5	$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{10}N_3O_2S)]^{+1}$	662,0914	662,0890	-	-
6	$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{10}N_3O_2S)]^{+1}$	710,0915	710,1301	-	-
7	$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1}$	666,0863	666,1758	333,0432	333,5462
8	$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1}$	714,0864	713,9898	357,0432	357,5376
9	$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{18}H_{13}N_4O_5S)]^{+1}$	811,1029	811,1012	-	-
10	$[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{18}H_{13}N_4O_5S)]^{+1}$	859,1030	859,1024	-	-

1048

Os espectros de massas ESI-MS experimentais dos complexos **1** e **2** estão representados nas Figuras 4.30 e 4.31. O espectro de massas ESI-MS experimental do complexo **1** exibe um pico principal em m/z 693,0941, este é atribuído à espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$, cujo valor calculado corresponde a 693,0978. Por sua vez, o espectro de massas ESI-MS experimental do complexo **2** apresenta o pico em m/z 741,0929, este é atribuído a espécie $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$, cujo valor calculado corresponde a 741,0979.





Figura 4.30 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 1.



1058
1059Figura 4.31 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 2.1060Nas Figuras 4.32 e 4.33 são mostradas respectivamente as distribuições1061isotópicas experimental e simulada para as espécies $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$ e1062 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$. O comparativo destas distribuições mostrou

- 1063 concordância entre o valor teórico e experimental.
- 1064
- 1065
- 1066
- 1067



1068 **Figura 4.32** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie 1069 $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).



1072 **Figura 4.33** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie 1073 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).

1074 Além do pico base foi observado o pico iônico nos espectros de massas ESI-MS 1075 experimentais dos complexos 1 e 2. O pico iônico com m/z = 347,0487 corresponde a espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+2}$ (MM=347,5562; complexo 1), esse pico possui 1076 1077 abundância relativa inferior a 35%. No entanto, para o complexo 2, o pico iônico com 1078 m/z371,0443 corresponde a espécie $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+2}$ = 1079 (MM=371,5562). Nas Figuras 4.34 e 4.35 estão representadas a distribuições isotópicas 1080 experimentais e calculadas para os picos iônicos $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+2}$ e $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+2}$. As distribuições isotópicas experimentais destes picos 1081 iônicos estão em concordância com as distribuições isotópicas calculadas. 1082

1083 Uma diferença entre os pares de complexos com a smp diz respeito à 1084 predominância das espécies monovalente e bivalente. Os valores de abundância relativa 1085 indicam que o complexo **1** está disponível em maior quantidade em solução de 1086 acetonitrila:acetona (1:1) na forma monovalente, enquanto que o complexo **2** predomina 1087 na forma bivalente.

1088 Essas diferenças podem ser provenientes do processo de ionização por 1089 eletrospray. As cargas dos íons gerados não refletem necessariamente o estado da carga 1090 da amostra em solução. A carga transferida para as moléculas dos complexos (em geral, 1091 na forma de próton) surge de uma combinação de concentração de carga gotículas 1092 durante a evaporação do aerossol e de processos eletroquímicos resultantes de 1093 potenciais eletrostáticos do tubo capilar. Assim, os íons da amostra podem ter uma 1094 carga única ou várias cargas [117]. Além disso, pode haver a necessidade de acidificar a 1095 amostra para favorecer a ligação dos analitos com a matriz polimérica do cartucho do 1096 espectrômetro de massas. Consequentemente isso pode levar ao aumento na 1097 disponibilidade de prótons em solução, contribuindo para formação da espécie bivalente 1098 [117].



1100Figura 4.34Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie1101 $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+2}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).



1104Figura 4.35Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie1105 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+2}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).

1108 As Figuras 4.36 e 4.37 exibem os espectros de massas ESI-MS experimentais





1110 Figura 4.36 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 3.





1117Ainda neste espectro experimental foi possível identificar um pico1118m/z=342,0382 que é referente a espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_9H_9N_4O_2S_2)]^{+2}$. A distribuição1119isotópica experimental deste pico iônico está em boa concordância com a distribuição1120isotópica calculada, conforme exposto nas Figuras S2 (Anexo 1, pág 134).

- 65 -

1121 O espectro de massas ESI-MS do complexo **4** apresentou particularidades ainda 1122 não identificadas nos complexos apresentados anteriormente. Além do pico principal 1123 em m/z=731,0790 foram destacados os picos em m/z= 281,9678 e m/z= 371,1096. Os 1124 dois últimos picos foram atribuídos as espécies $[Ru(C_{12}H_8N_2)]^{+1}$ e $[Ru(C_9H_9N_4O_2S_2]^{+1}$.

1125 O pico em m/z 731,0790 é atribuído a espécie $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_9H_9N_4O_2S_2)]^+$, 1126 cujo valor calculado corresponde a 731,0587. Na Figura S3 (Anexo 1, pág 134) estão 1127 representadas as distribuições isotópicas experimental e calculada deste pico. As 1128 distribuições isotópicas experimentais estão em concordância com a distribuições 1129 isotópicas calculadas.

As Figuras 4.38 e 4.39 ilustram os espectros de massas ESI-MS experimentais
dos complexos 5 e 6.



- 1135
- 1136





Figura 4.39 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila:acetona (1:1) do complexo 6.

No espectro do complexo 5 foi possível identificar um pico com m/z = 662,08901138 atribuído à espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_3O_2S)]^{+1}$, cujo valor calculado corresponde a 1139 662,0914. Para o complexo 6 observou-se apenas o pico base em m/z 710,1301, cujo 1140 1141 calculado corresponde a 710,0915, este foi atribuído valor а espécie 1142 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_4O_3S)]^{+1}$. As similaridades, entre os valores teóricos e experimentais para estas espécies, estão representadas nos espectros de massas ESI-MS 1143 1144 ampliados disponíveis nas Figuras S4 e S5 (Anexo 1, págs 136 e 137).

1145 Os espectros de massas ESI-MS experimentais dos complexos **7** e **8** (Figuras 1146 4.40 e 4.41) mostram que há predomínio respectivamente das espécies 1147 $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+2}$ e $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+2}$, isto pode ser 1148 justificado pelos fatores mencionados anteriormente. As distribuições isotópicas 1149 experimentais destes picos estão em concordância com a distribuições isotópicas 1150 calculadas conforme ilustrado nas Figuras S6 e S7 (Anexo 1, págs 138 e 139).



1151 **Figura 4.40** Espectro ESI-MS em solução acetonitrila:acetona (1:1) do complexo 7.





Figura 4.41 Espectro ESI-MS em solução acetonitrila: acetona (1:1) do complexo 8.

1154 No entanto, apesar da menor abundância relativa identificou-se no espectro de massas ESI-MS experimental do complexo 7 o pico em m/z 666,1758, atribuído a 1155 espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1}$, cujo valor calculado corresponde a 666,0863. 1156 Comparativamente, no espectro de massas ESI-MS experimental do complexo 8, o pico 1157 1158 em m/z 713,9898 é atribuído a espécie $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1}$, cujo valor calculado corresponde a 714,0864. A distribuição isotópica experimental exibe grande 1159 1160 semelhança com a distribuição isotópica calculada conforme apresentado nas Figuras S8 (Anexo 1, pág 140) { $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1}$ } e S9 (Anexo 1, pág 141) 1161 $\{ [Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1} \}.$ 1162

1163Ainda no que concerne o espectro de massas do complexo 7, há um pico em m/z1164448,9704 atribuído a espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2Cl]^{+1}$, cujo valor calculado corresponde a1165448,0825. A abundância relativa para este pico é de 75%, porém, esse percentual não1166indica a predominância desta espécie em solução de acetonitrila:acetona (1:1), visto que1167a espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+2}$ apresenta abundância relativa superior a116898%.

1169Os espectros de massas ESI-MS experimentais, dos complexos 9 e 10, estão1170representados nas Figuras 4.42 e 4.43.









1179Por sua vez, o espectro simulado para complexo 10 apresenta pico base com1180m/z=859,1030 confirmando que a estrutura proposta corresponde a espécie1181 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{18}H_{13}N_4O_5S)]^+$, em solução acetonitrila:acetona (1:1). Os espectros1182experimental e calculado foram ampliados para mostrar tais similaridades (Figura S11,1183Anexo 1, pág 143).

1184 **4.1.6 Ressonância magnética nuclear de hidrogênio RMN de ¹H**

1185 Foram registrados espectros de RMN de ¹H dos complexos de **1** a **10** em dmso-1186 d₆ a fim de auxiliar na proposição do sítio de coordenação dos ligantes α - α diiminas e 1187 das sulfas ao rutênio(II).

1188 No espectro do ligante bpy foi possível identificar quatro grupos de ressonância 1189 na região entre δ 7,35-8,85 (Figura 4.44). Os hidrogênios H1 e H1 aparecem em δ 8,69; 1190 H4 e H4 em δ 8,4; H3 e H3 em δ 7,93 e H2 e H2 em δ 7,45. Tratando-se de sistemas 1191 aromáticos, os elétrons encontram-se mais livres e, desta forma, os átomos desse 1192 sistema estão mais protegidos [117]. As atribuições dos sinais de hidrogênio para o 1193 ligante bpy já estão relatadas na literatura [118]. Ainda neste espectro ocorre a presença 1194 de um sinal intenso em δ 3,35 que é referente a presença de moléculas de água 1195 absorvidas pelo dmso-d₆, por sua vez o sinal em δ 2,50 é referente às metilas do dmso-1196 d6.



1197Figura 4.44 Espectro de RMN de 1 H do ligante bpy, (C10H8N2), em dmso-d6 a 298K,1198400 MHz.1199O espectro de RMN de 1 H da phen (Figura 4.45) também apresenta quatro

1200 grupos de ressonâncias em δ 9,09 (H1 e H1), δ 8,45 (H4 e H4), δ 7,94 (H3 e H3) e δ 1201 7,75 (H2 e H2). Em δ 3,47 aparece o sinal da água e em δ 2,50 das metilas do dmso-d₆.



1202Figura 4.45 Espectro de RMN de 1 H do ligante phen, (C₁₂H₈N₂), em dmso-d₆ a 298K,1203400 MHz.1204

As atribuições dos sinais de RMN de ¹H das sulfas empregadas neste trabalho foram encontradas na literatura, para a smx [70] spd [79] e ssz [78,79]. Os espectros de RMN de ¹H das sulfas smp, smz, spd e smx são bem parecidos entre si em decorrência de suas semelhanças estruturais. Nos três espectros foi possível identificar sinais atribuídos aos prótons dos grupos CH₃, NH sulfonamídico, NH₂, além dos hidrogênios aromáticos. Os sinais nos espectros de RMN de ¹H (Figuras 4.46 a 4.49) obtidos para as sulfas smp, smz, spd e smx foram atribuídos e estão discriminados na Tabela 4.7.

1212 Apesar das semelhanças estruturais entre as sulfas, no espectro de RMN de ¹H 1213 da smp foi observado um pequeno deslocamento químico em relação sinal atribuído ao 1214 grupo CH₃. Este sinal encontra-se em δ 3,85, maior deslocamento químico em relação 1215 ao grupo CH₃ do smz. Entretanto, este deslocamento é justificado uma vez que os 1216 hidrogênios deste grupo estão mais desblindados devido ao oxigênio que está ligado ao 1217 carbono.

- 1218
- 1219

Atribuição (integral) 3,85 (7,7,7); 5,94 (5,5); 6,56 (4,4); 7,25 (2); 7,46 (3,3); 7,57 (1); 11,9 $smp \delta$ (6) 2,43 (5,5,5); 5,92 (3,3); 6,58 (2,2); 7,40 (1,1); $smz \, \delta$ 5,97 (7,7); 6,47 (6,6); 6,80 (2); 6,99 (4); 7,44 (5,5); 7,54 (3); 8,00 (1); spd δ 10,87 (11) 2,28 (**6**,**6**,**6**); 6,08 (**1**,**4**,**4**); 6,57 (**3**,**3**); 7,45 (**2**, **2**); 10,94 (**5**) $smx\;\delta$





Figura 4.46 Espectro de RMN de ¹H do ligante smp (C₁₁H₁₂N₄O₃S), em dmso-d₆ a 1224 298K, 400 MHz.



1228Figura 4.48Espectro de RMN de 1 H do ligante spd (C11H11N3O2S), em dmso-d6 a1229298K, 400 MHz.





1231 1232

Figura 4.49 Espectro de RMN de ¹H do ligante smx (C₁₀H₁₁N₃O₃S), em dmso-d₆ a 1233 298K, 400 MHz.

Os sinais no espectro de RMN de ¹H para a ssz foram atribuídos por Refat e 1235 colaboradores [78] e por Marzano [79]. Os sinais no espectro de RMN de ¹H obtidos 1236 1237 para a ssz foram atribuídos e estão discriminados na Tabela 4.8 e Figura 4.50.

Tabela 4.8 Atribuição dos sinais de RMN de ¹H do ligante ssz em dmso-d6 a 298K, 1238 1239 400 MHz.

Atribuição (integral)	ssz δ/ppm
Hs: 8, 5, 1, 6, (6H)	8,01-7,90
H2 (1H)	6,85
H3 (1H)	7,76
H4 (1H)	7,20
H7 (1H)	8,35
H9 (1H)	7,17
H11 e H12 (2H, NH e OH)	11,99



1241 1242

Figura 4.50 Espectro de RMN de ¹H do ligante ssz (C₁₈H₁₄N₄O₅S), em dmso-d₆ a 1243 298K, 400 MHz.

1244 A atribuição de todos os sinais dos espectros de RMN de ¹H dos complexos **1** a 1245 10 é extremamente complexa devido à sobreposição de sinais de prótons pertencentes 1246 aos diferentes sistemas aromáticos. Apesar dessa dificuldade, foi possível a partir desses 1247 espectros obter informações importantes a respeito do número de ligantes e dos sítios de 1248 coordenação. Em relação ao número de ligantes identificou-se que nestes complexos de 1249 Ru(II) a proporção dos ligantes α - α diiminas para sulfas é de 2:1.

1250 Foi apresentado anteriormente, através da espectroscopia de absorção na região 1251 do infravermelho, que um dos sítios de coordenação das sulfas smp, smz, spd e smx é o 1252 nitrogênio do grupo NH sulfonamídico. Conforme apresentando nos espectros de RMN 1253 de ¹H dos ligantes smp, smz, spd e smx o próton do grupo NH sulfonamídico está em δ 1254 11,90, 13,63, 10,81, 10,93 respectivamente. O desaparecimento destes sinais, nos 1255 espectros de RMN de ¹H dos complexos de **1** a **8**, confirma a coordenação das sulfas 1256 smp, smz, spd e smx ao Ru(II) através do nitrogênio sulfonamídico.

1257 Além disso, os sinais dos prótons característicos dos grupos CH₃ e NH₂ também foram identificados nos espectros de RMN de ¹H dos complexos **1** a e **8** confirmando a 1258 1259 presença das sulfas nos compostos (Tabela 4.9). Os hidrogênios aromáticos aparecem (Tabela 4.9) entre \delta 6 e 10. Hidrogênios ligados ao anel aromático são desblindados 1260 1261 pelo grande campo anisotrópico gerado pelos elétrons do sistema π do anel [118].

1262 Na Tabela 4.9 são apresentados os prótons identificados para as estruturas 1263 propostas dos complexos de **1** a **8**. Os espectros de RMN de ¹H para estes compostos 1264 estão disponíveis nas Figuras de 4.51 a 4.58. Em geral, para estes complexos, a presença 1265 de um sinal intenso em δ 3,35 é referente à presença de moléculas de água absorvidas 1266 pelo dmso-d₆, por sua vez o sinal em δ 2,50 é referente às metilas do dmso-d₆.

1267 Os espectros de RMN de ¹H dos complexos 1 e 2 merecem destaque devido a 1268 presença de moléculas de solvatação. No espectro de RMN de ¹H do complexo **1** foi 1269 possível identificar pelos sinais em δ 2,93 a presença de água (Figura 4.51), que foi 1270 visualizada inicialmente na difração de raios X. Por sua vez, o espectro de RMN de ¹H 1271 do complexo 2 mostra um álcool isopropílico (Figura 4.52) que foi previamente 1272 detectado na espectroscopia de absorção na região do infravermelho e difração de raios X. A hidroxila deste álcool é identificada pelo sinal em δ 2,16, e as metilas são 1273 1274 sinalizadas pelo sinal em δ 1,01. O próton do grupo CH está em torno de δ 3,85, sinal 1275 próximo ao grupo CH3 da smp (δ 3,54).

-	Região dos prótons	CH ₃ : δ/ppm	NH ₂ : δ/ppm	Número
	aromáticos: δ			de H.
complexo 1	9,20-6,13 (22H)	3,61 (3H, s)	5,68 (2H, s)	27
complexo 2	9,78-6,09 (22H)	3,54 (3H)	5,55 (2H)	27
complexo 3	10,10-6,45 (20H)	2,54 (3H)	5,68 (2H)	25
complexo 4	9,62–6,41 (20H)	2,44 (3H)	5,91 (2H)	25
complexo 5	9,22–6,14 (24H)	-	5,66 (2H)	26
complexo 6	9,79–6,12 (24H)	-	5,65 (2H)	26
complexo 7	9,82–7,12 (21H)	2,51 (3H)	6,56 (2H)	26
complexo 8	10,54-6,38 (21H)	2,51 (3H)	6,08 (2H)	26

1276 **Tabela 4.9** Atribuições dos sinais de RMN de ¹H dos complexos **1** a **8**.



Figura 4.51 Espectro de RMN de ¹H do complexo **1**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz



Figura 4.52 Espectro de RMN de ¹H do complexo **2**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.





Figura 4.53 Espectro de RMN de 1 H do complexo **3**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.



Figura 4.54 Espectro de RMN de ¹H do complexo **4**, em dmso- d_6 a 298K, 400 MHz.





1289Figura 4.55 Espectro de RMN de 1 H do complexo 5, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.1290



1291 1292

Figura 4.56 Espectro de RMN de ¹H do complexo **6**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.







1297

Figura 4.58 Espectro de RMN de ¹H do complexo 8, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.

1298

Nos complexos 9 e 10 foi possível identificar a presença de 27 prótons 1299 aromáticos de cada complexo. No espectro do ligante ssz, o sinal alargado no intervalo 1300 de δ 10-16, que corresponde a 2 prótons, foi atribuído aos prótons lábeis dos grupos NH 1301 sulfonamídico e COOH carboxílico. Nesta região pode-se observar a perda de um 1302 próton no espectro dos complexos. Com base nas mudanças identificadas nos espectros 1303 de absorção na região do infravermelho destes complexos atribuímos essa perda ao 1304 próton do grupo carboxílico. Os espectros de RMN de ¹H dos complexos 9 e 10 estão 1305 apresentados nas Figuras 4.59 e 4.60. A presença de um sinal intenso em δ 3,39 é 1306 referente a presença de moléculas de água absorvidas pelo dmso-d₆, enquanto o sinal em 1307 δ 2,50 é referente às metilas do dmso-d₆.







1311

1308





Figura 4.60 Espectro de RMN de ¹H do complexo **10**, em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.

1315 **4.1.7 Difração de raios X de monocristal**

1316 Conforme já destacado na seção 3.3.2.1, cristais dos complexos 1 e 2 foram 1317 obtidos. A análise estrutural revelou que o complexo 1 cristaliza no sistema 1318 monoclínico, grupo espacial P 21/c. No complexo 1, a célula unitária monoclínica tem 4 1319 unidades assimétricas, e apresenta grupo pontual 2/m. O grupo espacial P 21/c apresenta 1320 simetria de Laue 2/m, e os operadores de simetria contidos neste grupo (21 e i) são 1321 atribuídos a um eixo de rotação-translação (2_1) na direção cristalográfica [0 1 0], e ao 1322 centro de inversão. Com a projeção da célula unitária, representada na Figura 4.61, é 1323 possível identificar estes operadores de simetria e as 4 unidades assimétricas.

O complexo 2 cristaliza em grupo espacial distinto ao complexo 1. O complexo
cristaliza no sistema triclínico e grupo espacial centrossimétrico P-1. A unidade
assimétrica deste complexo é constituída por duas moléculas dos complexos, sendo que
umas delas é gerada através da operação de simetria -x, -y, -z (centro de inversão),
conforme destacado na Figura 4.62.

1329A Tabela 4.10 reúne informações acerca da coleta de dados e do refinamento1330estrutural destes complexos.



1333Figura 4.61Projeção do conteúdo da célula unitária monoclínica do complexo 1 ao1334longo do eixo a (cinza: x, y, z; verde: -x, 1/2 + y, 1/2 - z; amarelo: -x, -y- z; rosa: -x, 1/2 - 1/3351335y, 1/2 + z).



Figura 4.62 Projeção do conteúdo da célula unitária triclínica do complexo 2 ao longo
do eixo a (cinza: x, y, z; amarelo: -x, -y, -z).

Compostos	Complexo 1	Complexo 2	
Fórmula empírica	C ₃₁ H _{27.85} F ₆ N ₈ O _{3.43} P Ru S	C ₃₈ H ₃₅ F ₆ N ₈ O ₄ P Ru S	
Massa molar (g/mol)	845,49	945,84	
Temperatura/K	120,05	120,45	
Sistema Cristalino	Monoclínico	Triclínico	
Grupo espacial	P2 ₁ /c	P-1	
a/Å	13,2912(4)	13,0077(5)	
b/Å	15,9144(3)	13,1547(5)	
c/Å	15,8731(4)	14,4323(6)	
α/°	90	99,262(3)	
β/°	106,929(3)	111,070(4)	
γ/°	90	107,141(3)	
Volume/Å ³	3212,01(15)	2101,12(18)	
Z	4	2	
d _{calc} g/cm ³	1,7483	1,5314	
Coeficiente de absorção	0,689	0,539 μ/mm ⁻¹	
F(000)	1702,2	985,7	
Radiação	Mo Kα (λ = 0.7107)	Mo Kα (λ = 0.7107)	
Faixa de 2 Θ usado na coleta de dados	3,7 a 58,96	3,64 a 59	
Faixa de índices h, k, l	$-16 \le h \le 16, -22 \le k \le 20, -21 \le 1 \le 20$	$-17 \le h \le 17, -17 \le k \le 18, -19 \le 1 \le 18$	
Reflexões coletadas	29588	45677	
Reflexões independentes	7884 [$R_{int} = 0.0299, R_{sigma} = 0.0285$]	10566 [$R_{int} = 0.0501$, $R_{sigma} = 0.04221$	
Dados / restrições / parâmetros	7884/0/470	10566/0/570	
Oualidade do ajuste sobre F^2	1,066	1.048	
Índices residuais para $I > 2\sigma(I)$	$R_1 = 0.0303$, $wR_2 = 0.0698$	$R_1 = 0.0511$, $wR_2 = 0.1309$	
Índices residuais para todos os dados	$R_1 = 0,0404, wR_2 = 0,0757$	$R_1 = 0,0697, wR_2 = 0,1512$	
Maior diferença (pico e vale)	0,75/-0,72	1,23/-0,75	

1338	Tabela 4.10 Dados de	coletas e refinamento	das estruturas dos com	plexos 1 e 2.

A geometria de coordenação em torno íon Ru(II) é um octaedro bastante distorcido. A esfera de coordenação é composta por quatro átomos de nitrogênio de duas moléculas de bpy ou phen (N1, N2, N3 e N4) e dois átomos de nitrogênio {um do anel de metoxipiridina (N6) e outro do grupo sulfonamídico que está desprotonado (N5)} de uma molécula de sulfametoxipiridazina. A Figura 4.63 ilustra a projeção ortep

- 1345 das moléculas dos complexos 1 e 2, com a respectiva simbologia dos átomos envolvidos
- 1346 na coordenação.
- 1347



Figura 4.63 Projeção ORTEP da estrutura molecular dos complexos 1 (esquerda) e 2
(direita), com a simbologia dos átomos. Átomos não-hidrogenóides são representados
como elipsóides de probabilidade 50%, enquanto que todos os átomos de hidrogênio
foram suprimidos.

- 1352 Na tabela 4.11 são apresentadas as distâncias de ligação de entre o Ru(II) e os 1353 nitrogênios dos ligantes α - α diiminas (bpy e phen) e smp. Os comprimentos de ligação 1354 Ru-N estão na faixa reportada em estudos anteriores sobre complexos de rutênio [23, 1355 27, 41, 87].
- Há diferenças significativas quando analisamos os ângulos em torno das ligações
 N-Ru-N para os dois complexos. Os ângulos das ligações N(1)–Ru(1)– N(2), N(3)–
 Ru(1)–N(4), N(5)–Ru(1)–N(6) dos complexos 1 e 2 estão listados na Tabela 4.11. Estes
 valores diferem do ângulo ideal para a geometria octaédrica perfeita (90°), e isso leva a
 geometria octaédrica distorcida. A razão mais provável para tal diferença pode estar
 relacionada a efeitos estéreos.
- 1362 Em solução, as bandas de absorção na região UV-vis, apresentadas no tópico 1363 4.1.3, estão de acordo com as estruturas determinadas no cristal. A bpy e phen possuem 1364 orbitais π^* vazios e de simetria adequada para a retrodoação, enfraquecendo, assim, as 1365 ligações Ru-N trans a elas.
- 1366
- 1367
- 1368
1369 Tabela 4.11 Comprimentos e ângulos de ligações selecionados para os átomos
1370 envolvidos na coordenação ao rutênio nos complexos 1 e 2. Desvio padrão entre
1371 parênteses.

Comprimentos de ligações (Å)			Ângulos de lig	Ângulos de ligações (°)		
	Complexo 1	Complexo 2		Complexo 1	Complexo 2	
Ru1–N1	2,04(16)	2,062(3)	N2-Ru1-N1	79,22(7)	80,18(10)	
Ru1–N2	2,05(16)	2,066(3)	N4-Ru1-N3	79,23(7)	79,88(10)	
Ru1–N3	2,04(18)	2,059(3)	N6-Ru1-N5	62,11(7)	62,20(12)	
Ru1–N4	2,05(16)	2,044(3)				
Ru1–N5	2,11(17)	2,131(3)				
Ru1–N6	2,10(18)	2,062(3)				

1373 Outros comprimentos de ligações e ângulos relevantes na análise estrutural dos 1374 complexos **1** e **2** estão selecionados na Tabela 4.12. Destaque especial para os ângulos 1375 de ligação do contra-íon hexafluorofosfato (PF_6), observe que os ângulos entre as 1376 ligações F–P–F são de aproximadamente 90° e 180°, valores condizentes com a 1377 geometria octaédrica.

1378 Na revisão bibliográfica deste trabalho destacamos que há outras estruturas 1379 cristalinas de complexos metálicos com a sulfa smp. No complexo [Hg(smp)₂] 1380 reportado por Garcia-Raso e colaboradores[63] o íon Hg(II) está coordenado a dois 1381 ligantes smp, de modo monodentado, através dos átomos de nitrogênio sulfonamídicos 1382 desprotonados. No complexo $[Ni(smp)(OH_2)_2]$ [61] a smp está coordenado de modo 1383 bidentado ao íon metálico Ni(II), via nitrogênios do grupo sulfonamídico e anel 1384 metoxipiridazina. Este último padrão de coordenação foi observado nas estruturas 1385 cristalinas dos complexos obtidos neste trabalho.

1386 Tabela 4.12 Comprimentos e ângulos de ligações selecionados para os complexos 1 e 2.
1387 Desvio padrão entre parênteses.

Comprimentos de ligações (Å)			Ângulos de ligações (°)			
S1–O1 S1–O2 S1–N5 P1–F1 P1–F2 P1–F3 P1–F4 P1–F5 P1–F6	Complexo 1 1,44(18) 1,44(17) 1,59(18) 1,60(16) 1,59(18) 1,59(18) 1,61(14) 1,59(16) 1,59(15)	Complexo 2 1,436(3) 1,450(3) 1,606(3) 1,589(3) 1,590(3) 1,564(3) 1,575(3) 1,593(3) 1,583(3)	O2–S1–O1 N5–S1–O1 N5–S1–O2 F4–P1–F1 F4–P1–F2 F4–P1–F3 F5–P1–F1 F5–P1–F2 F5–P1–F4	Complexo 1 117,35(11) 107,85(10) 109,68(10) 89,27(8) 89,22(9) 89,23(9) 89,23(9) 89,21(9) 89,02(11) 89,89(8)	Complexo 2 117,9(2) 107,07(17) 109,09(18) 90,74(19) 91,08(18) 90,41(17) 90,09(18) 88,10(17) 90,2(2)	

- As Figuras 4.64 e 4.65 propiciam a visualização da rede tridimensional de ligações de hidrogênio clássicas {O-H^{...}O, N-H^{...}N e O-H^{...}N [119]} que contribuem para a estabilização dos complexos **1** e **2**.
- 1391 As geometrias das ligações clássicas reportadas ao longo deste texto são
- apresentadas na Tabela 4.13.

1393**Tabela 4.13** Geometrias das ligações de hidrogênio clássicas presentes nas estruturas1394dos complexos 1 e 2.

D—HR ^a	D—H(Å)	HR(Å)	DR(Å)	D—HR(A)
Complexo 1				
N8–H8AO4 ^b	0,928	1,878	2,760	157,96°
N8–H8BO2 ^c	0,916	2,324	3,045	135,24°
Complexo 2				
N8–H8BO2 ^d	0,931	3,000	3,848	152,21°
N8–H8BO4 ^e	0,931	2,226	3,037	145,09°
O4–H4O2 ^f	0,840	2,768	2,768	154,57°

 $\begin{array}{c} 1395 \\ 1396 \end{array} \quad a \ D: \ do a \ dor; \ R: \ receptor. \ Operador \ de \ simetria: \ {}^{b} \ x, \ y, \ z; \ {}^{c} \ 2 - x, -1/2 + y, \ 1/2 - z; \ {}^{e} \ x, \ y, \ -1 + z; \ {}^{d} \ 1 - x, \ 1 - y, \ 1 - x; \ {}^{d} \ 1 - x, \ 1 - y, \ 1 - z; \ {}^{c} \ x, \ y, \ -1 + z; \ {}^{d} \ 1 - x, \ 1 - x; \ {}^{d} \ 1 - x, \ 1 - x; \ {}^{d} \ {}^{d}$

1397

1398 Estima-se que a água, presente na estrutura cristalina, está envolvida em 1399 ligações de hidrogênio intramolecular com os ligantes bpy e smp (com N do anel bipiridínico e N do grupo sulfonamídico). A molécula de água presente na estrutura 1400 1401 cristalina está disposta de modo alternado entre as unidades assimétricas do complexo 1402 na rede cristalina. A distância entre os anéis da bpy e da smp é calculada em 3,739 Å. A 1403 separação destes centroides permite inferir a presença de interações π - π . Este complexo 1404 apresenta outra importante interação π - π face a face eclipsada. Esta ocorre devido as 1405 interações intermoleculares existentes entre distintos anéis de bpy, conforme destacado 1406 na parte inferior da Figura 4.64. A distância entre os centroides de bpy e bpy do composto 1 é calculada em 3,759 Å. 1407

1408 No complexo 2 a molécula de álcool isopropílico está envolvida nas ligações de 1409 hidrogênio. Assim como, no complexo 1, também identificamos interações π - π face a 1410 face deslocada, que ocorrem entre o anel da phen e o anel da smp (Figura 4.65, 1411 superior). Porém, neste complexo identificamos interações π - π face a face em 1412 decorrência das interações intermoleculares existentes entre distintos anéis de phen, 1413 conforme destacado na parte inferior da Figura 4.65. A distância entre os centroides de 1414 smp e phen do composto 2 é calculada em 3,657 Å, um valor maior que a distância entre os centroides das moléculas de phen cujo valor é de cerca de 3,392 Å. Com base 1415 1416 nestas distâncias, a ocorrência destas interações são suportadas devido a pequena 1417 distância entre os centroides calculados através dos anéis phen e smp ou phen e phen 1418 relacionadas por simetria translacional.

1419 É oportuno destacar que as interações π - π aromáticas podem ocorrer por três 1420 maneiras: face a face ou face a face eclipsada; face a face deslocada, e face a lado [120], 1421 neste trabalho identificamos interações $-\pi$ - π face a face e face a face eclipsada.

- As temperaturas de decomposição dos complexos **1** e **2** foram similares, mas não iguais. A diferença entre estas temperaturas pode estar correlacionada com as energias das redes cristalinas das fases sólidas em questão. Em termos termodinâmicos, o complexo **2** possui maior energia de rede, o que pode ser entendido como um resultado da estabilização tridimensional da estrutura.
- 1427



Figura 4.64 Esquema representativo das interações intermoleculares do complexo 1, ao
longo de z-90. As interações de hidrogênio clássicas entre complexo 1 e molécula de
água são esquematizadas pela linha verde tracejada. As distâncias entre os centros dos
anéis de bpy e smp foram calculados e são exibidos através das linhas pretas tracejadas.



1432 Figura 4.65 Esquema representativo das interações intermoleculares (superior) e 1433 intramoleculares (inferior) do complexo 2, ao longo de z+90. As interações de 1434 hidrogênio clássicas entre complexo 2 e molécula de álcool isopropílico são 1435 esquematizadas pela linha azul. As distâncias entre os centros dos anéis de phen e smp, 1436 e phen e phen, foram calculados e são exibidos através das linhas pretas tracejadas.

1437 4.1.8 Atividade citotóxica e fotocitotóxica em células tumorais (Determinação da 1438 **CI**50)

1439

A sensibilidade de células de leucemia mielóide crônica, linhagem K562, aos 1440 ligantes e aos complexos foi avaliada e a CI₅₀ determinada. Na Tabela 4.14 estão 1441 disponíveis os valores de CI₅₀ dos ligantes bpy, phen, smp, smz, spd, smx e ssz e dos 1442 complexos 1 a 10. Foi possível identificar através das curvas dose-resposta dos 1443 compostos que a inibição do crescimento das células tumorais é dependente da 1444 concentração. Essa dependência foi observada para os ligantes e complexos.

Composto	CI_{50} (µmol L ⁻¹)
bpy	29,9
phen	3,17
smp	32,13
smz	>100
spd	>100
smx	>100
SSZ	21,10
cis-[RuCl ₂ (bpy) ₂]	88,00
cis-[RuCl ₂ (phen) ₂]	>100
complexo 1	3,80
complexo 2	2,00
complexo 3	7,99
complexo 4	3,99
complexo 5	6,23
complexo 6	4,05
complexo 7	21,61
complexo 8	3,90
complexo 9	9,71
complexo 10	6,46

1445 **Tabela 4.14** Valores de CI₅₀ para os ligantes bpy, phen, smp, smx e aos complexos de 1 1446 a 10 com tempo de incubação de 72 horas.

1448 Todos os complexos foram mais ativos que as sulfonamidas empregadas em seu 1449 preparo. Dentre os complexos sintetizados a partir do precursor *cis*-[RuCl₂(phen)₂], 1450 apenas o complexo 2 foi mais ativo que o ligante livre phen. Embora os valores de CI_{50} 1451 dos complexos 4, 6, 8 e 10 não sejam menores do que o da phen, estes complexos se 1452 apresentam como promissores agentes para tratamento do câncer uma vez que a phen 1453 livre é muito tóxica.

1454 Todos os complexos sintetizados a partir do precursor *cis*-[RuCl₂(bpy)₂] foram 1455 mais ativos que o ligante livre bpy. Os complexos de 2, 4, 6, 8 e 10 mostraram-se mais 1456 ativos que os complexos 1, 3, 5, 7 e 9. A substituição da bpy pela phen aprimora a 1457 atividade citotóxica do complexo. A phen possui maior extensão π , o que a torna melhor 1458 intercalante entre os pares de base do ADN, além de os complexos formados com esse 1459 ligante serem mais lipofílicos.

1460

Ademais, dentre os complexos com as diferentes sulfas utilizadas, os complexos 1461 com a smp (complexo 1 e 2) são os mais ativos.

1462 A CI₅₀ da cisplatina nas mesmas condições experimentais é de 1,1 μ mol L⁻¹ 1463 [121]. É possível observar que apenas o complexo 2 apresenta atividade citotóxica 1464 próxima à da cisplatina, os demais são significativamente menos ativos. Nas mesmas 1465 condições experimentais, os valores de CI₅₀ de complexos de Bi(III) e Ga(III) com a ssz

são 21,1 e 18,6 μmol L⁻¹ [79]. Comparativamente, complexos de Ru(II) com o mesmo
ligante (9 e 10) são mais ativos na linhagem K562.

O efeito da exposição à luz UV-A na atividade citotóxica dos complexos 1, 2, 3,
4, 9 e 10 foi investigado. Na Tabela 4.16, são apresentados os valores de CI₅₀ obtidos no
escuro e após exposição a luz UV-A. A irradiação com luz UV-A por 5 minutos induz
um aumento significativo na atividade citotóxica destes complexos, o que é evidenciado
pelos altos índices de fotocitotoxicidade, que chega a 100 para o complexo 2.

1473 Os complexos **1**, **2**, **3**, **4**, **9** e **10** são mais fotoativos que os complexos 1474 [Ru(phen)(L)dmsoCl]PF₆ (L= N'-(6-oxo-1,10-fenantrolina-5(6H)-ilideno)tiofeno-2-1475 carbohidrazida ou N'-(6-oxo-1,10-fenantrolina-5(6H)-ilideno)furano-2-carbohidrazida), 1476 sintetizados no grupo da professora Elene Cristina Pereira Maia, que possuem CI₅₀ de 1477 18,00 μ mol L⁻¹, após irradiação nas mesmas condições experimentais [122].

1478 Estes resultados colocam os complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10 como candidatos ao uso
1479 em terapia fotodinâmica.

Tabela 4.15 Valores de CI₅₀ para complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10 com e sem irradiação UVA por 5 minutos, tempo de incubação de 4 horas.

Complexo	CI ₅₀ (µmol L ⁻¹) escuro	CI ₅₀ (µmol L ⁻¹) irradiado	Índices de fotocitoxicidade CI ₅₀ escuro /CI ₅₀ irradiado
1	3.00 ± 0.19	0.23 ± 0.01	17
2	2.00 ± 0.10	0.02 ± 0.001	100
3	3.00 ± 0.19	0.30 ± 0.01	10.0
4	2.60 ± 0.10	0.25 ± 0.01	10.4
9	24.72 ± 0.30	8.90 ± 0.16	2.78
10	8.90 ± 0.20	0.92 ± 0.01	9.67

1482 **4.1.9 Clivagem e fotoclivagem do ADN plasmidial**

1483 Uma vez que complexos metálicos podem clivar a fita de ADN foram realizados 1484 testes de clivagem do ADN plasmidial após exposição à luz UV-A por 5, 10 e 15 1485 minutos para complexos **1** e **2**. Estes testes foram executados no grupo de pesquisa do 1486 professor Hernán Terenzi da UFSC pelo estudante Philipe Gabriel. As condições do meio reacional estão indicadas na legenda de cada Figura. Todos os ensaios foram
realizados em triplicata e nas Figuras estão expostas a média destes resultados.

Os resultados desses estudos mostraram que no escuro não ocorre clivagem da fita de ADN para complexos **1** e **2** (Figura 4.66). Porém, os resultados foram promissores revelando um aumento considerável na fotoclivagem do ADN plasmidial após exposição de luz UV-A em diferentes intervalos de tempo 5, 10 e 15 minutos (Figura 4.67).



1494Figura 4.66 Clivagem do DNA plasmidial pBSK-II pelos complexos 1 (à esquerda) e 21495(à direita) na ausência de luz UV. Condições reacionais: [DNA] = 330 ng, ~ 25 μ M;1496[Tampão] = Hepes (10 mM, pH 7,0); [complexos] = 0 a 500 μ M; Temperatura = 37 °C;1497Tempo = 16 horas ao abrigo de luz. Eletroforese em gel de agarose. Resultados1498expressos como média ± desvio padrão de três experimentos independentes.

1499 A fotoclivagem de ADN é dependente da concentração dos complexos 1 e 2. A 1500 exposição de luz UV-A por 5 minutos não causou clivagem muito significativa, 1501 conforme representado na Figura 4.67 A. Porém, após 10 min de radiação (Figura 4.67 1502 B), o complexo 1 na concentração de 50 µM converte cerca de 25% da forma super-1503 enovelada (FI) à forma circular aberta (FII). O complexo 2 é mais ativo, convertendo 1504 aproximadamente 45% de ADN super-enovelado para a forma circular aberta nas 1505 mesmas condições. A ausência da forma linear (FIII) significa que os complexos apenas 1506 induzem a cisão de uma cadeia simples na molécula de ADN. A partir de 100 µM, os 1507 eventos de clivagem atingem a saturação. Após 15 minutos (Figura 4.67 C) de 1508 exposição à luz UV-A o complexo 1 provoca cerca de 45% de clivagem de ADN 1509 enquanto que o complexo 2 cerca de 70% de clivagem de ADN. Os percentuais de 1510 clivagem de ADN pelos complexos 1 e 2, a 100 µM, na ausência de luz e após 5, 10 e 1511 15 minutos de exposição à luz UV, são apresentados na Figura 4.68.



Figura 4.67 Fotoclivagem do DNA plasmidial pBSK-II pelos complexos 1 (à esquerda) 1515 e 2 (à direita). Condições reacionais: $[ADN] = 330 \text{ ng}, \sim 25 \mu\text{M}; [Tampão] = \text{Hepes} (10$ 1516 mM, pH 7,0); [complexo] = 0 a 500 μ M; Tempo = 5 minutos (A), 10 minutos (B), 15 minutos (C) sob luz UV. Eletroforese em gel de agarose. Resultados expressos como 1517 1518 média ± desvio padrão de três experimentos independentes.



Figura 4.68 Comparação da atividade de clivagem de ADN nos complexos 1 e 2 a 100 μ M (em ausência de luz durante 16 h e após diferentes tempos de exposição à luz UV).

Assim, foi possível observar que esses complexos apresentaram atividade de clivagem ao ADN plasmidial convertendo a forma F1 em F2, sem adição de qualquer agente redutor ou oxidante.

4.1.10 Estudo de interação dos complexos 3 e 4 com CT-ADN: análise por espectroscopia eletrônica no ultravioleta visível (UV-Vis)

A fim de verificar a interação dos complexos **3** e **4** com o ADN fizemos titulações espectrofotométrica desses complexos com o CT-ADN conforme protocolo descrito no capítulo 3 tópico 3.2.5.2. Buscou-se ainda compreender a natureza e a intensidade destas interações.

1526 Com o propósito de comparar as forças de ligações entre estes complexos, a
1527 constante de ligação, K_b, foi calculada de acordo com a equação:

1528

$$[ADN] / (\varepsilon_a - \varepsilon f) = [ADN] / (\varepsilon_0 - \varepsilon f) + 1/K(\varepsilon_0 - \varepsilon f), onde,$$

1529 [ADN] é a concentração do par de bases do DNA,

1530 $\epsilon a = \epsilon a$ relação entre a absorbância medida e a concentração de composto em estudo

- 1531 (A_{obs}/[composto]);
- 1532 εb = coeficiente de extinção do composto ligado ao ADN;
- 1533 Ef = coeficiente de extinção do composto livre em solução (na ausência de ADN). A
- 1534 constante de ligação (K_b) pode ser obtida pela razão da inclinação pela interseção da
- 1535 reta $[ADN]/(\epsilon a \epsilon f)$ em função da [ADN] [123].

1536 Segundo Firdaus e colaboradores (2008) alterações observadas nos espectros de
1537 UV-vis de CT-ADN podem fornecer evidências de interações e da natureza das mesmas
1538 [124].

1539 Os gráficos das titulações espectrofotométricas dos complexos **3** e **4** com CT-1540 ADN são mostrados na Figura 4.69. Observa-se que a adição de CT-ADN induz efeito 1541 hipocrômico (λ =454 nm para o complexo **3** e λ =449 nm para o complexo **4**) nos 1542 espectros dos compostos. Podem ser observados dois pontos isosbésticos em 355 e 476 1543 nm para complexo **3** e em 387 e 456 nm para complexo **4**. Para cálculo das constantes 1544 de ligação consideraram-se as variações nas absorvâncias em λ =454 nm no complexo **3** 1545 e λ =449 nm no complexo **4**.

As constantes de afinidade pelo ADN são: 2,8 x 10^4 mol L⁻¹ para o complexo **3** e 2,5 x 10^5 mol L⁻¹ para complexo **4**. Observe que a substituição da bpy pela phen causa um aumento na afinidade pelo ADN de 10 vezes. Cabe destacar, que estes valores são menores do que os reportados para intercaladores clássicos e metalointercalatores [125], tais como complexos polipiridínicos de rutênio [Ru(phen)₂(dppz)]²⁺, cujas constantes de ligação são da ordem de 10^6 e 10^7 M⁻¹ [36]. Isso reflete a existência de interação intermediária entre esta biomolécula e o complexo de Ru(II).



Figura 4.69 Espectros de soluções contendo os complexos **3** (superior) e **4** (3,0 x 10^{-5} mol L⁻¹) e crescentes concentrações de ADN de 0 a 6,2 x 10^{-4} mol L⁻¹ em tampão TRIS pH 7,2. Inferior: plotagem de [ADN]/(ϵ a - ϵ f) *versus* [ADN], λ =334nm.

4.1.11 Estudo de interação dos complexos 3 e 4 com ADN: análise por espectroscopia de dicroísmo circular (CD)

A espectroscopia de dicroísmo circular (CD) é uma técnica útil para diagnosticar alterações na morfologia do ADN durante as interações fármaco-ADN, já que os sinais de CD são bastante sensíveis ao modo de interação do DNA com pequenas moléculas [123, 126, 127].

1563 Os complexos estudados não apresentaram espectros de CD, pois são aquirais. O 1564 espectro de CD do ADN livre é composto por uma banda positiva em 275 nm, devido 1565 ao empilhamento de bases, e uma negativa em 245 nm, devido à helicidade direita do B-1566 ADN. A adição do complexo 4 modificou o espectro de CD do ADN, ocorrendo um 1567 ligeiro aumento na banda positiva e diminuição na banda negativa (Figura 4.70). As 1568 mudanças induzidas pelo composto 4 são mais significativas, o que é compatível com 1569 os valores de constantes de afinidade determinadas a partir de dados UV-Vis. 1570 Alterações na banda positiva estão relacionadas a interação do tipo π - π existentes entre 1571 os intercalantes e as bases nitrogenadas do ADN, e a alteração na banda negativa são

decorrentes de mudança na elipsicidade da forma B do ADN [126]. Chen e
colaboradores destacam que a intercalação de um complexo entre as fitas do ADN
geralmente resulta em hipocromismo e batocromismo no espectro CD [127].



1575Figura 4.70 Espectro de dicroísmo circular de CT-DNA $(1,5 \times 10^{-4} \text{ mol } \text{L}^{-1})$ em 2,5×10⁻³1576mol L⁻¹ de tampão Tris pH 7,2 na ausência e presença dos complexos 3 e 4 (3,9×10⁻⁵1577mol L⁻¹).

4.1.12 Estudo de interação de complexos de Ru(II) com albumina sérica bovina

1580 No processo de planejamento de um novo medicamento uma etapa inicial 1581 envolve o estudo de interação dos fármacos com proteínas, como por exemplo a 1582 albumina. A albumina, no organismo humano, é responsável por armazenar, transportar, 1583 metabolizar e excretar ampla gama de ligantes exógenos e endógenos através da 1584 formação de adutos. Entre albuminas disponíveis no mercado, a do soro bovino (BSA) 1585 tem sido muito empregada em estudos biomiméticos, devido à sua estabilidade, 1586 disponibilidade, baixo custo e semelhança estrutural com a albumina humana (HSA) 1587 [128]. A estabilidade da ligação de um composto à albumina sérica é importante para 1588 estimar a sua utilidade como agente terapêutico. Os níveis de dose eficazes para um 1589 fármaco devem basear-se no nível de fármaco não ligado na circulação porque a ligação 1590 à albumina sérica impede a ligação ao seu receptor.

Em solução, a BSA exibe forte sinal fluorescente, devido aos dois resíduos de triptofano, Trp134 e Trp212, com máximo em 340 nm, quando excitada em 280 nm. A adição de complexos provoca uma extinção nesta banda, indicando que os complexos interagem com a proteína [19, 27, 128]. Deste modo, a interação dos complexos **1** a **10** com a BSA foi investigada por espectroscopia de fluorescência. Cabe destacar que os
complexos 1 a 10 não são fluorescentes na mesma região que a BSA. As mudanças
espectrais nas titulações de BSA com os complexos 1 a 10 podem ser observadas nas
Figuras 4.71 e 4.72.

1599 A partir destes resultados foi possível determinar a constante de ligação dos 1600 complexos 1 a 10 com BSA. A intensidade de fluorescência relativa é diretamente 1601 proporcional à concentração do quencher (complexos 1 a 10). Os dados de fluorescência 1602 foram analisados com a ajuda da equação de Stern-Volmer, $F_0 / F = 1 + k_q \tau_0 [Q] = 1 + k_q \tau_0 [Q]$ K_{sv}. Em que F_e e F são as intensidades relativas de fluorescência da BSA na ausência e 1603 1604 presença do supressor, respectivamente. k é a constante de velocidade bimolecular de quenching, t é o tempo de vida médio do fluoróforo na ausência de quenching (10⁻⁸ s), 1605 1606 [Q] é a concentração do quenching, e o produto k_it é conhecido como constante de 1607 Stern-Volmer (K.). Assim, usando a equação de Stern-Volmer foi possível obter as retas 1608 apresentadas nas Figuras 4.72 e 4.73, sendo que o coeficiente angular de cada reta 1609 representa a constante de associação composto-BSA (K_{sv}) [19, 128].



Figura 4.71 Interações dos complexos **1**, **2**, **3** e **4** com albumina sérica bovina. Espectros de emissão de fluorescência da BSA (1,0 x 10^{-6} mol L⁻¹: λ excitação = 280 nm) na presença de concentrações crescentes dos complexos. Relação molar complexo-BSA variando de (a= 0, b=1,66, c=1,65, d=4,95, e=6,57, f=8,19, g=9,8, h=11,4, i= 12,9, j=14, 5, l=16,1). Reta inserida: plotagem de [(F₀-F)-1] *vs* [complexo].



Figura 4.72 Interações dos complexos 5, 6, 7, 8, 9 e 10 com albumina sérica bovina. Espectros de emissão de fluorescência da BSA (1,0 x 10^{-6} mol L⁻¹: λ excitação = 280 nm) na presença de concentrações crescentes dos complexos. Relação molar complexo-BSA variando de (a= 0, b=1,66, c=1,65, d=4,95, e=6,57, f=8,19, g=9,8, h=11,4, i=12,9, j=14, 5, l=16,1). Reta inserida: plotagem de [(F₀-F)-1] vs [complexo].

Conforme apresentado anteriormente, a afinidade de compostos pela BSA é um 1613 parâmetro muito relevante para o design de novos fármacos. Este parâmetro pode ser 1614 obtido pela equação $\log\{(F_0 - F)/F\} = \log K_0 + n \log[Q]$, na qual K₀ é a constante de 1615 associação, n é o número de sítios de ligação e [Q] é a concentração do complexo de 1616 rutênio [128]. A partir dessa equação, foram construídos os gráficos de log{(F_e-F)/F} em 1617 função do logaritmo da concentração do complexo, conforme representados nas Figuras





Figura 4.73 Gráficos de $\log\{(F-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos 1 (esquerda), e 2 (direita).





Figura 4.74 Gráficos de $\log\{(F_{\bullet}-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos **3** (esquerda), e **4** (direita).



1620Iog[complexo 6]1621Figura 4.75 Gráficos de $\log\{(F_{e}-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos 5 (esquerda), e16226 (direita).



Figura 4.76 Gráficos de $\log\{(F,-F)/F\}$ versus $\log[Q]$, para os complexos 7 (esquerda), e 8 (direita).



1623
1624 Figura 4.77 Gráficos de log{(F.-F)/F} versus log[Q], para os complexos 9 (esquerda), e
1625 10 (direita).

1626 Os valores de constante de velocidade bimolecular de *quenching* (k_q), Stern-1627 Volmer (K_{sv}), as constantes de ligação (K_b) e o número de sítios de ligação obtidos para 1628 os complexos **1** a **10** estão listados na Tabela 4.16. Para a extinção dinâmica, a constante 1629 de extinção de colisão de dispersão máxima de vários quenching (k_q), é 2,0 × 10¹⁰ L 1630 mol⁻¹ s⁻¹ [129]. Como os valores de k_q calculados são muito maiores do que isso, a 1631 extinção da fluorescência de BSA pelos complexos **1** a **10** é provavelmente devido a um 1632 mecanismo de extinção estática.

Estudos de interação da BSA e complexos de rutênio com ligantes Nheterocíclicos já foram relatados [19, 27, 128, 130, 131, 132, 133, 134]. Estes estudos reportaram que as constantes de Stern-Volmer (K_{sv}) e as constantes de ligação (K_b) são da ordem de 10⁴ e 10⁵ L mol⁻¹. Portanto, os valores das constantes de interação BSAcomplexos, obtidos no presente trabalho, são comparáveis a outros valores descritos na literatura para complexos de rutênio.

1639As constantes de ligação obtidas (K_b), apresentadas na Tabela 4.16, mostraram1640que o complexo 2 tem uma maior afinidade para BSA. Para todos os compostos, o1641número de sítio ligante é aproximadamente 1, evidenciando, assim, que apenas uma1642molécula do complexo de rutênio está inserida nos arcabouços proteicos (Tabela 4.16).

1643 A constante de ligação de um composto à albumina sérica bovina deve ser 1644 suficientemente elevada para garantir o seu transporte e distribuição mas 1645 suficientemente baixa para assegurar que o composto será liberado para atingir o seu 1646 alvo farmacológico [135]. As constantes de ligação dos complexos **1** a **10** estão entre 1647 $8,19 \times 10^4$ e $2,47 \times 10^6$ L mol⁻¹.

1648 Tabela 4.16 Constantes de Stern-Volmer (Ksv), constante de velocidade bimolecular de
1649 supressão (kq), constante de ligação (Kb), número de sítios de ligação (n) e coeficientes
1650 de determinação da regressão linear (R²) para a interação dos complexos de rutênio(II)
1651 de ligantes mistos.

compostos	K _{sv} (L mol ⁻¹)	$k_q (L \text{ mol}^{-1} \text{ s}^{-1})$	K_b (L mol ⁻¹)	n	R ²
complexo 1	1,02 x 10 ⁵	1,02 x 10 ¹³	$4,50 \ge 10^4$	0,99	0,9733
complexo 2	1,28 x 10 ⁵	1,28 x 10 ¹³	1,52 x 10 ⁶	0,99	0,9793
complexo 3	1,63 x 10 ⁵	1,63 x 10 ¹³	6,38 x 10 ⁵	1,00	0,9816
complexo 4	2,07 x 10 ⁵	2,07 x 10 ¹³	2,26 x 10 ⁵	1,00	0,9949
complexo 5	$4,20 \ge 10^4$	4,20 x 10 ¹²	2,87 x 10 ⁴	0,98	0,9963
complexo 6	1,43 x 10 ⁵	1,43 x 10 ¹²	1,89 x 10 ⁵	1,00	0,9822
complexo 7	1,30 x 10 ⁵	$1,30 \ge 10^{13}$	1,30 x 10 ⁵	1,00	0,9997
complexo 8	2,14 x 10 ⁵	2,14 x 10 ¹³	1,11 x 10 ⁵	1,00	0,9578
complexo 9	1,69 x 10 ⁵	1,63 x 10 ¹³	9,61 x 10 ³	0,89	0,9588
complexo 10	1,09 x 10 ⁵	1,09 x 10 ¹³	9,78 x 10 ⁴	1,00	0,9942

1653 Com relação à terapia fotodinâmica, a irradiação de um agente fotoativador na 1654 presença de oxigênio gera espécies reativas de oxigênio (como o ânion radical 1655 superóxido ($O_2 \bullet -$), o dioxigênio singleto (1O_2), o radical hidroxil (HO•) e o peróxido 1656 de hidrogênio (H₂O₂), que degradam macromoléculas biológicas, causando a morte 1657 celular [6,18]. Visando avaliar a possibilidade do envolvimento de proteínas no 1658 mecanismo da fotocitotoxicidade dos complexos, a BSA foi usada como proteína modelo. Foram registrados espectros de emissão de fluorescência de soluções de BSA 1659 1660 na ausência e presença dos complexos 3, 4, 9 e 10, no escuro e após 30 minutos de irradiação com luz UV-A, Figuras 4.78 e 4.79. Pode-se observar que, nas condições 1661 experimentais utilizadas, a albumina livre não é significativamente danificada nem pela 1662 irradiação. Foi verificado ainda que, na concentração de 1×10^{-6} mol L⁻¹, a adição dos 1663 1664 complexos não altera a emissão de fluorescência da BSA na ausência de irradiação.

Após exposição por 30 min à luz UV-A, a albumina é danificada pelos 1665 1666 compostos de rutênio. A concentração de BSA danificada foi determinada por: [BSA 1667 danificada] = $(F_0 - F/F_0) \times [BSA]_0$, onde F_0 é intensidade de fluorescência de BSA sem 1668 adição dos complexos 3, 4, 9 e 10, F₀ é a intensidade de fluorescência após adição dos complexos e [BSA]₀ é a concentração inicial de BSA $(1,0 \times 10^{-6} \text{ M})$. Os valores de 1669 concentração de BSA fotodanificada pelos complexos 3, 4, 9 e 10 foram $2,24 \times 10^{-7}$, 1670 $4,09 \times 10^{-7}$, $5,23 \times 10^{-8}$ e $3,79 \times 10^{-7}$ M, respectivamente. Pode-se observar na Figura 1671 1672 4.80 que o efeito fotodanificador do complexo 4 é o mais pronunciado causando uma 1673 quebra de 41 % da albumina.



Figura 4.78 Efeito da irradiação na fluorescência da BSA e dos complexos **3** e **4**. A solução de amostra contendo $1,0 \times 10^{-6}$ M dos complexos **3** e **4** e $1,0 \times 10^{-6}$ M BSA em tampão Tris (pH 7,2) foi irradiada durante 30 min, $\lambda_{\text{excitação}} = 365$ nm.



Figura 4.79 Efeito da irradiação na fluorescência da BSA e dos complexos 9 e 10. A solução de amostra contendo $1,0 \times 10^{-6}$ M de complexos 9 e 10 e $1,0 \times 10^{-6}$ M BSA em tampão Tris (pH 7,2) foi irradiada durante 30 min, $\lambda_{\text{excitação}} = 365$ nm.





¹⁶⁷⁶ **Figura 4.80** Fotodegradação da BSA pelos complexos de rutênio(II). [complexo] = 1677 [BSA] = 1.0×10^{-6} M (pH 7,2). Tempo de irradiação = 30 min, λ_{excitação} = 365 nm.

4.1.13 Estudo de interação dos complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10 com domínio Abl-SH3: análise por espectroscopia de fluorescência

1680

Uma vez que a ação biológica de um fármaco envolve a interação do mesmo a uma macromolécula (receptor biológico), tipicamente uma proteína de alguma via bioquímica associada a uma condição da doença ou disfunção em humanos, é necessário ampliar o estudo da afinidade de um candidato a fármaco com proteínas. Na leucemia mielóide crónica (LMC), uma alteração genética conduz à fusão dos genes BCR e abl, que em conjunto codificam para uma forma desregulada de Abl tirosina quinase, que é responsável pelo desenvolvimento de LMC. A atividade da quinase Abl é regulada negativamente pelos domínios de homologia Src 2 e 3, SH2 e SH3,
bloqueando a proteína em um estado inativo [136]. Conforme relata Buschbeck e
colaboradores a proteína Abl opera como um regulador negativo do crescimento celular
e se associa a genes supressores tumorais [136].

1692 Como já mencionado no capítulo 2, complexos metálicos de Ru(II) foram 1693 sintetizados com propósito de serem ativos contra células de leucemia mielóide crônica, 1694 linhagem K562. Nesse sentido, a interação dos complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10 com a 1695 proteína Abl-SH3 foi investigada por espectroscopia de fluorescência. As mudanças 1696 espectrais nas titulações de Abl-SH3 com estes compostos são apresentadas na Figura 1697 4.81. A adição dos complexos provoca uma diminuição na intensidade da emissão de 1698 fluorescência centrada em 350 nm, quando excitada em 280 nm, indicando que os 1699 complexos interagem com a proteína Abl-SH3. Cabe destacar que, para os complexos 1, 1700 2, 3, 4, 9 e 10, não foram registradas bandas na região onde a Abl-SH3 exibe forte sinal 1701 fluorescente.

1702Para determinar a constante de associação entre complexos e proteína Abl-SH31703usou-se a equação $\log\{(F_0 - F)/F\} = \log K_b + n \log[Q]$. A constante de associação dos1704complexos 1, 2, 3, 4, 9 e 10, são 1,50 × 10⁵, 2,50 × 10⁵, 9,78 × 10³, 7,99 × 10⁶, 4,16 ×1705 10^4 e 4,02 × 10⁵ L mol⁻¹, respectivamente.

1706 Cabe destacar que este estudo foi realizado pela primeira vez, deste modo não é
1707 possível correlacionar as constantes de associação dos complexos de Ru(II) a dados da
1708 literatura.



Figura 4.81 Interações dos complexos **1**, **2**, **3**, **4**, **9** e **10** com a proteína Abl-SH3. Espectros de emissão de fluorescência da Abl-SH3 (1,0 x 10^{-6} mol L⁻¹: λ excitação = 280 nm) na presença de concentrações crescentes dos complexos. Relação molar complexo- Abl-SH3 variando de (a= 0, b=2,00, c=3,96, d=5,92, e=7,87, f=9,80, g=11,7, h=13,61, i= 15,5, j=17,37, l=19,2). Reta inserida: plotagem de log{(F₀-F)/F} versus log[complexo].

1711 4.1.14 Estudo da interação do domínio Abl-SH3 via RMN de ¹H

A estrutura da proteína c-Abl é constituída pelos domínios regulatórios SH3 e SH2, o domínio catalítico com atividade tirosina kinase (SH1), o domínio de ligação ao ADN, as sequências ricas em prolina (PxxP) e o domínio de ligação a F-actina [137].

Foram realizados ensaios de interação do complexo **2** com o domínio Abl-SH3 (Figura 4.83). A interação foi mapeada utilizando-se a perturbação de desvio químico (CSP) observada no espectro de correlação heteronuclear ¹H-¹⁵N de Abl-SH3 marcado com ¹⁵N. Quatro resíduos apresentaram CSP maior que a média mais o desvio padrão de todos os CSP's: T79, G97, W99 e Y115. Esses resíduos estão destacados em magenta na Figura 4.82.

1721 O domínio SFK-SH3 é um alvo em potencial para o desenvolvimento de 1722 inibidores seletivos. Entretanto, os inibidores seletivos de desenvolvimento de SH3 são 1723 dificultados pela conservação de sequências primárias elevadas entre domínios SH3 de 1724 diferentes SFK. Deste modo, muitos esforços centralizados na descoberta de novos 1725 fármacos altamente específicos interagindo com o domínio SH3 estão sendo feitos. 1726 Recentemente, Vohidov, F e colaboradores mostraram que conjugados de ródio(II), 1727 aumentam consideravelmente a inibição do domínio SH3 da família Lyn, Lkc e Abl Src 1728 via peptídeos específicos formulados a partir de diferentes parceiros protéicos [138]. 1729 Estes autores demonstraram ainda que a adição do centro conjugado de ródio(II) dobrou 1730 a afinidade dos peptídeos para SH3. Especificamente, para Abl-SH3 o metalopeptídeo 1731 produzido a partir de peptídeo P40 com a adição de um centro de ródio(II) diminui a 1732 constante de dissociação, Kd, de 0,40 µm para 22 nm [139].

1733 Nossos resultados representam o primeiro estudo focando a interação de Abl1734 SH3 com um complexo de rutênio(II), que pode ser combinado com outros compostos,
1735 como peptídeos e peptóides para formular inibidores de Abl-SH3 mais eficientes.





Figura 4.82 (A) Coeficiente de perturbação do deslocamento químico (CSP, sigla em inglês) em função da sequência primária ABL-SH3. Os valores de CSP foram calculados a partir da diferença dos valores de desvio químico ¹H e ¹⁵N nos espectros HSQC ¹H-¹⁵N de ABL-SH3 marcado com ¹⁵N em solução com o Complexo 2. A linha de corte, cor magenta, é a soma do valor médio e o desvio padrão, ambos calculados utilizando todos os valores de CSP. (B) Os resíduos com CSP superior ao valor de corte foram coloridos em magenta na estrutura cristalina de ABL-SH3 (PDB ID: 4JJC). As cadeias laterais desses resíduos também são destacadas.

1759 **CAPÍTULO 5**

1762

1760 RESULTADOS E DISCUSSÃO: COMPLEXO DE RUTÊNIO(II) COM A 1761 SHYD E BYP

1763 Neste capítulo, será descrita a síntese, caracterização e atividade antitumoral 1764 (CI₅₀) de um complexo inédito de Ru(II). As seguintes técnicas foram usadas na 1765 caracterização deste complexo: análise elementar, temperatura de decomposição, 1766 medida de condutividade, espectroscopia de absorção na região do infravermelho, 1767 espectroscopia eletrônica no ultravioleta visível (UV-Vis), espectroscopia de 1768 fluorescência, espectroscopia de massa e espectroscopia de ressonância magnética 1769 nuclear de ¹H.

1770 **5.1 Complexo com a hidrazida do ácido tiofenocarboxílico**

1771 **Complexo 11-** [Ru(bpy)₂(shyd)](PF₆)₂, [Ru(C₁₀H₈N₂)₂(C₅H₆N₂OS)](PF₆)₂

1772 5.1.1 Análise elementar, condutimetria e temperatura de decomposição

1773 Os dados referentes aos teores de carbono, hidrogênio e nitrogênio, a 1774 condutividade [$\Lambda_M(\mu S/cm)$] e temperatura de decomposição do complexo **11** estão 1775 listados na Tabela 5.1.

1776A condutividade do complexo **11** em solução $1,0 \times 10^{-3}$ mol L⁻¹ em nitrometano1777foi de 177,06 ohm⁻¹ cm ² mol⁻¹. Este valor está de acordo com a faixa de referência para1778eletrólitos 2:1 (150-180 ohm⁻¹ cm² mol⁻¹) [96]. O resultado da análise elementar desse1779complexo está em correspondência com a fórmula molecular proposta. Esses dados são1780coerentes com a substituição de dois ligantes cloretos do complexo precursor ([RuCl₂1781(bpy)₂]·2H₂O pelo ligante shyd, de acordo com a equação genérica representada na1782Figura 5.1.

1783 Tabela 5.1 Dados das análises elementares, medidas de condutividade e temperatura de 1784 decomposição do complexo 11.

Complexos	%C	%H	%N	$\Lambda_{\rm M}$ ohm ⁻¹ cm ⁻² mol ⁻¹	Decomposição
$[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_5H_6N_2OS)](PF_6)_2$ (11)					
MM=845,05 g mol ⁻¹					
experimental	35,53	2,62	9,60	177,06	235-237
calculado	35,50	2,61	9,93		



1785 Figura 5.1 Esquema representativo da equação genérica para obter complexo 11

5.2 Espectroscopia de absorção na região do infravermelho

1787 A espectroscopia vibracional também foi empregada para auxiliar na atribuição dos sítios de coordenação dos ligantes shyd e bpy ao íon metálico rutênio(II). 1788

1789 As atribuições do ligante shyd foram feitas com base em trabalhos anteriores [83, 86-87]. O espectro de absorção da shyd (Figura 5.2) apresenta absorção 1790 característica na região 3478 e 3416 cm⁻¹ atribuída aos estiramentos assimétrico e 1791 simétrico v(NH₂). As bandas 3110 a 3028 cm⁻¹ correspondem ao estiramento vC-H. 1792 1793 Ainda neste espectro é observada absorção atribuída a vNN na região 942 cm⁻¹. A banda em 1622 cm⁻¹ é atribuída a vibrações de estiramento vC=O do grupo carbonila. A banda 1794 1795 atribuída ao estiramento vC=O da carbonila é de fundamental importância, uma vez que 1796 uma alteração em relação ao deslocamento para menor comprimento de onda no 1797 complexo é indicativo de coordenação do oxigênio carbonílico ao íon metálico.



1798 **Figura 5.2** Espectro de absorção na região do infravermelho da shyd.

1800 Na Figura 5.3, está representado o espectro de absorção na região do 1801 infravermelho do complexo **11**. A banda característica do vC=O da carbonila deslocou-1802 se de 1622 cm⁻¹ no ligante livre para 1644 cm⁻¹ no complexo **11**. Observou-se também 1803 um deslocamento das bandas características dos estiramentos assimétrico e simétrico 1804 v(NH₂). No ligante livre as bandas v_{as}NH₂ e v_sNH₂ estão em 3478 a 3416 cm⁻¹, enquanto 1805 que no complexo **11** tais bandas estão em 3438 e 3406 cm⁻¹. Estes resultados indicaram 1806 o envolvimento do oxigênio da carbonila e do nitrogênio amínico na coordenação ao íon
1807 metálico.

1808No entanto, o íon metálico também está coordenado a dois ligantes bpy. Os1809modos vibracionais 1578 a 1414 característicos dos estiramentos vC=C e C=N do1810ligante bpy são representados no complexo **11** através das quatro bandas intensas entre18111644 a 1446 cm⁻¹.

1812 Conforme mencionando no capítulo 4, o íon PF₆⁻ livre tem simetria O_h e as 1813 vibrações v₃ e v₄ (F_{1u}) são ativas no infravermelho [110]. O modo de estiramento v₃ 1814 (F_{1u}) aparece como uma banda forte em 842 cm⁻¹ e o modo v₄ (F_{1u}) é observado 558 cm⁻¹ 1815 ¹ indicando a presença de um íon PF₆⁻ no complexo **11**.

- 1816 Desta maneira, propõe-se que o Ru(II) se liga a uma molécula de shyd, que atua
- 1817 como ligante bidentado, através de dois átomos de nitrogênio e a duas moléculas de bpy
- 1818 através dos nitrogênios azometinos.





1819 Figura 5.3 Espectro de absorção na região do infravermelho para o complexo 11.

1820 5.3 Espectroscopia eletrônica no ultravioleta visível (UV-Vis)

1821 O espectro de absorção na região UV-vis do complexo 11 com seus respectivos 1822 ligantes estão representados na Figura 5.4.

1823 O ligante shyd apresenta uma banda em 246 nm com um ombro em aproximadamente 267 devida às transições π - π * do anel tiofeno. Sobre o espectro 1824

1825 eletrônico do ligante bpy pode-se observar uma banda em 280 nm característica de 1826 transições π - π * [122].

1827 O complexo 11 apresenta três importantes bandas em 243 nm, 291nm e 491 nm. 1828 As duas primeiras são referentes às transições π - π * dos ligantes shyd e bpy e a banda 1829 em 351 é devido às transições n- π^* da shyd. A absorção em 492 nm pode ser atribuída a 1830 uma transição de transferência de carga do metal para o ligante (TCML, $d-\pi^*$). O valor 1831 de $\lambda_{máx}$ do complexo 11, em 492 nm, indica que a substituição dos cloretos por shyd resulta no deslocamento da banda TCML, uma vez que o precursor (cis-1832 1833 [RuCl₂(bpy)₂]·2H₂O apresenta banda centrada em 556 nm. O valor obtido para a banda 1834 de absorção, atribuída a TCML no complexo 11, está concordante com os valores 1835 obtidos para os complexos de 1 a 10 e para outros [113, 114, 115, 116] complexos de 1836 rutênio.

1837 Α estabilidade do complexo em solução aquosa foi estudada por 1838 espectrofotometria na região UV-Vis. Espectros eletrônicos do complexo 11 (Figura 1839 5.4) ao longo dos tempos de 1, 5 e 24 horas, mostram que não foram observadas 1840 mudanças significativas. Isto reflete a estabilidade do complexo 11 em solução aquosa.



1841 **Figura 5.4** A esquerda, espectro eletrônico de soluções 3.0×10^{-5} mol L⁻¹ dos ligantes 1842 bpy e shyd e complexo 11 em tampão Hepes pH 7,2, e a direita, espectro eletrônico de soluções $3,0 \times 10^{-5}$ mol L⁻¹ do complexo **11** em tampão Hepes pH 7,2 com variação de 1843 tempo em 1, 5 e 24 horas. 1844

1845 5.4 Espectroscopia de fluorescência

1846

No espectro de emissão de fluorescência do complexo 11 foram registradas duas 1847 bandas em 550 e 712 nm, quando excitado no comprimento de onda referente à TCML 1848 em temperatura ambiente (Figura 5.5).

1849 A intensidade da banda de emissão de fluorescência do complexo 11 é similar 1850 àquela observada no complexo 1.



Figura 5.5 Espectro de fluorescência do complexo 11 (5,0× 10⁻⁴ mol L⁻¹, λexcitação =
492 nm) em tampão hepes pH 7,2 a temperatura ambiente.

1854 A interação do complexo 11 com albumina sérica bovina (BSA) foi investigada
1855 por espectroscopia de fluorescência.

As mudanças espectrais na titulação da BSA, em pH 7,4, com o complexo 11 estão ilustradas na Figura 5.6. Similarmente aos complexos 1 a 10, foi possível identificar a supressão do sinal fluorescente dos triptofanos, indicando que o complexo 11 interage com a proteína. Além disso, o complexo não apresenta banda de emissão em 340 nm, quando excitado em 280 nm.

1861 Empregando-se a equação de *Stern-Volmer* ($F\!F_0=1+K_{sv}$ [Q]) foi possível obter a 1862 reta apresentada na Figura 5.6 (à esquerda), sendo que o coeficiente angular desta reta 1863 representa a constante de associação composto-BSA (K_{sv}) [128]. Para o sistema BSA-1864 complexo **11** o valor de K_{sv} é 1,31 x 10⁵ L mol⁻¹.

1865 A afinidade deste composto com a BSA foi estimada pelos valores da constante 1866 de associação e pelo número de sítios ocupados pelo composto na estrutura proteica. 1867 Esses parâmetros podem ser obtidos pela equação $\log\{(F_0 - F)/F\} = \log K_b + n \log[Q]$ 1868 [128]. A partir dessa equação, construiu-se o gráfico de $log{(F_0-F)/F}$ em função do 1869 logaritmo da concentração do complexo, conforme representados nas Figuras 5.6 (à 1870 direita). Os resultados da supressão da fluorescência permitiram estimar a constante de 1871 ligação (K_b) deste complexo, cuja a ordem de grandeza é $1,01 \times 10^5 \text{ L mol}^{-1}$. O número 1872 de sítio ligante é aproximadamente 1, evidenciando, assim, que apenas uma molécula do 1873 complexo 11 está inserida nos arcabouços proteicos.

1874 Como o valor de k_q calculado $(1,31 \times 10^{13} \text{ L mol}^{-1} \text{ s}^{-1})$ é muito maior que 2,0 × 1875 $10^{10} \text{ L mol}^{-1} \text{ s}^{-1}$ [129], a extinção da fluorescência de BSA pelo complexo **11** ocorre 1876 através de um mecanismo de extinção estática [128].

1877 O valor da constante de interação BSA-complexo, obtido para o complexo 11, é
1878 comparável com os valores descritos para os complexos de 1 a 10, e para outros
1879 complexos de rutênio com ligantes mistos descritos na literatura [19, 27, 128, 130, 131,
1880 132, 133, 134].

1881



Figura 5.6 Interação do complexo **11** com albumina sérica bovina. Espectros de emissão de fluorescência da BSA (1,0 x 10^{-6} mol L⁻¹: λ excitação = 280 nm) na presença de concentrações crescentes do complexo. Relação molar complexo-BSA variando de (a= 0, b=1,66, c=1,65, d=4,95, e=6,57, f=8,19, g=9,8, h=11,4, i= 12,9, j=14, 5, l=16,1). Reta inserida: plotagem de [(F₀-F)-1] *vs* [complexo]. Gráficos de log{(F₀-F)/F} versus log[Q] (à direita).

1888 **5.5 Ressonância magnética nuclear de hidrogênio RMN de ¹H**

Foram registrados espectros de RMN de ¹H do complexo 11 em dmso-d₆ a fim
de auxiliar na proposição do sítio de coordenação dos ligantes bpy e shyd ao rutênio(II).
O espectro de RMN de ¹H da shyd também foi obtido em dmso-d₆.

1892 As atribuições dos sinais de RMN de ¹H da shyd foram feitas com base no 1893 trabalho de Viswanathan e colaboradores [87]. Os sinais correspondentes aos 1894 hidrogênios H8, H7, H3 e H5 e H1 estão em δ 4,46 (NH₂), 9,75 (NH), 7,71 (H3 e H5) e 1895 7,12 (H1) (Figura 5.7).





Figura 5.7 Espectro de RMN de ¹H do ligante shyd, ($C_5H_6N_2OS$), em dmso-d₆ a 298K, 400 MHz.

As características dos espectros de RMN de ¹H do complexo **11** são consistentes com a proposta de coordenação do centro metálico Ru(II) ao ligantes shyd e bpy. Embora a atribuição de todos os sinais dos espectros de RMN de ¹H do complexo **11** seja muito difícil devido a sobreposição de sinais na região de prótons pertencentes a sistemas aromáticos, foi possível a partir desses espectros obter algumas informações importantes a respeito dos sítios de coordenação.

No espectro de RMN de ¹H do complexo **11** foi possível identificar os 22 1906 1907 prótons para a estrutura proposta [Ru(C10H8N2)2(C5H6N2OS)](PF6)2, os 16 prótons dos 1908 dois ligantes bpy, os 3 prótons do anel de tiofeno, 1 próton do grupo NH e os 2 prótons do grupo NH₂ da hidrazida (Figura 5.8 e Tabela 5.2). É possível observar que o sinal em 1909 1910 δ 4,46 dos prótons do grupo NH₂ na hidrazida livre sofreu um importante deslocamento 1911 no complexo 11. Outro indicativo que reforça a coordenação do íon metálico a hidrazida 1912 é a presença do sinal em δ 12,35 referente ao próton do grupo NH da shyd. Este sinal 1913 sofreu considerável deslocamento em relação ao ligante livre shyd. Ainda neste espectro 1914 ocorre a presença de um sinal intenso de moléculas de água absorvidas pelo dmso-d₆ em 1915 δ 3,36.

1916 **Tabela 5.2** Atribuições dos sinais de RMN de ¹H do complexo **11** em dmso-d6 a 298K,

1917 400 MHz.

Atribuição	δ /ppm (complexo 11)
integral	
H32 (NH)	12,35 (1)
H26	9,75 (1)
H5 e H2	8,82 (2)
H24 e H17	8,70 (2)
H11 e H7	8,65 (2)
H25 e H19	8,25 (2)
H6, H18, H23 e	7,92 (4)
H13	
H4 e H9	7,85 (2)
H21 e H16	7,53 (2)
H28 e H30	7,56 (2)
H33 (NH ₂)	7.12 (2)

1918



1919

1920Figura 5.8 Espectro de RMN de 1 H do complexo [Ru(bpy)₂shyd](PF₆)₂, em dmso-d₆ a1921298K, 400 MHz.

1922 **5.6 Espectrometria de massas**

1923Nas Figuras de 5.9 a 5.11 estão apresentados os espectros de massas no modo1924positivo e as distribuições isotópicas experimentais e simuladas para o complexo 11.

1925Na Figura 5.9 está representado o espectro de massas ESI-MS no modo positivo1926correspondente a espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_5H_5N_2OS)]^{+1}$, complexo 11. Pela expansão do1927espectro de ESI-MS do complexo $[Ru(bpy)_{2}(shyd)]^{+1}$ foi possível identificar um pico1928principal em m/z 555,0177 atribuído a espécie $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_5H_5N_2OS)]^{+1}$, cujo valor1929calculado corresponde a 555,0541. A distribuição isotópica experimental (Figura 5.10)1930está em boa concordância com a distribuição isotópica calculada (Figura 5.10).

1931 Além do pico base foi observado o pico iônico (Figura 5.11) com m/z = 1932 278,0147 correspondente ao complexo $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_5H_6N_2OS)]^{+2}$ (MM=555,63). Os 1933 valores de abundância relativa indicam que o complexo **11** está disponível em maior 1934 quantidade em solução de acetonitrila:acetona (1:1) na forma monovalente. Na Figura 1935 5.11 está representada a distribuição isotópica calculada para o pico iônico. Um 1936 comparativo entre as distribuições isotópicas, experimental e calculada (Figura 5.11), 1937 mostra correspondência entre os valores experimental e calculado.




1950Figura 5.10 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie1951 $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_5H_5N_2OS)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).



1953Figura 5.11Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie1954 $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_5H_5N_2OS)]^{+2}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).

1957 5.7 Atividade citotóxica em células tumorais (Determinação da CI₅₀)

1958 O efeito do complexo **11** no crescimento de células tumorais foi estudado. O 1959 composto inibiu o crescimento das células de leucemia mielóide crônica com um valor 1960 de $CI_{50}=12,94 \mu mol L^{-1}$, enquanto que os ligantes bpy e shyd apresentaram 1961 respectivamente valor de $CI_{50}=29,9 \mu mol L^{-1}$ e $CI_{50} > 200 \mu mol L^{-1}$. Deste modo, o 1962 complexo **11** é mais ativo que os ligantes livres, porém menos ativo que os complexos 1963 de rutênio coordenados às sulfas (**1**, **2**, **3**, **4**, **5**, **6**, **8**, **9** e **10**) apresentadas no capítulo 4.

1977 CONCLUSÃO

1978 Ru(II) forma complexos do tipo $[Ru(\alpha-\alpha \text{ diiminas})_2L](PF_6)$ com os seguintes 1979 antibióticos L: hidrazida do ácido 2-tiofenocarboxílico, sulfametoxipiridazina, 1980 sulfametoxazol, sulfametizol, sulfassalazina e sulfapiridina. Em todos os complexos, a 1981 relação metal : quimioterápico antimicrobiano é de 1:1. Os complexos que apresentam 1982 sulfas em sua estrutura são eletrólitos 1:1, enquanto que aquele coordenado à shyd é 1983 eletrólito 2:1. A esfera de coordenação em torno do íon metálico é octaédrica distorcida 1984 em todos os complexos. A caracterização estrutural, via difração de raios X de 1985 monocristal, dos complexos $[Ru(bpy)_2smp](PF_6)$ e $[Ru(phen)_2smp](PF_6)$ possibilitou a 1986 previsão dos sítios de ligação e geometria de coordenação nos complexos de 3 a 8. 1987 Essas proposições foram feitas baseadas também no estudo de espectroscopia vibracional na região do infravermelho e RMN de ¹H. Estudos por espectrometria de 1988 1989 massas mostraram que os complexos estão presentes em solução. Assim foi possível 1990 estabelecer que nos complexos de 1 a 8 o Ru(II) está coordenado às sulfas através do 1991 nitrogênio sulfonamídico desprotonado e do nitrogênio do anel heterocíclico. Nos 1992 complexos de spd, smz, smx e smp, o Ru(II) está coordenado às sulfas através do 1993 nitrogênio sulfonamídico desprotonado e do nitrogênio do anel heterocíclico; nos 1994 complexos de ssz o rutênio está coordenado aos oxigênios do carboxilato bidentado; e 1995 no complexo da shyd, ao oxigênio da amida e ao nitrogênio da amina. Além disso, em 1996 todos complexos, o íon Ru(II) coordena-se a duas moléculas de α, α -diiminas pelos 1997 nitrogênios azometinos.

1998 Titulações espectrofotométricas entre ADN e complexos **3** e **4**, usando 1999 espectroscopia eletrônica no ultravioleta visível e espectroscopia de dicroísmo circular, 2000 evidenciaram a ligação do complexo ao ADN por interação eletrostática ou via 2001 intercalação.

2002Todos complexos ligam-se à albumina de soro bovino com uma afinidade de2003ligação moderada.

Todos os onze complexos inibem o crescimento de células de leucemia mielóide crônica, linhagem K562, de modo dependente da concentração. A coordenação do rutênio (II) aos antibióticos aumentou a atividade citotóxica pois os complexos são mais ativos que as sulfonamidas e hidrazida livres. Os complexos que foram sintetizados a partir do precursor *cis*-[RuCl₂(phen)₂] revelaram-se mais ativos do que os sintetizados a partir do precursor *cis*-[RuCl₂(byp)₂] o que mostra que a substituição da bpy pela phen 2010 leva a um aumento na atividade citotóxica. Dentre estes complexos, o 1 e 2 foram os
2011 mais ativos. A exposição à luz UV-A causa um aumento na atividade citotóxica, sendo
2012 este aumento muito significativo para o complexo 2, de cerca cem vezes. Os complexos
2013 1 e 2 foram incapazes de clivar o ADN em condições escuras, mas sob luz ultravioleta
2014 atingiu-se até 70% de clivagem. Além disto, os complexos 3, 4, 9 e 10 fotodegradam a
2015 albumina sérica bovina. Isso indica que esses complexos são potenciais candidatos a
2016 serem usados na terapia fotodinâmica.

2017 Por último, os complexos **1**, **2**, **3**, **4**, **9 e 10** interagem com o domínio SH3 da 2018 proteína tirosina cinase de Abl. O desenvolvimento de inibidores desta tirosino cinase é 2019 muito importante para o tratamento da leucemia mielóide crônica. Nossos resultados 2020 permitem propor um novo alvo para complexos de Ru(II).

2022 **REFERÊNCIAS BIBLIOGRÁFICAS**

- ¹ ABBAS, A. K; KUMAR, V and MITCHELL, R. N; Fundamentos de Patologia 8^a
 Ed. 2012, ELSEVIER.
- ² hhtp://www.inca.gov.br/conteudo_view.asp?id=101 acesso em **01/07/2016**
- ³ KATZUNG, B. C; Farmacologia Básica e Clínica, Guanabara Koogan: Rio de Janeiro, **1994**.
- ⁴ PUCKETT, C. A; ERNST, R. J; BARTON, J. K; Dalton Trans., **2010**, 39(5), 1159-1170.
- ⁵ JAKUPEC, M. A; GALANSKI. M; ARION. V, B; HARTINGER. C, G and KEPPLER. B, K; Dalton Trans., **2008**, 14(2),183-94.
- ⁶ CLARKE. M, J; Coordination Chemistry Reviews, **2002**, 232(1):69
- ⁷ BERGAMO. A and SAVA. G; Chem. Soc. Rev., **2015**, 44, 8818-8835.
- ⁸ HARTINGER. C, G; ZORBAS-SEIFRIED. S; JAKUPEC. M, A; KYNAST. B.;
 ZORBAS. H and KEPPLER. B, K; J Inorg Biochem., **2006**, 100(5-6), 891-904.
- ⁹ BURRIS, H. A; BAKEWELL, S; BENDELL, J. C; INFANTE, J. JONES, S. F;
 SPIGEL, D. R; WEISS, G. J. RAMANATHAN, R. K; OGDEN, A and VON HOFF, D.
 ESMO Open 2016.
- ¹⁰ LEIJEN, S; BURGERS; S. A; BAAS, P; PLUIM, D; TIBBEN, M; VAN,
 WERKHOVEN, E; ALESSIO, E; SAVA, G; BEIJNEN J. H and SCHELLENS J. H.
 Invest New Drugs. 2015, 33(1):201-14.
- ¹¹ FARIAS. R, F; Química de coordenação fundamentos e atualidades. Editora Átomo.
 2044 2005, 313.
- 2045 ¹² JAMIESON. E, R and LIPPARD. S, J; Chem Rev., **1999**, 8;99(9), 2467-98.
- ¹³ BERGAMO. A and SAVA. G; Dalton Trans., **2011**, 40, 7817–7823.
- ¹⁴ MOTSWAINYANA, W. M and AJIBADE, P. A. Advances in Chemistry, 2015
 (2015), Article ID 859730, 21 pages
- ¹⁵ KRATZ, F; HARTMANN, M; KEPPLER, B and MESSORI, L; J. Biol. Chem.,
 1994, 269, 2581–2588.
- ¹⁶ REISNER, E; ARION, V. B; KEPPER, B. K and POMPEIRO, A. J. L; Inorganica
 Chimica Acta., **2008**, 361 (6): 1569.
- ¹⁷ JUNGWIRTH, U; KOWOL, C. R; KEPPLER, B. K; HARTINGER, C. G; BERGER,
 W and HEFFETER, P. Antioxid Redox Signal., 2011, 15, 1085-1127.
- ¹⁸ CLARKE, M. J; Coordination Chemistry Rewiews, **2003**, 209-233.
- ¹⁹ ZEGLIS, B. M; PIERRE, V. C and BARTOM, J. K; Chemistry Communications,
 2057 2007, 4565-4579.

- ²⁰ BERGAMO, A and SAVA, G; Dalton Trans., **2007**, 7(13):1267-72.
- 2059 ²¹ GOPAL, Y. N. V; KONURU E KONDAPI, A. K; Archives of Biochemistry and Biophysics, **2002**, 401:53.
- ²² SI-HONG LIU; HUI-HUA XU; JIAN-WEI ZHU; YAN WANGA; YA-MIN LIU;
 JUN-BO LIANG; GUI-QIANG ZHANG; DI-HUA CAO; YANG-YANG LIN; QIFENG GUO; YONG WU; Polyhedron, **2016**, 105, 12–17.
- 2064 ²³ LORD, R. M; ALLISON, S. J; RAFFERTY, K; GHANDHI, L; PASKA, C. M; and 2065 MCGOWAN, P. C; Dalton Trans., **2016**, 45, 13196–13203.
- 2066 ²⁴ HUANG, H; ZHANG, P; CHEN, Y; QIU, K; JIN, C; JI, L and CHAO, H; Dalton 2067 Trans., **2016**, 45, 13135–13145.
- ²⁵. JIN-CAN CHEN; GUO-DONG LI; FA PENG; XIN-MING JIE; GUANG-ZHI
 DONGYE; YU ZHONG; RUI-BING FENG; BAO-JUN LI; JIAO-YUE QU; YAN
 DING and LAN-MEI CHEN; Inorganic Chemistry Communications, **2016**, 69, 35–39.
- ²⁶ JUN DU; YAN KANG; YAO ZHAO; WEI ZHENG; YANG ZHANG; YU LIN;
 2072 ZHAOYING WANG; YUANYUAN WANG; QUN LUO; KUI WU and FUYI
 2073 WANG; Inorg. Chem., **2016**, 55, 4595–4605.
- 2074 ²⁷ CORREA, R. S; DE OLIVEIRA, K. M; DELOLO, F. G; ALVAREZ, A; MOCELO,
- 2075 R; PLUTIN, A. M; COMINETTI, M, R; CASTELLANO, E, E; BATISTA, A, A; 2076 Journal of Inorganic Biochemistry, **2015**, 150, 63-71.
- 2077 ²⁸ LEE, W. Y; Mikrochim. Acta, **1997**, 127, 19-39.
- ²⁹ CHEN, T; LIU, Y; ZHENG, W; LIU, J and WONG, Y, Inorganic Chemistry, **2010**,
 49(14), 6366-6368.
- ³⁰ WANG, J; ZHANG, P; J and CHAO, H; Journal of Inorganic Biochemistry, 2015,
 146, 89-96.
- ³¹ SRISHAILAM, A; GABRA, N. M; KUMAR, Y. P; REDDY, K. L; DEVI, C. S;
 ANIL K. D; SINGH, S. S and SATYANARAYANA, S; Journal of Photochemistry and
 Photobiology, B: Biology, 2014, 141, 47-58.
- ³² JIANG, G; XIE, Y; LIN, G; HUANG, H; LIANG, Z and LIU, Y, Journal of Photochemistry and Photobiology, B: Biology, **2013**, 129, 48-56.
- ³³ YADAV, A; JANARATNE, T; KRISHNAN, A; SINGHAL, S. S; YADAV, S;
 DAYOUB, A. S; HAWKINS, D. L; AWASTHI, S and MACDONNELL, F. M;
 Molecular Cancer Therapeutics, 2013, 12(5), 643-653.
- ³⁴ CHEN, T; MEI, W; WONG, Y; LIU, J; LIU, Y; XIE, H and ZHENG, W.
 MedChemComm., **2010**, 1(1), 73-75.
- 2092 ³⁵ NOVÁKOVÁ, O; KAŠPÁRKOVÁ, J; VRÁNA, O; VAN VLIET, P.M; REEDIJK,
- 2093 J; and BRABEC, V, Biochemistry, **1995**, 12369-12378.
- ³⁶ ERKKILA, K. E; ODOM, D. T and BARTON, J. K; Chem. Rev., **1999**, 99, 2777–2095 2796.

- ³⁷ BARTON, J. K; OLMON, E. D and SONTZ, P. A; Coord. Chem. Rev., 2011, 255, 619–634.
- ³⁸ FRIEDMAN, A. E; CHAMBRON, J. C; SAUVAGE, J. P; TURRO, N. J and BARTON, J. K; Journal Am. Chem. Soc., **1990**, 112, 4960–4962.
- ³⁹ JENKINS, Y; FRIEDMAN, A. E; TURRO, N. J and BARTON, J. K. Biochemistry,
 1992, 31, 10809–10816.
- ⁴⁰ ZHOU, L; GAN, H and YANG, X. Journal of Pharmaceutical and Biomedical
 Analysis, 2007, 330-334.
- ⁴¹ NEIDLE, S. J. Med. Chem., **2016**, 59(13), 5987–6011.
- ⁴² LU, X; SHI, S; YAO, J; GAO, X; HUANG, H and YAO, T; Journal of Inorganic
 Biochemistry, **2014**, 140 64–71.
- ⁴³ SALMONM, S. E; Em Farmacología Básica & Clínica, KATZUNG, B.G., ed.;
 Guanabara Koogan S.A.: Rio de Janeiro, **1998**, p. 629-655
- ⁴⁴ DI MARCO, A. Drugs under Experimental and Clinical Research, **1983**, 9(11), 75165.
- ⁴⁵ STRAUSS, D. G; Folia Microbiologica Prague, **1978**, 23(2),152-61.
- ⁴⁶ LAMB, R; OZSVARI, B; HOWELL, A; SOTGIA, F; LISANTI, M. P; LAMB, R;
 OZSVARI, B; HOWELL, A; SOTGIA, F and LISANTI, M. P; Oncotarget,
 2114 2015,6(7),4569-84.
- ⁴⁷ GUERRA, WENDELL; SILVA-CALDEIRA, PRISCILA P.; TERENZI, HERNAN;
 PEREIRA-MAIA, ELENE C. Coordination Chemistry Reviews, 2016, 327-328, 188199
- 2118 ⁴⁸ YU, M; LI, R and ZHANG, J; Biochemical and Biophysical Research 2119 Communications, **2016**,471(4),639-645.
- ⁴⁹ CHAMBERS, H. F and SANDE, M. A; Antimicrobial AgentsThe Farmacological
 Basis of Therapeutics in: Goodman and Gilmar, 6^a ed., McGraw-Hill,, Mexico, **1996**.
- ⁵⁰ DOMAGK, G. J; Ein Beitrag zur Chemotherapie der bakteriellen infektionen. Dtsch.
 med. Wochenschr, **1935**, 61: 250-253.
- ⁵¹ PELCZAR, M. J; CHAN, E. C. S and KRIEG, N. R; Microbiologia: Conceitos e
 Aplicações, 2^{a ed}.- São Paulo:Makron Book, **1996**.
- ⁵² OZAWA, Y; SUGI, NH; NAGASU, T; OWA, T; WATANABE, T; KOYANAGI,
 N; YOSHINO, H; KITOH, K and YOSHIMATSU, K. Eur J Cancer., 2001,
 37(17):2275-82.
- ⁵³ SCOZZAFAVA, A; OWA, T; MASTROLORENZO, A and SUPURAN, C. T;
 Current Medicinal Chemistry, 2003, 29, 925-953.
- 2131 ⁵⁴ RIZZOTTO, M. A; Search for Antibacterial Agents, 2010, 73-88

- 2132 ⁵⁵ HARDMAN, J. G; LIMBIRD, L. E; GILMAN, A. G; GOODMAN and GILMAN'S
- 2133 The Pharmacological Basis of Therapeutics. 10^a ed. New York: McGraw-Hill, 2001
- ⁵⁶ E. R. BARNHART; Phsician's Desk Reference, PDR, 43rd ed., Medical Economics,
 New York, **1989**.
- 2136 ⁵⁷ BULT. A; Pharmaceutisch Weekblad, **1981**, 3, 213-223.
- ⁵⁸ GARG, S; PATEL, V. S and GUPTA, S. Journal of the Indian Chemical Society,
 1983, 60(3), 289-90.
- ⁵⁹ BORRÁS, E; ALZUET, G; BORRÁS, J; SERVER-CARRIO, J; CASTINEIRAS, A;
 LIU-GONZA LEZ, M; and SANZ-RUIZ, F; Polyhedron, **2000**, 19, 1859–1866.
- ⁶⁰ HANS G; GRIEBLE, M. D and JACKSON, G. G. M. D; The New England Journal
 of Medicine, **1958**, 258: 1-7.
- ⁶¹ MIMINOSHVILI, É. B; BERIDZE, L. A and ZAZASHVILI, S. R; Journal of Structural Chemistry, **2011**, 52, 4, 820-823.
- ⁶² KREMER, E; FACCHIN, G; ESTE´VEZ, E; ALBORE´S, P; BARAN, E. J;
 ELLENA, J and TORRE, M. H; Journal of Inorganic Biochemistry, **2006**, 100 1167– 1175.
- ⁶³ GARCIA-RASO, A; FIOL, J. J; RIGO, S; LOPEZ-LOPEZ, A; MOLINS, E;
 ESPINOSA, E; BORRAS, E; ALZUET, G BORRAS, J and CASTINEIRAS, A,
 Polyhedron, 2000, 19, 991–1004.
- ⁶⁴ EL, G. N. M; SALMAN, A. A and SHARABY, C; Journal of Pharmaceutical
 Sciences, **1989**, 30(1-4): 23-28
- ⁶⁵ BULT, A and KLASEN, H. B; Archiv der Pharmazie Weinheim, Germany, **1978**,
 311(10), 855-61.
- ⁶⁶ MIL'GROM, A. E; CHEGOLYA, A. S; ANDRIANOVA, L. N; PESNYA, O. I;
 BOREKO, E. I and ZAPOROZHETS, L. K; Khimiko-Farmatsevticheskii Zhurnal, **1984**, 18(2), 175-8.
- ⁶⁷ MARQUES, L. L; OLIVEIRA, G. M; LANG, E. S; CAMPOS, M. M. A and GRIS,
 L. R. S; Inorganic Chemistry Communications, **2007**, 10(9), 1083-1087.
- 2160 ⁶⁸ SILVA, P. Farmacologia 7^a ed. Rio de Janeiro, Editora Guanabara Koogan, **2006**.
- ⁶⁹ BAMIGBOYE, M. O; OBALEYE, J. A and ABDULMOLIB, S; International Jour.
 Chem., 2012, 22, 105-108
- ⁷⁰ BORMIO, N. J. H; RAPHAEL, E. F; CUIN, A; LUSTRI, W. R and CORBI, P. P;
 Polyhedron, 2015,85,437-444.
- 2165 ⁷¹ REFAT, MOAMEN. S; SHARSHAR, T; ELSABAWY, KHALED. M; EL-SAYED,
- 2166 MOHAMED. Y; ADAM, A. M. A; Journal of Molecular Liquids, **2016**, 222, 334-349.
- 2167 ⁷² FOGEL, M; New York State Journal of Medicine, **1941**, 41, 122-5.
- ⁷³ BROWN, G. M; Journal of Biological Chemistry, **1962**, 237,536-40.

- ⁷⁴ MARZANO, I. M; FRANCO, M. S; SILVA, P. P; AUGUSTI, R; SANTOS, G,
 C; FERNANDES. N, G; BUCCIARELLI-RODRIGUEZ, M; CHARTONE-SOUZA.
- 2171 E; PEREIRA-MAIA, E. C; Molecules (Basel. Online), **2013**, 18, 1464-1476.
- ⁷⁵ MONDELLI, M; BRUNÉ, V; BORTHAGARAY, G; ELLENA, J; NASCIMENTO,
 O. R; LEITE, C. Q; BATISTA, A. A and TORRE, M. H; J. Inorg. Biochem., 2008, 102,
 2174 285–292.
- ⁷⁶ DONAHUE, K. E; GARTLEHNER, G; JONAS, D. E; LUX, L. J; THIEDA, P;
 JONAS, B. L; HANSEN, R. A; MORGAN, L. C and LOHR, K. N; Systematic review:
 Annals of Internal Medicine, **2008**, 148 (2):124-134.
- 2178 ⁷⁷ ROBE, P.A; BENTIRES-ALJ, M; BONIF, M; ROGISTER, B; DEPREZ,
 2179 M; HADDADA, H; KHAC, M. T; JOLOIS, O; ERKMEN, K; MERVILLE, M.
 2180 P; BLACK, P. M and BOURS, V; Clinical Cancer Research, 2004, 10(16), 5595-5603.
- ⁷⁸ REFAT, M. S and MOHAMED, S. F; Spectrochimica Acta Part A, **2011**, 82, 108117.
- ⁷⁹ MARZANO, I. M; Síntese, caracterização e estudo da atividade antitumoral e
 antibacteriana de alguns complexos metálicos de bismuto(III) e gálio(III) Tese de
 Doutorado, UFMG ICEX-(**2013**)- Prof.^a E.C.P. Maia, Prof.^a C. P. Demicheli.177.
- ⁸⁰ ABD EL-WAHED, M. G; ELMEGHARBEL, S; EL-SAYED, M. Y and REFAT, M.
 S; Bulgarian Chemical Communications, **2015**, 47, 3, 895 903.
- ⁸¹ FUHRHOP, J and PENZLIN, G; Organic Synthesis VCH Verlagsgerellschaft, **1994**.
- 2189 ⁸² GUERRA, W; SILVA, H; FONTES, A. S and ALMEIDA, M. V; Química Nova,
 2190 2007, 30, 56-58.
- ⁸³ SILVA, P. P; GUERRA, W; DOS SANTOS, G. C; FERNANDES, N. G; SILVEIRA,
 J. N; DA COSTA F, A. M; BORTOLOTTO, T; TERENZI, H; BORTOLUZZI, A J;
 NEVES, A; PEREIRA-MAIA, E. C; Journal of Inorganic Biochemistry, 2014, 132, 6776.
- 2195 ⁸⁴ REDA F. M. E.; CHRISTOPH, J. Z. Naturforsch. **2011**, 66b, 1202 1208
- 2196 ⁸⁵ YALE, H. L; JOSEPH, K. L; HOLSING, M. M; PERRY, F. M e BERNSTEIN J. J.
 2197 Am. Chem. Soc., **1953**, 75 (8), 1933–1942.
- 2198 ⁸⁶ABDUL-GHANY M. AL- DAHER e IBRAHEEM A. AL-QASSAR. Raf. J. Sci.
 2199 2011, 22, 3, 108- 118.
- 2200 ⁸⁷ VISWANATHAN, M; NATARAJ, C; MATTHIAS, Z; KARUPPANNAN, N.
 2201 Polyhedron, 2009, 28(8), 1532-1540.
- ⁸⁸ THOTA, S; VALLALA, S; YERRA, R; RODRIGUES, D. A; RAGHAVENDRA, N.
 M; BARREIRO, E. J; Int J Biol Macromol., **2016**, 82, 663-70.
- ⁸⁹ MILUTINOVIC, M. M; RILAK, A; BRATSOS, I; KLISURIC, O; VRANES, M;
 GLIGORIJEVIC, N; RADULOVIC, S and BUGARCIC, Z. D; Journal of Inorganic
 Biochemistry, 2017, 169, 1-12.

- ⁹⁰ NUNEZ, M. E; SPAIN, E. M and Ly, E; Abstracts of Papers, 228th ACS National
 Meeting, 2004, 22-26,
- ⁹¹ CARDOSO, C. R; Complexos de metais de transição para o desenvolvimento de novas drogas neuroativas. 2010. 107 p. Dissertação (Mestrado em Química Inorgânica)
 2212 Universidade Federal de São Carlos, São Paulo, Brasil, 2010.
- ⁹² FRANCISCATO, D. S and SOUZA, V. R; Monatsh Chem, **2016**, 147:1315–1321
- ⁹³ SHANG-HAI, LAI; WEI, LI; XIU-ZHEN, WANG; CHENG, ZHANG; CHUANCHUAN, ZENG; BING, TANG; DAN, WAN and YUN-JUN LIU; RSC Advances,
 2016, 6, (68), 63143-63155.
- ⁹⁴ ESTEGHAMAT-PANAH, R; HADADZADEH, H; FARROKHPOUR, H;
 MORTAZAVI, M; AMIRGHOFRAN, Z; Inorganica Chimica Acta, 2017, 454, 184196.
- 2221

- ⁹⁵ SULLIVAN, B. P; SALMON, D. J; MEYER, T; Inorganic Chemistry, **1978**, 17, 3335-3341.
- 2224 2225 ⁹⁶ GEARY, W: J. Coord, Chem. Rev. **1971**, 7 81-122.
- ⁹⁷ BORTOLOTTO, T; SILVA, P. P; NEVES, A; PEREIRA-MAIA, E. C; TERENZI, H.
 Inorg. Chem, **2011**, 50, 10519–10521
- ⁹⁸ SCHANDA, P and BRUTSCHER, B. J. Am. Chem. Soc., **2005**, 127 (22), 8014–8015
- ⁹⁹ OLIVEIRA, G. A. P; DE PEREIRA, E. G; FERRETTI, G. D. S; VALENTE, A. P.
 CORDEIRO, Y and SILVA, J. L. The Journal of Biological Chemistry, **2013**, 288, 28331.
- ¹⁰⁰ BRUNO, I, J; COLE, J. C; EDGINGTON, P, R; KESSLER, M; MACRAE, C, F;
 MCCABE, P; PEARSON, J and TAYLOR, R; Acta Crystallographica Section, Bstructural Science, England, **2002**, 58, 389-397.
- 2235 ¹⁰¹ FARRUGIA, L. J; Journal of Applied Crystallography, England, **2012**, 45, 849-854.
- 2236 ¹⁰² SHELDRICK, G. M., Acta Cryst., 2008, A64, 112-122.
- ¹⁰³ HOSNY, W. M; Synth. React. Inorg. Met.Org.Chem., **1997**, 27, 189-197.
- 2238 ¹⁰⁴ <u>https://www.drugbank.ca/drugs/DB01015</u>. **Data de acesso 08-12-2016.**
- ¹⁰⁵ BREDA, S; REVA, I. D; LAPINSKI, L; NOWAK, M. J and FAUSTO, R; Journal of
 Molecular Structure, **2006**, 786, 3, 193–206.
- ¹⁰⁶ WANDAS, M; PUSZKO, A; Chemistry of Heterocyclic Compounds, July **2000**, 36,
 7, 796–800.
- ¹⁰⁷ MARQUES, L de L. Síntese, estrutura e avaliação da atividade antimicrobiana de
- 2244 complexos metálicos com sulfametoxazol Tese de Doutorado, UFSM-CCNE-(2007)
 2245 Prof. E. S. Lang.

- ¹⁰⁸ NAKAMOTO, K. Infrared and Raman Spectra of Inorganic and Coordination
 Compounds, Wiley, New York, **1986**, p-243.
- ¹⁰⁹ HANSEN, P.W and JENSEN, P. W; Spectrochim, Acta, **1994**, 50,169-183.
- ¹¹⁰ HEYNS, A. M; Spectrochimica Acta Part A: Molecular Spectroscopy, **1977**, 33,
 ²²⁵⁰ 315–322
- ¹¹¹ BARBOSA, L. C. A; Espectroscopia no infravermelho na caracterização de
 compostos orgânicos. Viçosa MG: Editora UFV, **2007**, 1, 189.
- ¹¹² LEVER, A. B. P; Inorganic electronic spectroscopy. Nova York, 2. Ed. Elsevier,
 1984.
- ^{113.} MARI, C; PIERROZ, V; RUBBIANI, R; PATRA M; HESS, J; SPINGLER,
 B; OEHNINGER, L; SCHUR, J; OTT, I; SALASSA, L; FERRARI, S and GASSER G.
 Chemistry. 2014, 27;20(44):14421-36.
- ^{114.} SUN, Q; MOSQUERA-VAZQUEZ, S; SUFFREN, Y; HANKACHE, J;
 AMSTUTZ, N; DAKU, L. M. L; VAUTHEY, E; HAUSER, A. Coord. Chem. Rev. **2015**, 282–283, 87–99.
- 2261 ^{115.} KNOLL, J. D and TURRO, C. Coord. Chem. Rev. **2015**, 282–283, 110–126.
- ^{116.} ALBANI, B. A; PEÑA, B; LEED, N. A; DE PAULA, N. A. B. G; PAVANI, C;
 BAPTISTA, M. S; DUNBAR, K. R; TURRO, C. J. Am. Chem. Soc. 2014, 136,
 17095–17101.
- ¹¹⁷ PAVIA, D. L; LAMPMAN, G. M; KRIZ, G. S and VYVYAN, J. R; Introdução a
 espectroscopia. 4ª ed Editora Cengage, **2010**.
- ¹¹⁸ WEI-ZHENG SHEN; GABRIELE TRÖTSCHER-KAUS and BERNHARD
 LIPPERT. Dalton Transactions, 2009, 8203–8214
- ¹¹⁹ SUNIL, S. L; NAYAK, S. K; HTHWAR, V. R; CHOPRA, D and ROW, T. N. G;
 Role of Fluorine in Weak Interecations in Co-Crystal. In: WOUTERS, J; QUERE, L.
 (Org). Pharmaceutical Salts and Co-Crystal. Cambridge: RSC Publising, 2011. p. 2939.
- ¹²⁰ SCHPECTOR, J. Z and TIEKINK, E. R. T. The Importance of Pi-Interactions in Crystal Engineering: Frontiers in Crystal Engineering. 1^a.ed. New Delhi: Library of Congress Cataloging in Publication Data, **2012**, p. 377.
- ¹²¹ ALMEIDA, J. C; MARZANO I. M; PAULA, F. C. S; PIVATTO, M; LOPES, N.
 P; SOUZA, P. C; PAVAN, F. R; FORMIGA, A. L. B; PEREIRA-MAIA, E. C
 and GUERRA, W; Journal of Molecular Structure, **2014**, 1075, 370-376.
- 2279 ¹²² SILVA, P. P. Síntese, caracterização físico-química e estudo da atividade 2280 antitumoral de complexos ternários de Cu(II) com antibióticos e uma α-α diamina e de 2281 Ru(II) com α-α diamina. Tese de Doutorado, UFMG ICEX-(2013)- Prof.^a E.C.P. Maia.
- 2282 ¹²³ SILVA, PRISCILA P; PAULA, F. C. S. DE; GUERRA, W; SILVEIRA, J. N;
 2283 BOTELHO, F. V; VIEIRA, L. Q; BORTOLOTTO, T; FISCHER, F. L; BUSSI,

- 2284 G; TERENZI, H and PEREIRA-MAIA, E. C; Journal of the Brazilian Chemical 2285 Society, **2010**, 21, 1237-1246.
- ¹²⁴ FIRDAUS, F; FATMA, K; AZAM, M; KHAN, S. N; KHAN, A. U AND SHAKIR,
 M; Transition Met Chem., **2008**, 33:467–473.

- ¹²⁵ ANDREZALOV, PLSÍKOVA, L. J; JANOCKOVA, J; KONARIKOV, K;
 ²²⁹⁰ ZITNANOV, I; KOHÚTOV, M and KOZURKOVA, M; Journal of Organometallic
 ²²⁹¹ Chemistry, 2017, **827**, 67-77.
- ¹²⁶ CHEN, L. M; LIU, J; CHEN, J. C; SHI, S; TAN, C. P; ZHENG, K. C and JI, L. N; J.
 Mol. Struct., **2008**, 881, 156-166.
- 2294 ¹²⁷ CHEN, Z; WANG, X; LI, Y and GUO, Z; Inorg. Chem. Comm., **2008**, 11,1392-1396.
- ¹²⁸ MOREIRA, M. B; FRANCISCATO, D. S; TOLEDO, K. C. F; SOUZA, J. R. B. DE;
 NAKATANI, H. S and SOUZA, V. R. DE. Química Nova, **2014**, 38, 227-232.
- ¹²⁹ SURYAWANSHI, V. D; WALEKAR, L. S; GORE, A. H; ANBHULE P. V and
 KOLEKAR, G. B; Journal of Pharmaceutical Analysis, **2016**, 6, 56.
- ¹³⁰ VIJAYAN, P; VISWANATHAMURTHI, P; SILAMBARASAN, V;
 VELMURUGAN, D; VELMURUGAN, K; NANDHAKUMAR, R; BUTCHER, R. J.
 SILAMBARASAN, T and DHANDAPANI, R; Journal of Organometallic Chemistry,
 2003 2014, 768, 163-177.
- 2304 ¹³¹ YUAN, F; CHEN X; LIU Y; ZHANG T and SUN D; Chirality, **2012**, 24(2),174-80.
- ¹³² LIU, M; LIM, Z. J; GWEE, Y. Y; LEVINA, A; LAY, P. A, Angew Chem Int Ed
 Engl., 2010, 22;49(9):1661-1664.
- ¹³³ RAMADEVI, P; SINGH, R; JANA, S. S; DEVKAR, R; CHAKRABORTY, D, J
 PHOTOCHEM Photobiol A Chem., 2015, 305:1–10
- ¹³⁴ DE GRANDIS, R. A; DE CAMARGO, M. S; DA SILVA, M. M; LOPES, É.
 O; PADILHA, E. C; RESENDE, F.A; PECCININI, R. G; PAVAN, F. R; DESIDERI,
 A; BATISTA, A. A; VARANDA, E. A, Biometals., 2017, 30(3):321-334.
- ¹³⁵ TARUSHI, A; TOTTA, X; PAPADOPOULOS, A; KLJUN, J; TUREL, I;
 KESSISSOGLOU, D. P and PSOMAS, G. Eur J Med Chem., **2014**, 74,187.
- ¹³⁶ BUSCHBECK, M; HOFBAUER, S; DI CROCE, L; KERI, G and ULLRICH,
 A; EMBO Rep., 2005, 6, 63.
- ¹³⁷ OLIVEIRA, G. A. P; Aplicações em biologia estrutural para a compreensão de sistemas biológicos. Rio de Janeiro: UFRJ / IBqM, Orientação: Jerson Lima da Silva
 Tese (doutorado em Química biológica) Universidade Federal do Rio de Janeiro,
 Instituto de Bioquímica Médica, Programa de Pós-Graduação em Química Biológica,
 2013.
- ¹³⁸ VOHIDOV, F; KNUDSEN, S. E; LEONARD, P. G; OHATA, J; WHEADON,
 M. J; POPP, B. V; LADBURY, J. E and BALL, Z. T; Chem. Sci., **2015**, 6, 4778.

2323 2324 2325	¹³⁹ KRISHNAMURTY, R; BRIGHAM J. L; LEONARD, S. E; RANJITKAR, P; LARSON, E. T; DALE, E. J; MERRITT, E. A and MALY, D. J; Nat. Chem. Biol., 2013 , 9, 43-50.
2326	
2327	
2328	
2329	
2330	
2331	
2332	
2333	
2334	
2335	
2336	

2338 ANEXO 1

2339 DISTRIBUIÇÃO EXPERIMENTAL E TEÓRICA PARA OS 2340 COMPLEXOS 3 A 10







2343Figura S2 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie2344 $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_9H_9N_4O_2S_2)]^{+2}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).



2346 **Figura S3** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie 2347 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_9H_9N_4O_2S_2)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).



2350 **Figura S4** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie 2351 $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_3O_2S)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).



2353 **Figura S5** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para esp 2354 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{11}H_{11}N_3O_2S)]^{+2}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).







2360 **Figura S7** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie 2361 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+2}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).



2365 **Figura S8** Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie 2366 $[Ru(C_{10}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).



2367Figura S9 Distribuição isotópica experimental (A) e calculada (B) para espécie2368 $[Ru(C_{12}H_8N_2)_2(C_{10}H_{10}N_3O_3S)]^{+1}$ em solução acetonitrila:acetona (1:1).









2377 CARACTERIZAÇÃO DE PRECURSORES EMPREGADOS NO 2378 PREPARO DO COMPLEXOS DE RU(II) COM LIGANTES MISTOS

2379

O precursor foi modificado com a finalidade de amplificar as propriedades biológicas desejáveis, e eliminar ou reduzir propriedades indesejáveis. Porém, para modificar a estrutura destes precursores foi necessário caracterizar os mesmos. As seguintes técnicas foram usadas nas caracterizações dos precursores: análise elementar, ponto de decomposição, medida de condutividade, espectroscopia de absorção na região do infravermelho e espectroscopia de ressonância magnética nuclear de ¹H.

2386 1 Análise elementar, condutimetria e ponto de decomposição.

2387 Os dados referentes aos teores de carbono, hidrogênio e nitrogênio e as 2388 condutividades em solução 1,0 x 10^{-3} mol L⁻¹ [$\Lambda_M(\mu S/cm)$] dos precursores estão 2389 listados na Tabela 1.

Os resultados das análises elementares desses precursores estão em
correspondência com as fórmulas moleculares propostas. As condutividade em
nitrometano revelam que os precursores, *cis*-[RuCl₂(bpy)₂]·2H₂O e *cis*-[RuCl₂(phen)₂]
não são eletrólitos.

Tabela 1. Dados das análises elementares, medidas de condutividade e ponto de
 decomposição dos precursores.

Complexos	%C	%H	%N	$\Lambda_{\rm M}$ ohm ⁻¹ cm 2	Ponto de
				mol ⁻¹	decomposição
$[RuCl_2(C_{10}H_8N_2)_2] \cdot 2H_2O (precursor bpy)$					300
$MM = 520,37 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	46,70	3,45	10,83	1,40	
calculado	46,16	3,87	10,77		
[RuCl ₂ (C ₁₂ H ₈ N ₂) ₂] (precursor phen)					312
$MM = 532,29 \text{ g mol}^{-1}$					
experimental	54,11	3,08	10,66	1,42	
calculado	54,14	3,03	10,52		

2396 2 Espectroscopia de absorção na região do infravermelho

2397 O espectro de absorção na região do infravermelho do precursor *cis*-[RuCl₂ 2398 (bpy)₂]·2H₂O mostra a presença de quatro importantes estiramentos (Figura S12). Os 2399 estiramentos v_{as} (N–H), vC–H (aromático), δ C=C e C=N (do anel da bpy) e δ C–H 2400 aromático foram observados respectivamente em 3438, 3098 a 3068, 1614 a 1418 e 768 2401 cm⁻¹.



Figura S12 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor cis[RuCl₂
(bpy)₂]·H₂O.

- 2404 Para o precursor *cis*-[RuCl₂(phen)₂]·2H₂O (Figura S13) os estiramentos vC=C e
- 2405 C=N e vC-H aromático foram observados respectivamente nas regiões 1500 a 1422 e
- 2406 734 cm⁻¹.



Figura S13 Espectro de absorção na região do infravermelho do precursor *cis*[Ru(phen)₂Cl₂].

2410 **3 Ressonância magnética nuclear de hidrogênio RMN de ¹H**

No espectro de RMN de ¹H do precursor *cis*-[RuCl₂(bpy)₂] foi possível identificar os 16 prótons dos anéis da bpy (Figura S14). O espectro de RMN de ¹H comprovou a formação do precursor e que o mesmo foi obtido com certo grau de pureza, devido à ausência de sinais de possíveis contaminantes. As atribuições dos deslocamentos químicos para deste precursor estão disponíveis na Tabela 2.

2416

2417	Fabela 2- Atribuições dos sinais de RMN de ¹ H do precursor <i>cis</i> -[RuCl ₂ (bpy) ₂] er	n
2418	dmso-d ₆ a 298K, 400 MHz.	

Atribuição integral	precursor (ppm)	<i>cis</i> -[RuCl ₂ (bpy) ₂]	Número de H.
H5 e H2	9,98		2
H24 e H17	8,66		2
H11 e H7	8,46		2
H25 e H19	8,06		2
H6, H18, H23 e H13	7,77		4
H4 e H9	7,49		2
H21 e H16	7,10		2



2420Figura S14 Espectro de RMN de 1 H do precursor *cis*-[RuCl₂(bpy)₂], em dmso-d₆ a2421298K, 400 MHz

O espectro de RMN de ¹H do precursor *cis*-[RuCl₂(phen)₂] está representado na 2422 2423 Figura S15. O precursor cis-[Ru(C₁₂H₈N₂)₂Cl₂] possui 16 hidrogênios, sendo oito 2424 hidrogênios equivalentes. Em consequência a isso, espera-se que o espectro de RMN de 2425 ¹H desse precursor apresente apenas oito sinais referentes aos hidrogênios inseridos em 2426 ambientes químicos distintos. Um tripleto em δ 6,61 corresponde aos hidrogênios mais 2427 protegidos, H12 e H13. O sinal seguinte em δ 7,01 corresponde a um dupleto duplo 2428 atribuído aos hidrogênios H26 e H27. Os sinais seguintes em δ 7,11 e 7,31 2429 correspondem a dupletos duplos atribuídos aos hidrogênios H8 e H16 e H30 e H32. O 2430 tripleto em δ 7,57 e o dupleto em δ 7,97 correspondem aos hidrogênios H9 e H14 e H23 2431 e H28. E por último, os dois últimos dupletos correspondem H21 e H29 e H7 e H15, 2432 que pertencem a carbonos que estão ligados diretamente ligados a nitrogênios.

2433As caracterizações descritas acima permitiram o uso destes dois precursores na2434síntese dos complexos de rutênio com ligantes mistos.



Figura S15 Espectro de RMN de ¹H do precursor *cis*-[RuCl₂(phen)₂], em dmso-d₆ a
2437 298K, 400 MHz.